

A fehérjék hierarchikus szerkezete

Smeller László

Semmelweis Egyetem

Biofizikai és Sugárbiológiai Intézet

Fehérjék felosztása

Biológiai funkció alapján

- Enzimek (pl.: tripszin, citokróm-c...)
- Transzportfehérjék (pl.: hemoglobin, mioglobin...)
- Védőfehérjék (pl.: ellenanyagok, interferonok...)
- Toxinok (pl.: ricin, kígyómérgek...)
- Hormonok (pl.: inzulin, növekedési hormon...)
- Kontraktilis fehérjék (pl.: miozin, aktin, dinein)
- Struktúrfehérjék (pl.:kollagén, elasztin ...)
- Taratlékfehérjék (pl.:ovalbumin, kazein, ferritin...)
- Egyéb (pl.:hisztonok...)

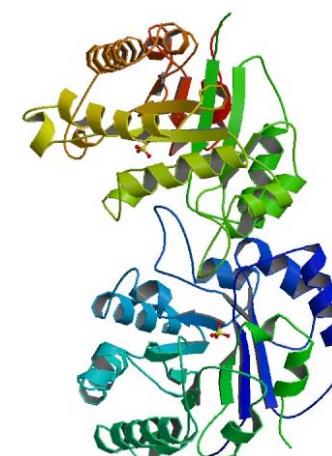
Fehérjék felosztása

Alak alapján

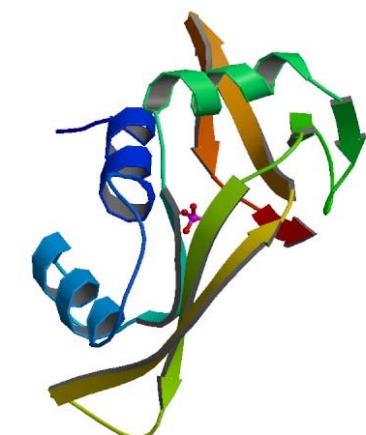
- Fibrilláris fehérjék (pl.: kollagén...)
- Globuláris fehérjék (pl.: hemoglobin, mioglobin...)
- Membránfehérjék (pl.: rodopszin...)

Másodlagos szerkezet alapján

- Kizárolag helikális (pl.: mioglobin...)
- Alfa/béta szerkezetű (pl.: Triózfoszfat-izomeráz...)
- Alfa+beta (pl.:ribonukleáz...)
- Kizárolag béta (pl.:tenascin...)



Alfa/béta szerkezetű (Triózfoszfat-izomeráz)



Alfa+beta (ribonukleáz)

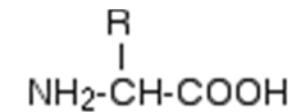
Szerkezeti hierarchia

- Elsődleges szerkezet
- Másodlagos szerkezet
- Harmadlagos szerkezet
- Negyedleges szerkezet

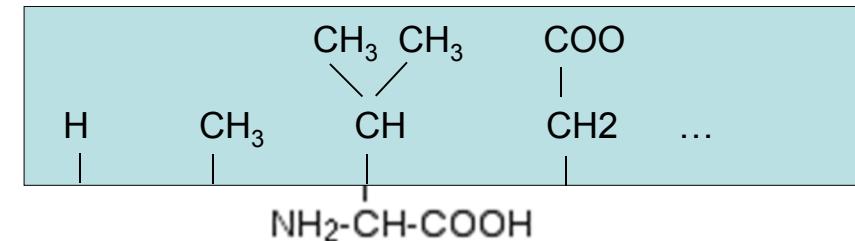
Szupramolekuláris szerveződések

A fehérjék építőkövei az aminosavak

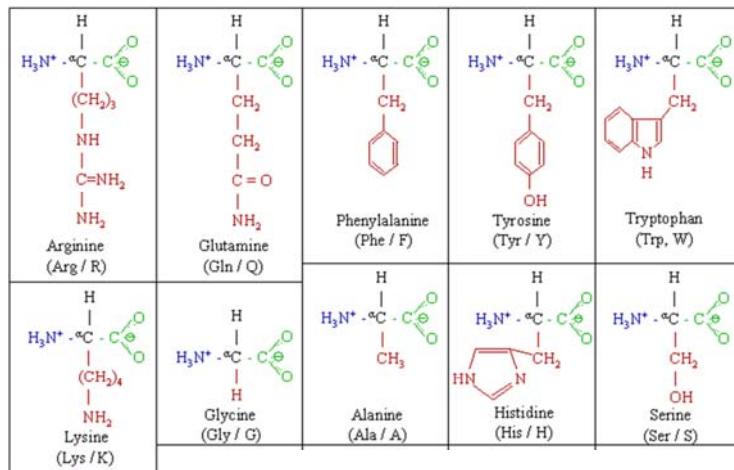
Az aminosavak általános felépítése:



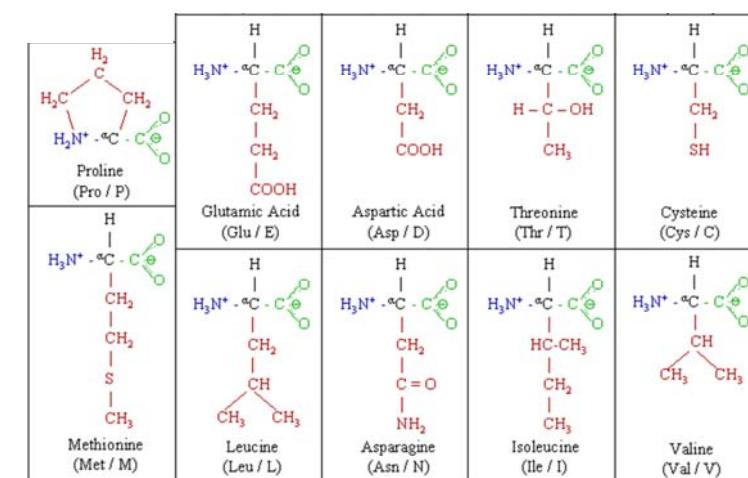
Szerkezeti variabilitás:



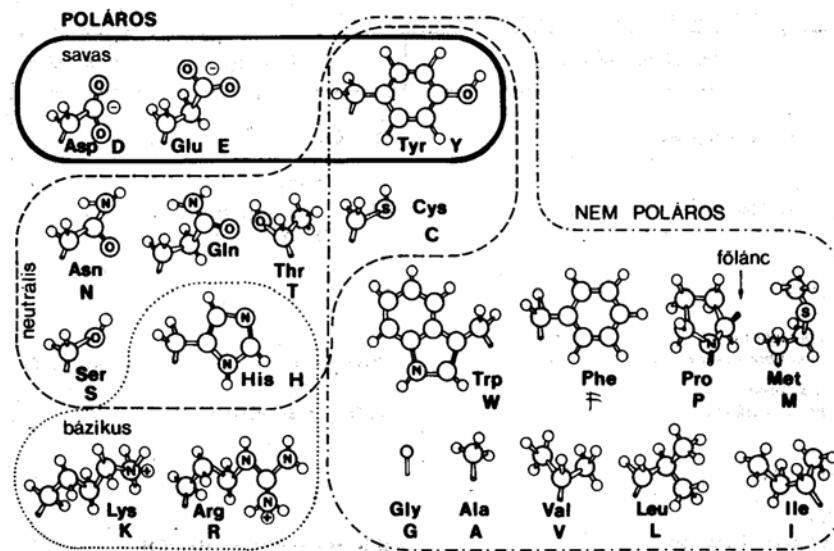
A fehérjékben előforduló aminosavak



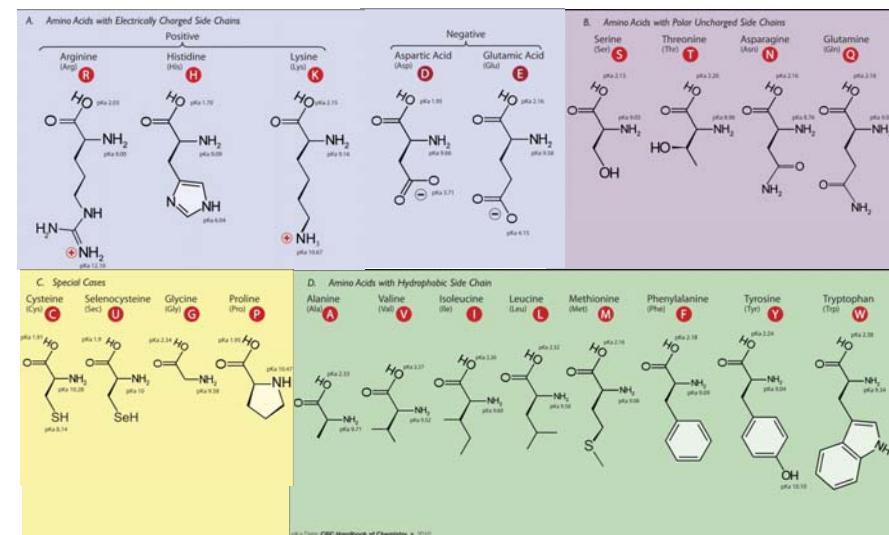
A fehérjékben előforduló aminosavak



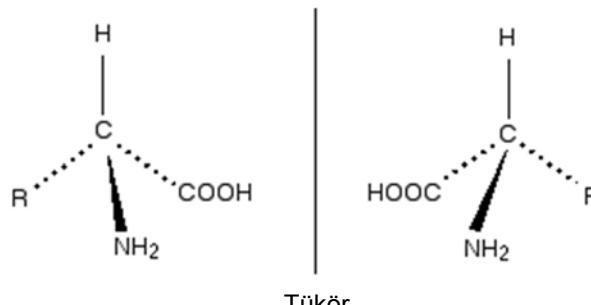
Az aminosavak tulajdonságai



Az aminosavak tulajdonságai



Kiralitás

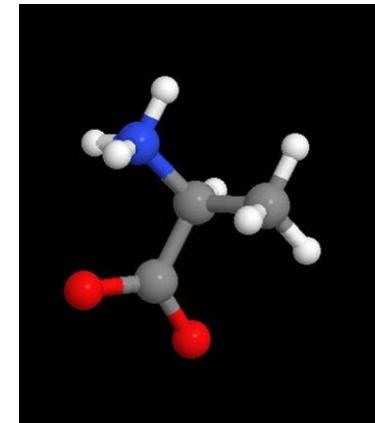
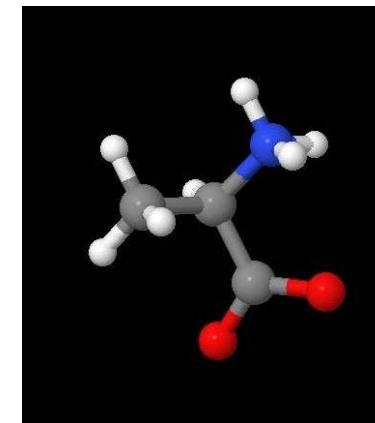


Kiralitásközpont:
egy szénatomhoz 4 különböző
atom ill. atomcsoport kapcsolódik

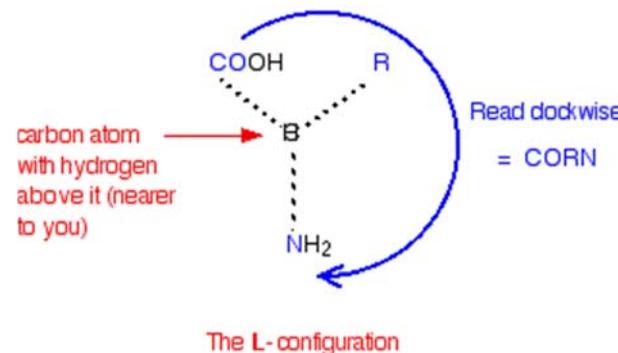
Optikai aktivitás
(polarizációsík elforgatása)



Kiralitás az alanin példáján



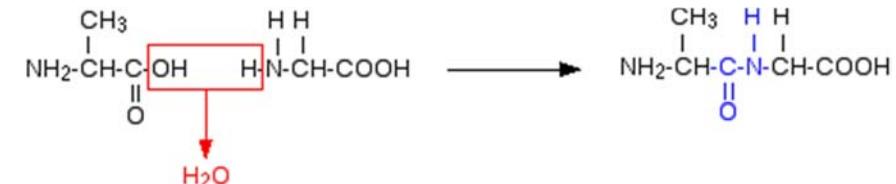
D és L enantiomerek



Élő szervezetekben: L módosulat

A polarizációs sík forgatásának iránya és L-D között nincs egyértelmű kapcsolat.
Pl.: (+)alanin (-)cisztein (-)tirozin (+)valin

Aminosavak kapcsolódása: peptidkötés



Peptid 2.. kb 20 aminosav kapcsolódása (láncszerű molekula)

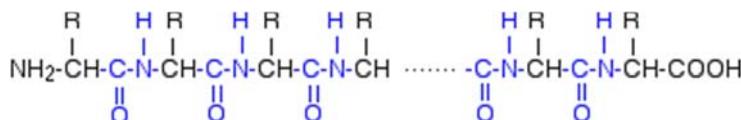
Fehérje több mint 20 aminosav kapcsolódása

Az elsődleges szerkezet

Elsődleges szerkezet:

az aminosavak sorrendje a polipeptid láncban

Milyen irányban? N terminális -> C-terminális



Pl: (mioglobin, 1YMB)

GLY LEU SER ASP GLY GLU TRP GLN GLN VAL LEU ASN VAL...

... ALA LYS TYR LYS GLU LEU GLY PHE GLN GLY

Példa: Mioglobin

Elsődleges szerkezet 3 betűs kóddal (153 as.):

GLY LEU SER ASP GLY GLU TRP GLN GLN VAL LEU ASN VAL
TRP GLY LYS VAL GLU ALA ASP ILE ALA GLY HIS GLY GLN
GLU VAL LEU ILE ARG LEU PHE THR GLY HIS PRO GLU THR
LEU GLU LYS PHE ASP LYS PHE LYS HIS LEU LYS THR GLU
ALA GLU MET LYS ALA SER GLU ASP LEU LYS LYS HIS GLY
THR VAL VAL LEU THR ALA LEU GLY GLY ILE LEU LYS LYS
LYS GLY HIS HIS GLU ALA GLU LEU LYS PRO LEU ALA GLN
SER HIS ALA THR LYS HIS LYS ILE PRO ILE LYS TYR LEU
GLU PHE ILE SER ASP ALA ILE ILE HIS VAL LEU HIS SER
LYS HIS PRO GLY ASP PHE GLY ALA ASP ALA GLN GLY ALA
MET THR LYS ALA LEU GLU LEU PHE ARG ASN ASP ILE ALA
ALA LYS TYR LYS GLU LEU GLY PHE GLN GLY

Példa: Mioglobin

Elsődleges szerkezet 1 betűs kóddal (153 as.):

>1YMB:A | PDBID | CHAIN | SEQUENCE

GLSDGEWQQVQLNVWGKVEADIAGHGQEVLRIFTGHPETLEKFDFKHLKTEAE
MKASEDLKKHGTVVLTALGGILKKKGHEAELKPLAQSHATKHKIPIKYLEFIS
DAIIHVLHSKHPGDFGADAQGAMTKALELFRNDIAAKYKELGFQG

(FASTA format)

Merev és elforgatható kötések a fehérje gerincén rotációs szabadsági fokok

Aminosavanként:

3 kötés

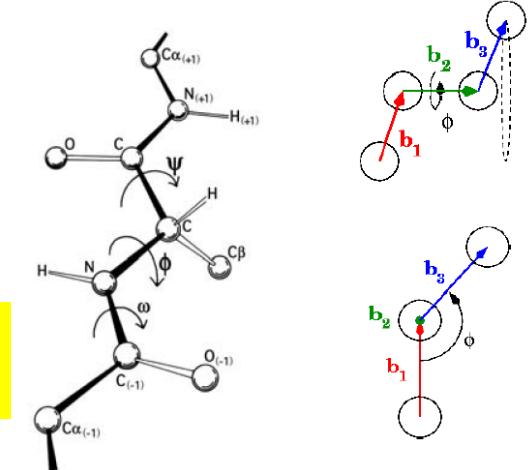
ebből:

1 fix (delokalizáció)

2 elforgatható:

Φ, Ψ dihedrális szögek

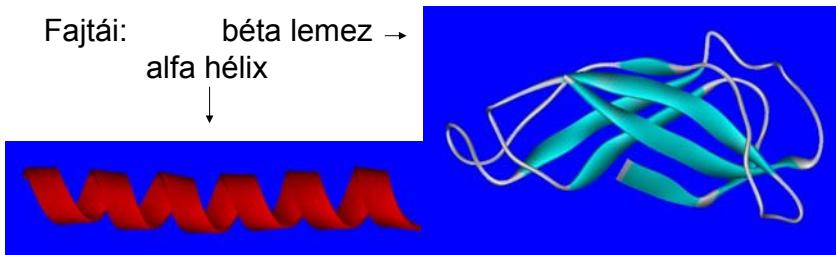
2N rotációs szabadsági fok: konformáció



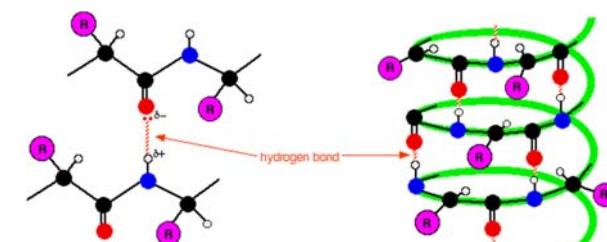
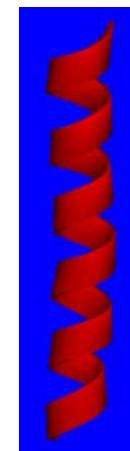
Másodlagos szerkezet

A másodlagos vagy szekunder szerkezeten a peptidgerinc hidrogénkötések által stabilizált lokális (legalább négy aminosavra kiterjedő) rendezettségét értjük.

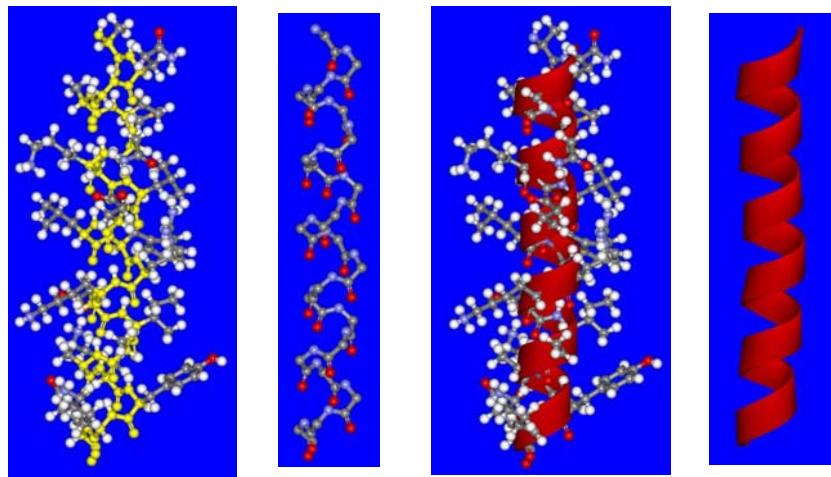
Fajtái: béta lemez →
 alfa hélix



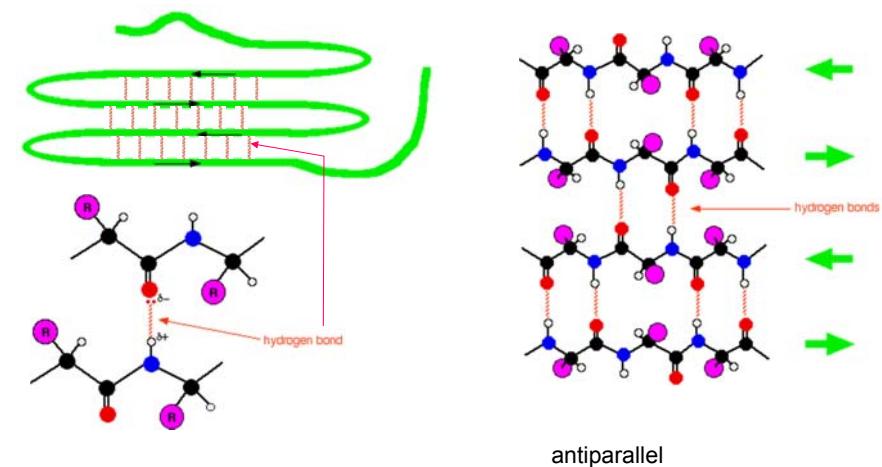
Alfa hélix



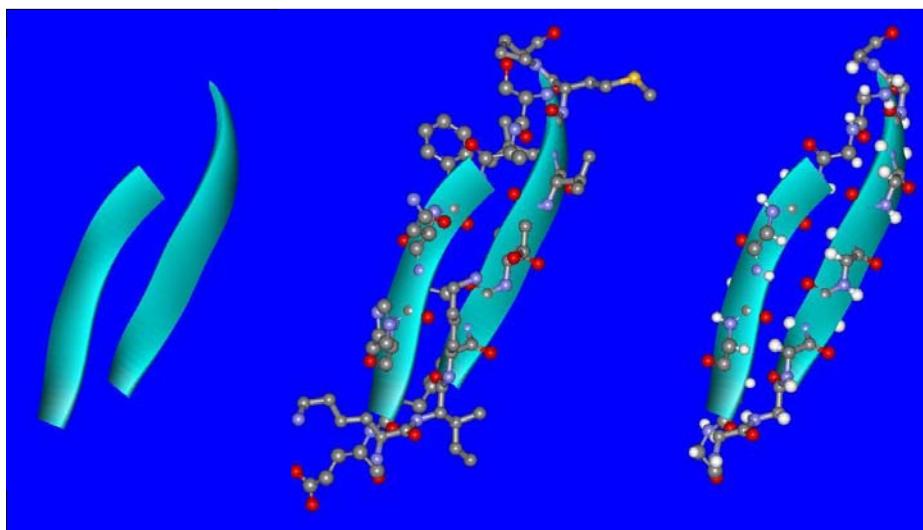
Alfa hélix



Béta lemez



Béta lemez



Másodlagos szerkezet megjelenítése egy dimenzióban

Myoglobin (d1ymba)

GLSDGEWQQVLNVWGKVEADIAHGQEVILRLFTGHPETLEKFDKFHKLKTEAMKAS ED

Myoglobin (d1ymba)

LKKHGTVVLTALGGILKKKGHEAEELKPLAQSHATKHKIPIKYLEFISDAIIHVVLHSKHP

Myoglobin (d1ymba)

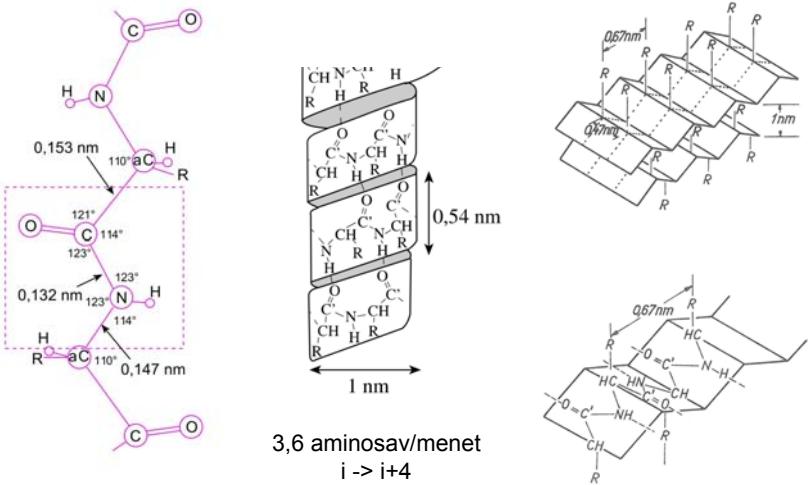
GDFGADAQGAMTKALELFRNDIAAKYKELGFQG

1 10 20 30 40 50 60

61 70 80 90 100 110 120

121 130 140 150 155

Méretek



Stabilizáló hidrogénhidak

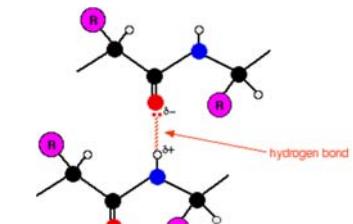
12-30 kJ/mol

vö: kovalens: 200 kJ/mol

Van der Wals: 1-2 kJ/mol

termikus energia (RT):

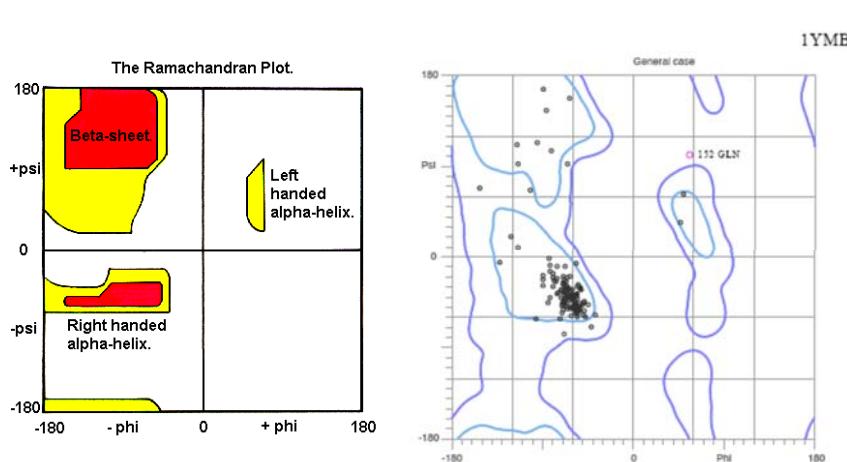
2.5 kJ/mol (T=300K)



Boltzmann faktor: $e^{-\frac{\Delta E}{RT}} = 0.000335 = \frac{1}{2981}$

($\Delta E=20\text{kJ/mol}$)

Ramachandran plot



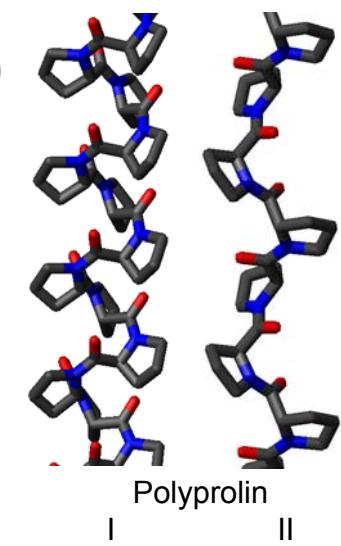
Egyéb speciális helikális szerkezetek

3_{10} -hélix* $i \rightarrow i+3$ (10 atom)

π -hélix $i \rightarrow i+5^*$

Polyprolin I helix cis

Polyprolin II helix*** trans



*az α -hélix: $i \rightarrow i+4$ $3,6_{16}$ helix

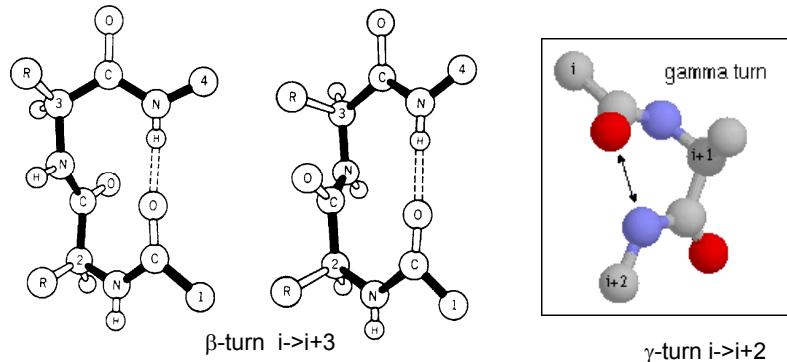
**nem fordul elő fehérjékben

*** vízben ez keletkezik

Egyéb nem helikális szerkezetek

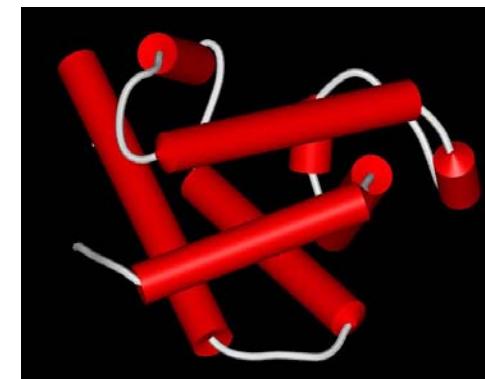
Hurkok és kanyarok

(loop) (turn)



Harmadlagos szerkezet

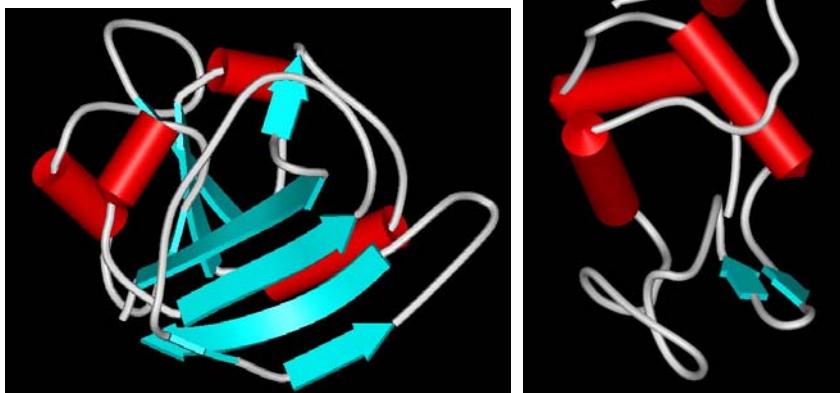
A másodlagos szerkezeti elemek térbeli elrendeződése (A teljes polipeptidlánc térbeli szerkezete)



Mioglobin

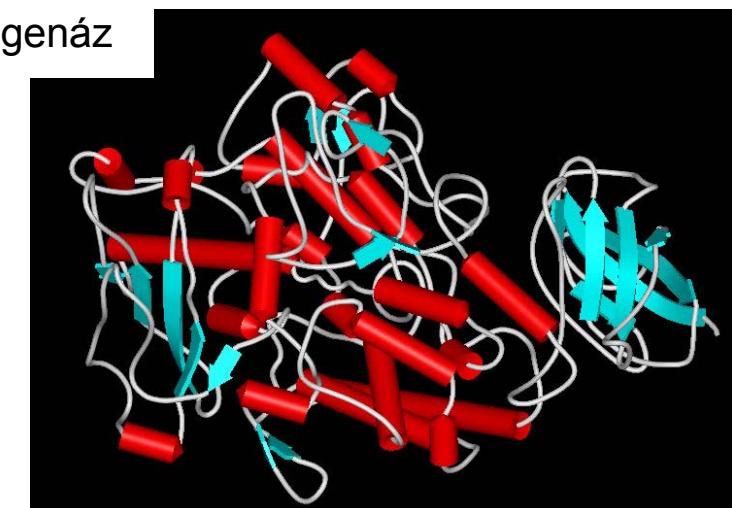
További példák

Lizozim (HEW)
Dihidrofolát reduktáz

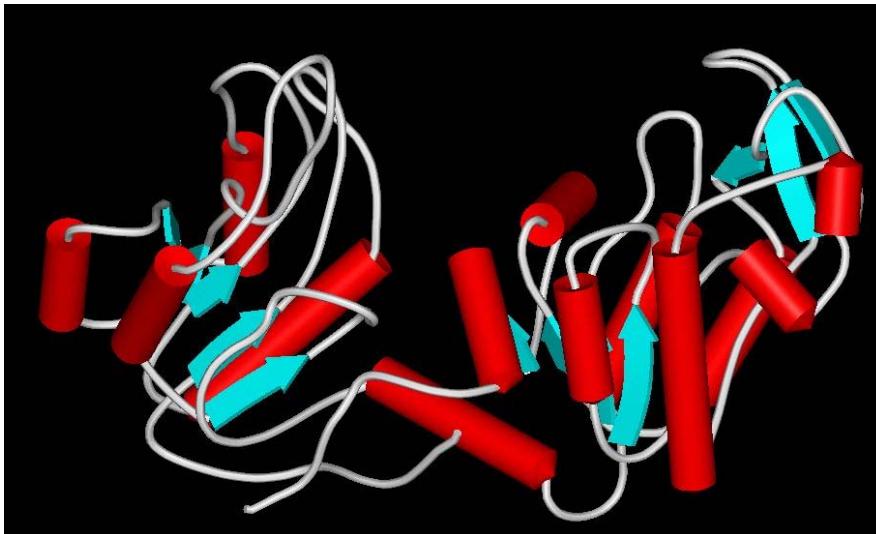


További példák

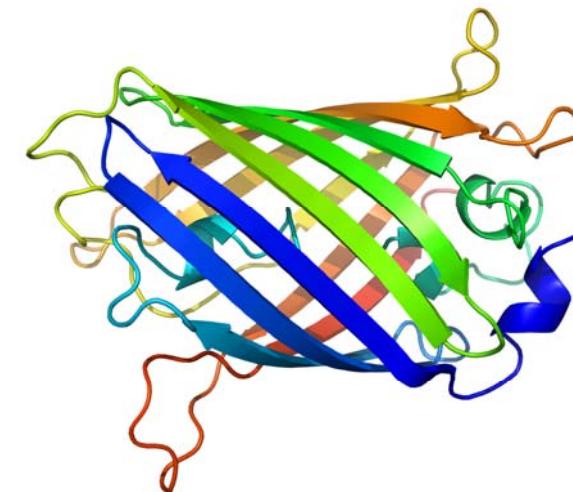
Lipoxigenáz



Példák: Foszfoglicerát-kináz



Példák: GFP



A harmadlagos szerkezetet stabilizáló kötések

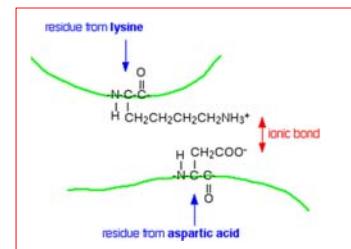
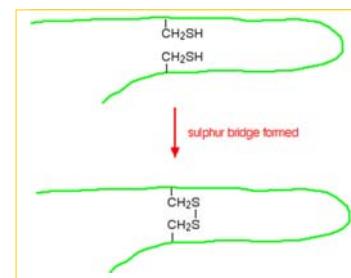
Oldalláncok között:

diszulfid híd

ionos

hidrogénhíd

Van der Waals



A harmadlagos szerkezetet stabilizáló kötések

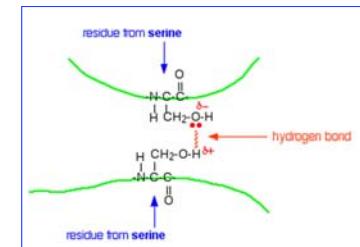
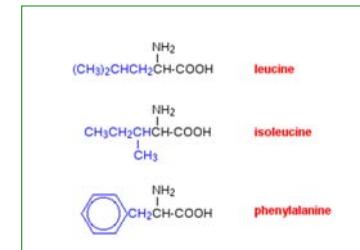
Oldalláncok között:

diszulfid híd

ionos

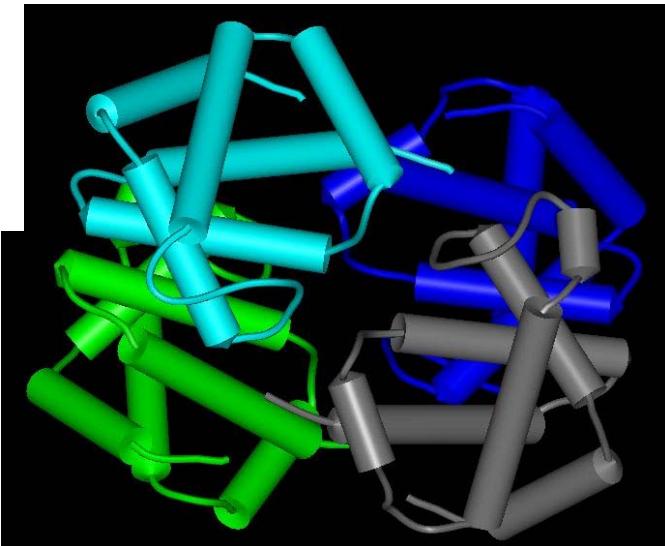
hidrogénhíd

Van der Waals

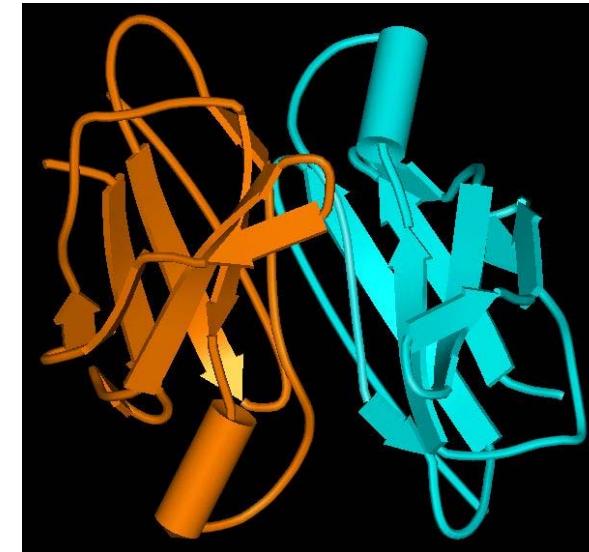


Negyedleges szerkezet

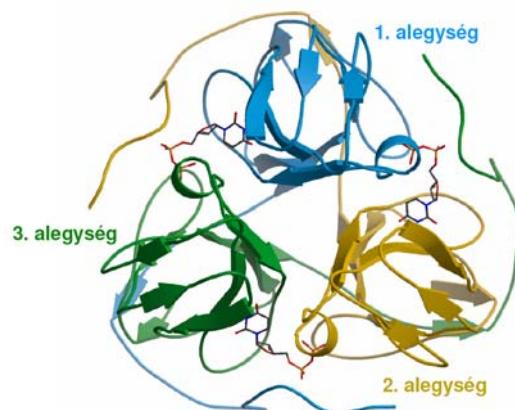
Csak több
láncból álló
fehérjéknél.
Pl:
Hemoglobin
tetramer



További példa: Transztiretin



További példa: DUTPáz

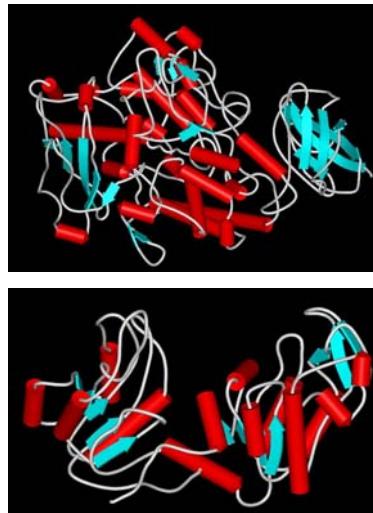


A fehérjeszerkezettel kapcsolatos további fontos fogalmak

- Domének
- Prosztetikus csoportok
- Poszttranszlációs módosulások
- Acitve site
- Zseb

Domének

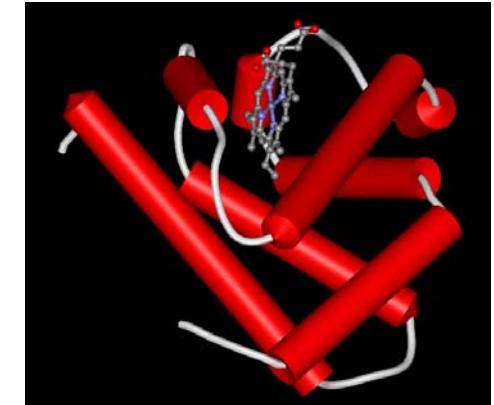
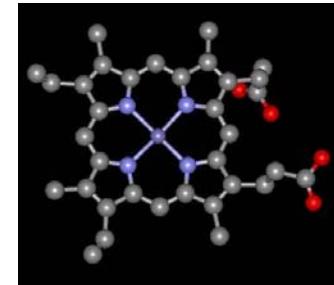
A domén a fehérjeszerkezet egy része, ami önállóan feltekeredik, a fehérje többi része nélkül is stabil és működőképes. Gyakran az egyes domének eltérő funkcióval bírnak. pl. ATP-kötő domén, stb.



További alkotóelemek: prosztetikus csoportok

Nem fehérje természetű molekulák amelyek a fehérjéhez erősen kapcsolódnak.

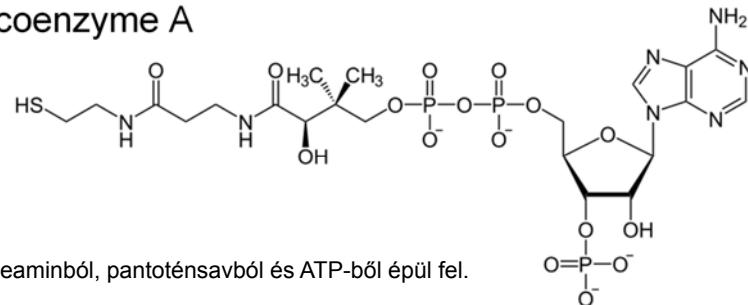
Pl: hem



További alkotóelemek: koenzimek

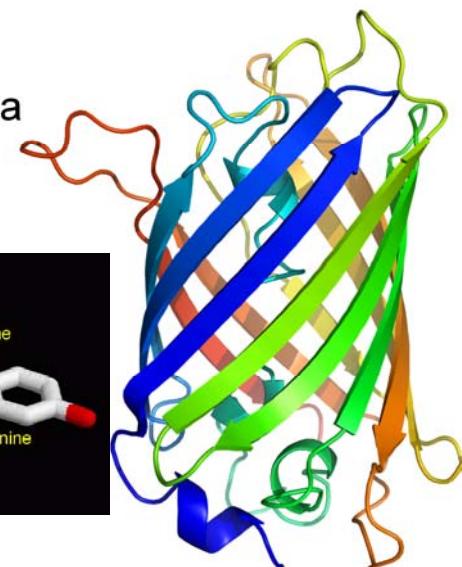
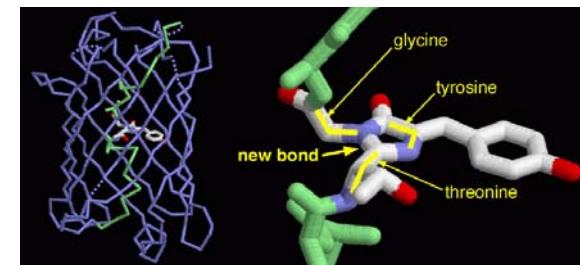
Az enzimek aktiválásához szükséges, gyengén, reverzibilisen kapcsolódó, nem fehérje-természetű molekula

Pl: coenzyme A



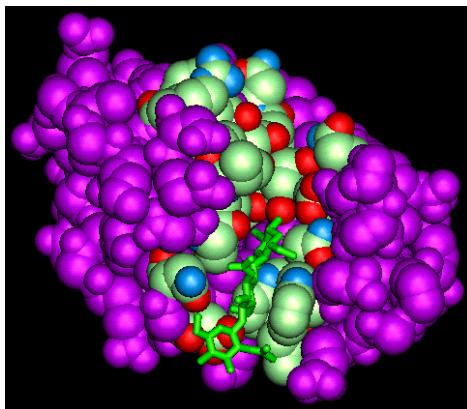
Poszttranszlációs módosulások

pl: kromofor kialakulása a GFP-ben

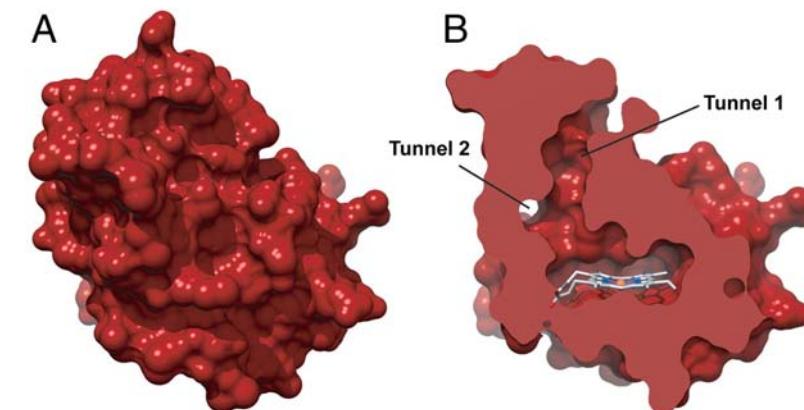


Aktív centrum

Aktív centrum (active site): az enzimnek az a része, ahol a katalizált reakció végbemegy.



Hem-zseb (heme pocket)



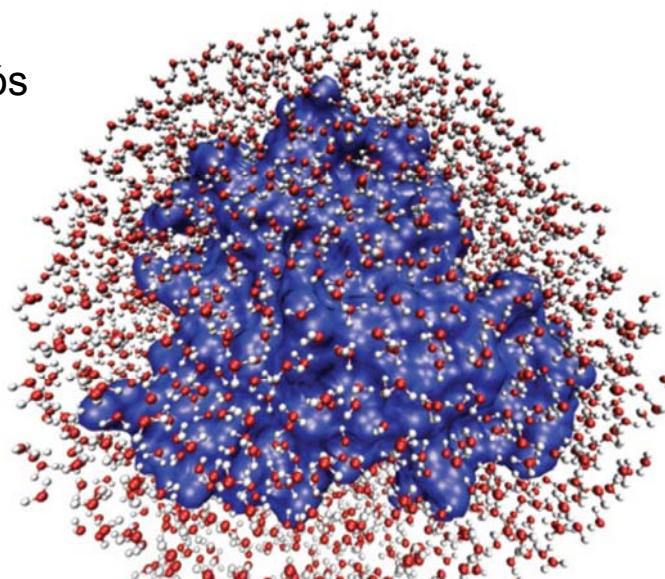
heme nitric oxide/oxygen binding (H-NOX) domain

Winter M B et al. PNAS 2011;108:E881-E889

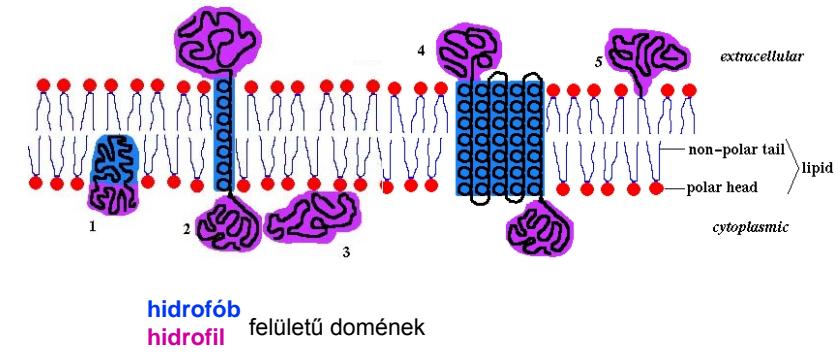
PNAS

A víz szerepe

hidrációs
réteg
2-3
víz-
réteg

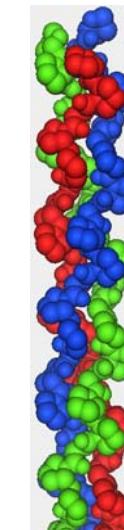
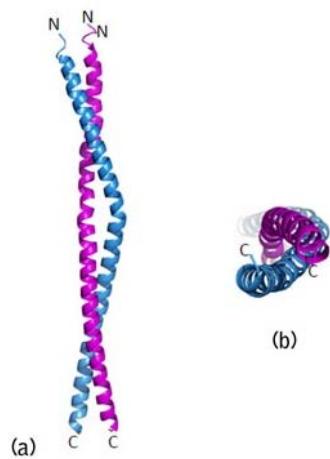


Membránfehérjék

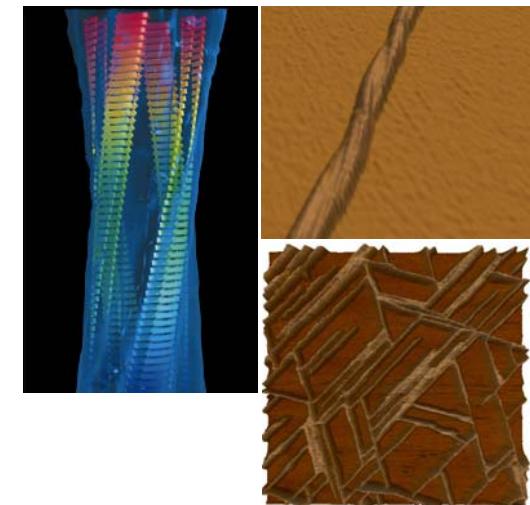


Szupramolekuláris szerveződések

- Coiled coil
- Kollagén
- Fibrillumok



kollagén



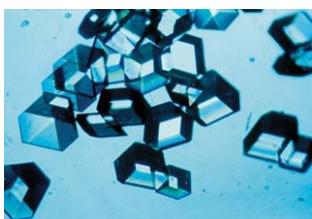
fibrillumok

A fehérjeszerkezet meghatározásra használható módszerek

Röntgen krisztallográfia

NMR

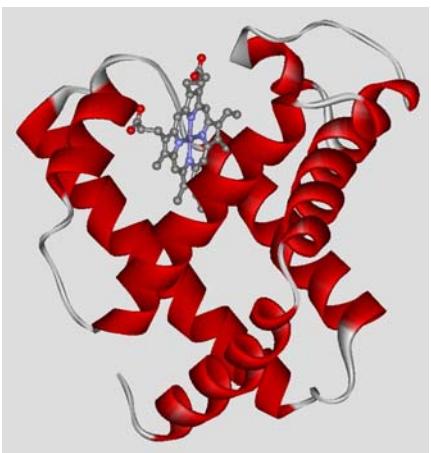
Predikciós módszerek (homológia modellezés)



A fehérjeszerkezet változásaira érzékeny spektroszkópiai módszerek

- Cirkuláris dikroizmus (CD)
- Infravörös spektroszkópia (IR, FTIR)
- Lumineszcencia spektroszkópia
- UV abszorpciós spektroszkópia
- ...

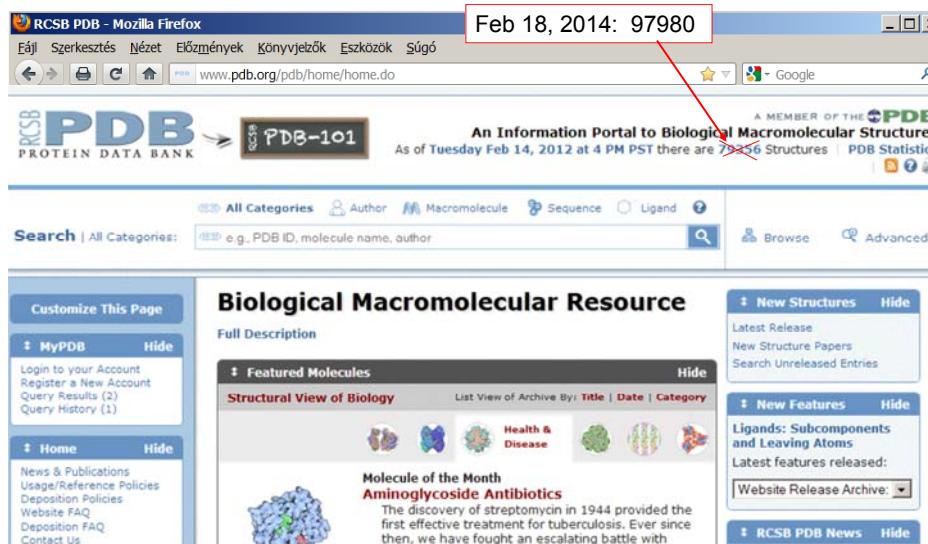
Krisztallográfia <-> NMR



myoglobin



PDB adatbázis: fehérje 3D szerkezetek Rtg és NMR alapján



The screenshot shows the RCSB PDB homepage. A red box highlights the search result "Feb 18, 2014: 97980". A red arrow points from this box to the search bar below it. The search bar contains the text "e.g., PDB ID, molecule name, author". The main content area displays a "Biological Macromolecular Resource" section with a "Molecule of the Month" for "Aminoglycoside Antibiotics". On the left sidebar, there are links for "Customize This Page", "MyPDB", "Home", "News & Publications", and "Contact Us".

Fehérje adatbázisok

- PDB

Protein Data Bank

3D szerkezetek kb (80 ezer)

Röntgenkrisztallográfia ill.

NMR mérésekből

Swiss-prot

Szekvenciák

Proteomikai segédprogramok,

Szerkezet becslés (homológia modellezés)

Kémiai paraméterek becslése (pl. izoelektromos pont...)

Szekvenciák hasonlósága...

Irodalom

<http://www.molecularmodels.ca/molecule/modelfiles/jb16alan.html>

<http://www.chemguide.co.uk/organicprops/aminoacids/background.html#top>

<http://www.chemguide.co.uk/organicprops/aminoacids/proteininstruct.html>

http://www.enzim.hu/~vertessy/kovari_phd.pdf

<http://www.pdb.org/>

T. E Chreighton: Proteins, Freeman and Company, New York

Orvosi Biofizika Szerk: Damjanovich, Fidy, Szöllösi

Tarján Imre: A biofizika alapjai

Elödi Pál: Biokémia

<http://www.pnas.org/content/108/43/E881.full>

<http://imtech.res.in/raghava/>

<http://www.cryst.bbk.ac.uk/PPS2/course/>

<http://www.cryst.bbk.ac.uk/PPS95/course/>

http://mkk.szie.hu/dep/aeet/tanweb/Fogalomtar/index_fogalom.htm

<http://www.med.upenn.edu/shorterlab/research.html>