

# Liposzómák vizsgálatának egyes fizikai módszerei:

## Röntgenszórás

ea: Bóta Attila,  
Természettudományi Kutatóközpont  
Eötvös Loránd Kutatási Hálózat (ELKH-TTK)  
Biológiai Nanokémia Kutatócsoport



---

*SE, Biofizikai és Sugárbiológiai Intézet, előadás*

*Budapest, 2023. 03. 014.*

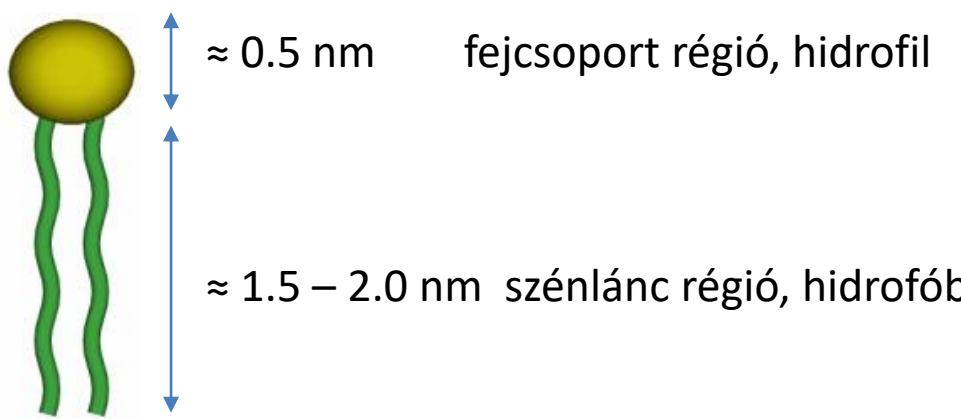
**MODELLMEMBRÁNOK (LIPOSZÓMÁK) ORVOSI, GYÓGYSZERÉSZI ALKALMAZÁSA**

# Liposzómák (vezikulák) szerkezete

A következőkben a liposzómák (vezikulák) szerkezetvizsgálatáról lesz szó. Ehhez számba kell vennünk e rendszerek szerkezeti tulajdonságait. Elsősorban az alkotó szerkezeti elemeket, azok kiterjedését kell tekintetbe vennünk. A karakterisztikus értékek megszabják, hogy a hierarchikus módon felépülő végső fomának milyen további távolság jellegű paraméterei, pl. ismétlődési távolságai vannak.

Az előző előadásokban elhangzott, hogy a vezikulák építőelemei az amfipatikus kémiai tulajdonságú lipidek. Liposzómákat, a legnagyobb biokompatibilitás figyelembevételével és a sejtmembránokhoz való hasonlatosság elérése céljából olyan lipidekből készíteneek, amelyek a sejtmembránokban tipikusak. Ezek alapján a liposzómák leggyakoribb lipidjei a foszfolipidek.

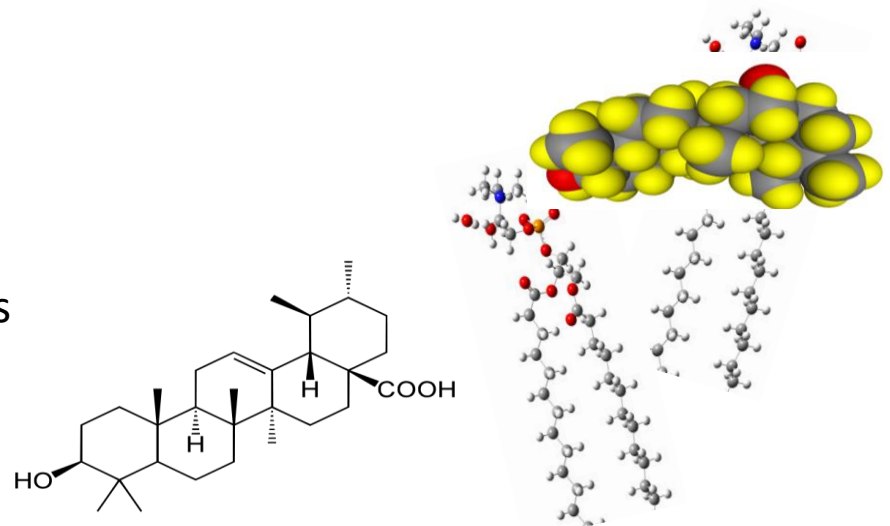
Pl. egy tipikus foszfolipid rúd alakú. Ez azt preferálja, hogy az amfipatikus molekulák sokasága kettősrétegű legyen. Kifelé mutató hidrofíl fej, a vizes közegnek megfelelően. A kettős lipidréteg önmagával záródik és létrehoz egy többé-kevésbé gömbhéjszerű réteget (ami egy, angol rövidítéssel, ULV vagy ULL= egyrétegű liposzóma, ), ezáltal a szénlánc régió nem érintkezik vízzel. A kettősréteg elasztikussága szabja meg, hogy mekkora lesz a gömhéj sugara. Minden esetre, a liposzóma mérete lényegesen nagyobb, mint a kettősréteg vastagsága.



A liposzómák lipidjei nem merevek, azok atomjai hőmozgást végeznek. Tehát az atomi távolság-skálán nem beszélhetünk szigorú rendről. Ebben a méretdimenzióban információhoz leginkább az infravörös (IR) spektroszkópia módszerével nyerünk információt. Pl. a különböző funkciós csoportok állapotában bekövetkező változásokról.

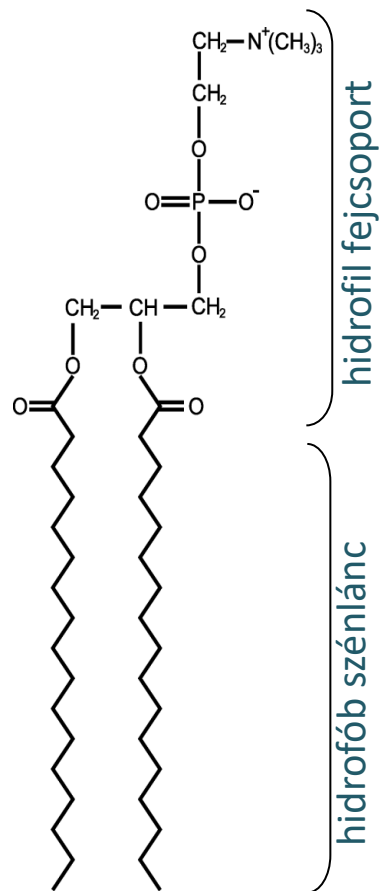
A liposzómák készítésénél további „adalékokat” kell felhasználni. A fő lipid komponens („gazda”, „gost” lipid) mellé kevert koleszterinnel a liposzóma hőmérsékletfüggő sajátságait lehet előnyösen befolyásolni, míg a további lipidet tartalmazó nagymolekulák (a lipidhez kovalensen kapcsolt 500 – 5000 Da moltömegű PEG lánc) a liposzóma stabilitását és a véráramban való hosszabb idejű keringését, az immunrendszerrel szembeni „álcázást” biztosítják. Ezeket az adalékokat „vendég” („guest”) molekuláknak nevezzük. A „vendég” molekulák liposzómán belüli elhelyezkedését az IR spektroszkópiával hatékonyan tudjuk vizsgálni, mert a „vendég” molekulák lokalizációjánál, a „gazda” lipid adott funkciós csoportjánál találunk eltolódást a rezgési sávban.

Az ábrán egy gyógyhatású molekula (urzolsav= egy triterpén származék), amely vízben nem oldódik, a dipalmitoil-foszfatidil-kolin (DPPC) lipidhez való kötődését láthatjuk. A kötődés „pontjait” az IR módszerrel azonosított funkciós csoportok rezgési sávjaiban történő eltolódás alapján tudjuk azonosítani.

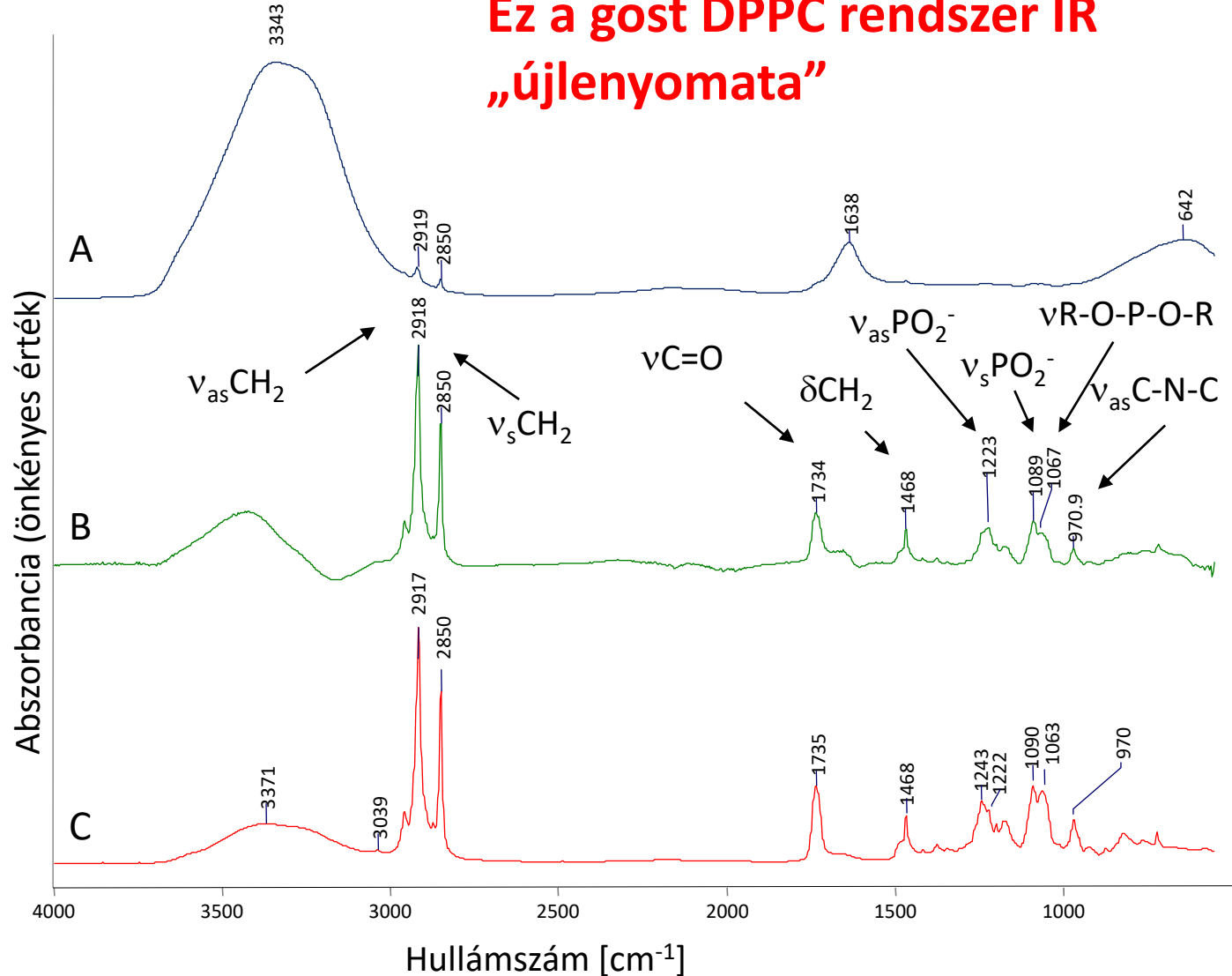


# DPPC (1,2-dipalmitoyl-*sn*-glycero-3-phosphocholine)/víz rendszer

## IR rezgési sávjai

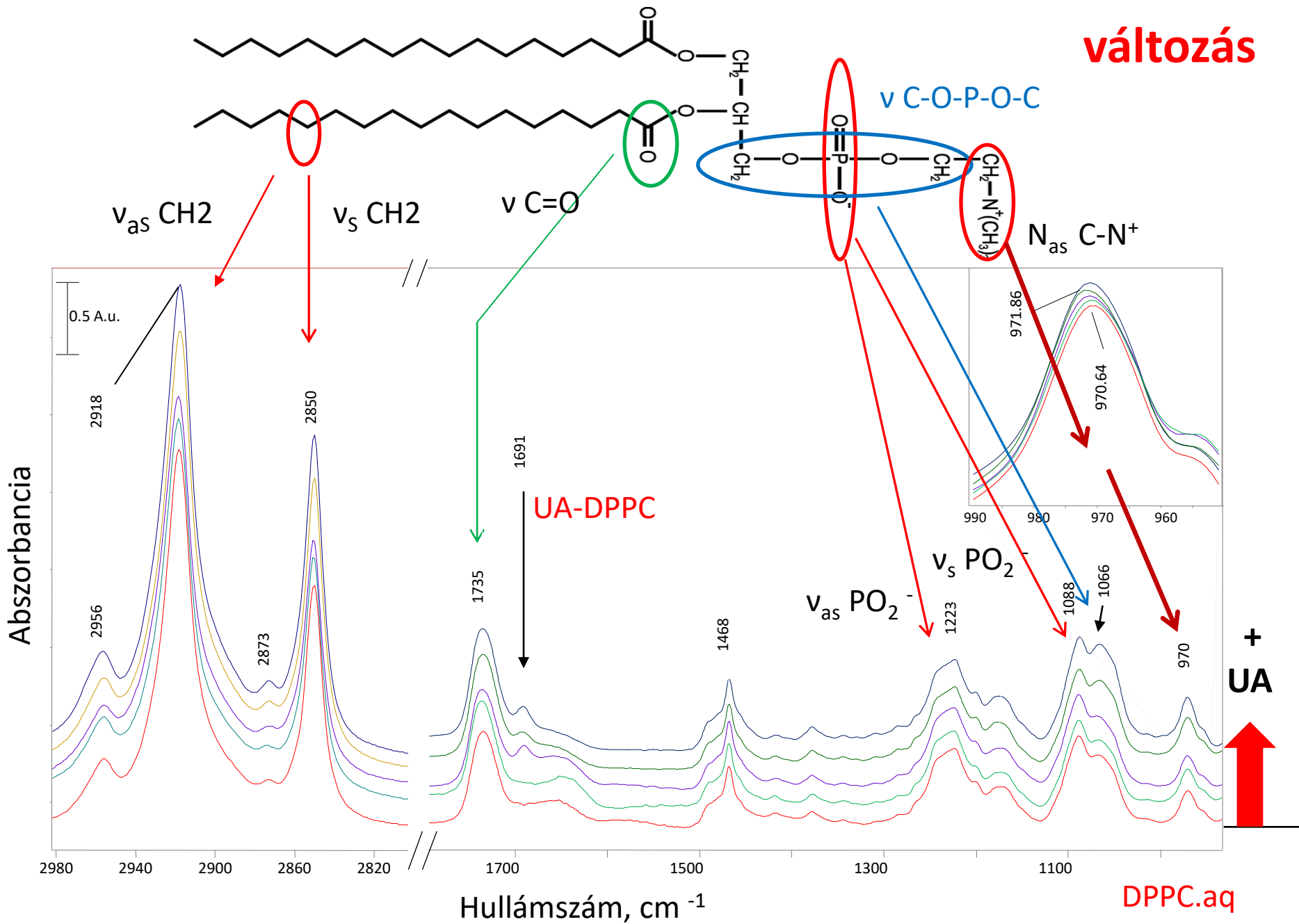


**Ez a gost DPPC rendszer IR „újlenyomata”**



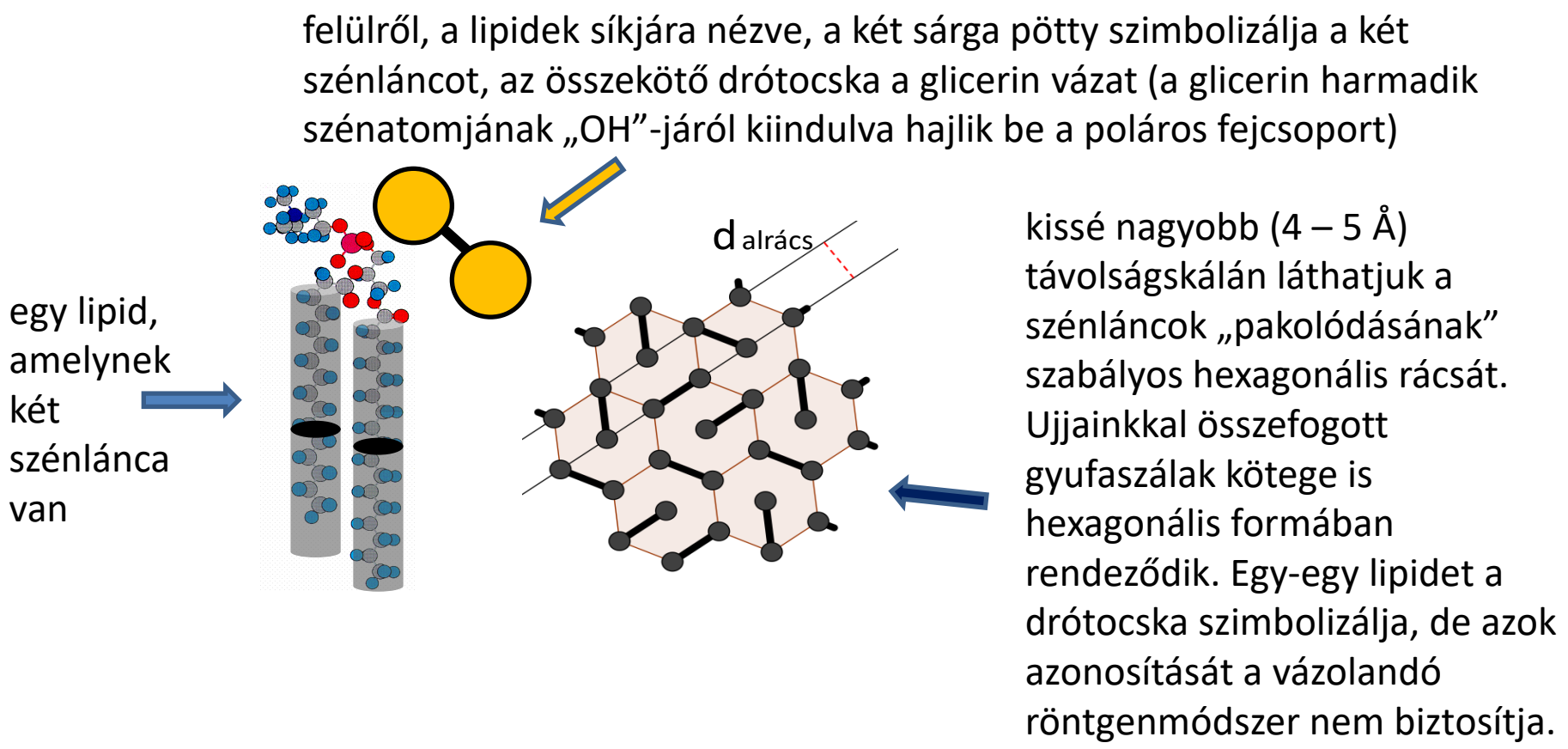
A: DPPC/víz szuszpenzió (20m/m%); B: vízháttér levonása után; C: szárazfilm-spektrum

IR eredmények, (*hidratált DPPC-Urzsav rendszer, 20 m%,  $n_{UA}/n_{DPPC}=0; 0,01; 0,1; 0,2; 0,3$* )



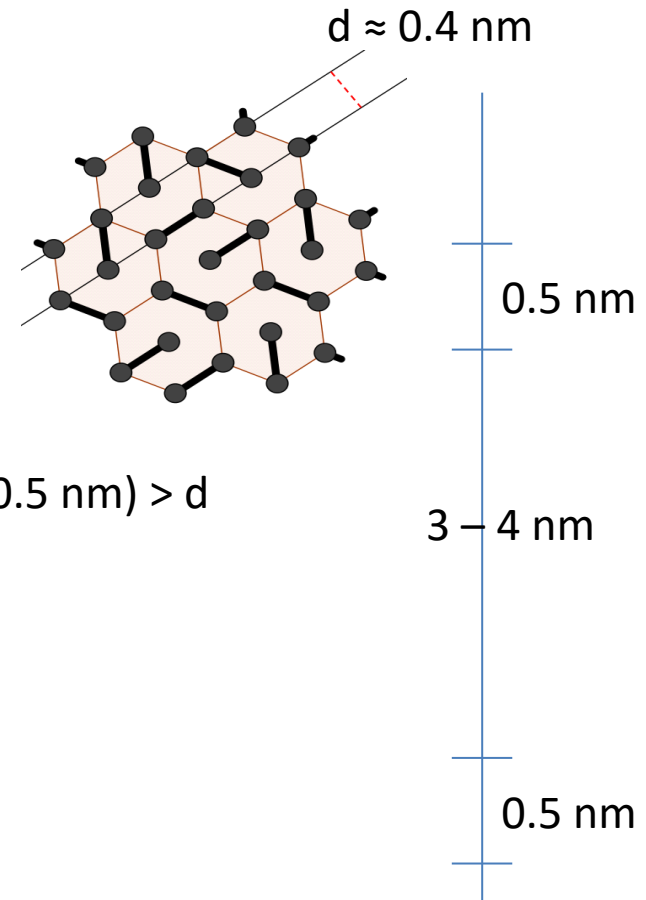
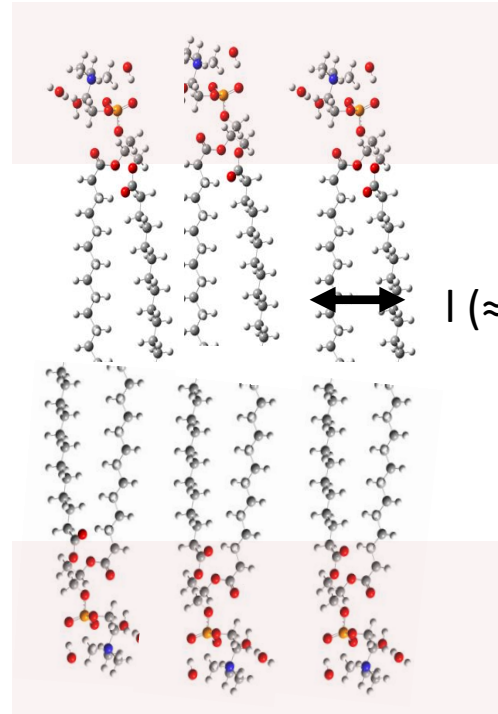
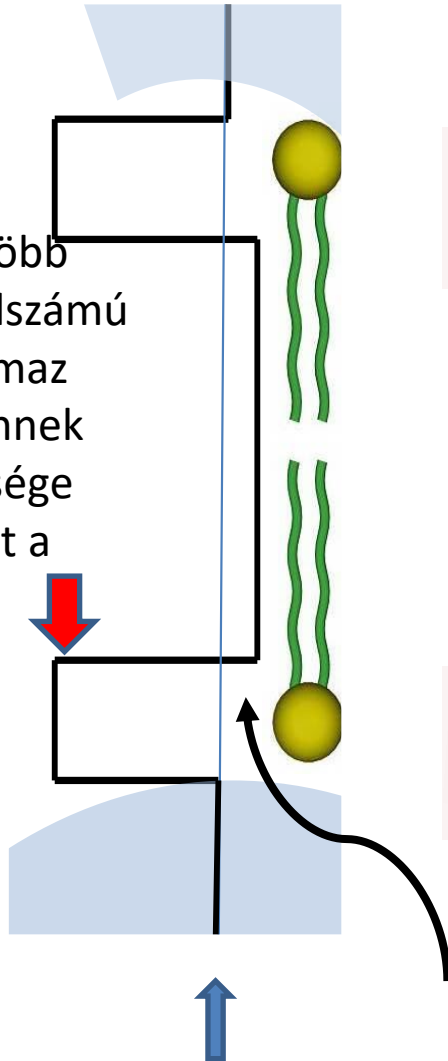
Az IR kitérő után térjünk vissza a liposzómák szerkezeti jellemzőinek tárgyalására!

A lipid molekulák, mint rudacskák egymás mellett állva ( a kémiai karakterben hasonló részek egymás mellett) létrehozzák a rétegszerkezetet (Gondoljunk a gyufaszálakra, amelyeket ujjainkkal összefogva az asztal lapjára állítottunk fel! Avval a trükkel megtoldva, hogy egy-egy drótockával a gyufaszálakat párosítjuk, hiszen a lipidben is két szénlánc van. ) A következő ábrán ezt az elrendezést láthatjuk:



# A kettősréteg belső szerkezete

a fejcsoport több nagyobb rendszámú elemet tartalmaz (N, P) ezért ennek elektronsűrűsége nagyobb, mint a vízé



a szénlánc régiójában c, H atomok vannak, következésképpen a régió elektronsűrűsége kisebb, mint a vízé.

a közeg (víz) átlagos elektronsűrűsége:

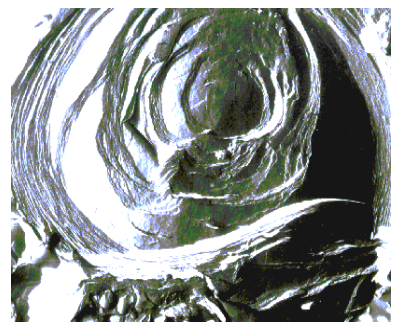
$$\text{sűrűség} = 1 \text{ g/cm}^3 > 1/18 \text{ mol/cm}^3 > (1/18) 6 \cdot 10^{23} (8+2) \text{ elektron/cm}^3 = (6/18) \cdot 10^{24} \text{ elektron}/(10^{21}) \text{ nm}^3 = 333 \text{ elektron/nm}^3$$

# A liposzóma egésze

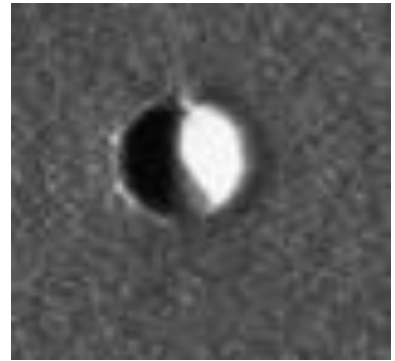
Foszfolipidet vízzel elegyítve spontán módon multilamellás, többé-kevésbé gömbalakú forma alakul ki. Ha megfelelő adalékkal, megfelelő preparálási technika alkalmazásával (ultrahang, extrúder) szintén gömbalakú, unilamellás (egyrétegű, ami egyszeres kettősréteget jelent) forma formálódik. A liposzómák mérete (függetlenül attól, hogy uni vagy multilammárisak) polidiszperz jellegű és a méret a 100 nm-es értéktől a néhány mikrométeres értékig terjed.

Az unilamellás formára, tekintettel annak biológiai és orvosi felhasználására, a szűkebb mérettartomány a jellemző.

A multilamellás forma **a kettősréteg lipid** és a közöttük lévő **vígréteg (vastagsága 1-2 nm között van)** szabályos ismétlődésével alakul ki, amelyet közvetlen módon a fagyasztatással előkészített elektronmikroszkópos felvételek mutatnak.



A fényképen jól megfigyelhető a „hagymahéj-szerű” rétegszerkezet. A multilamellás nagyméretű (~5 µm átmérőjű vezikula sok száz kettősrétegből áll.)



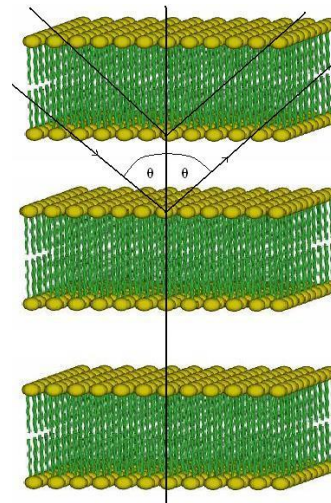
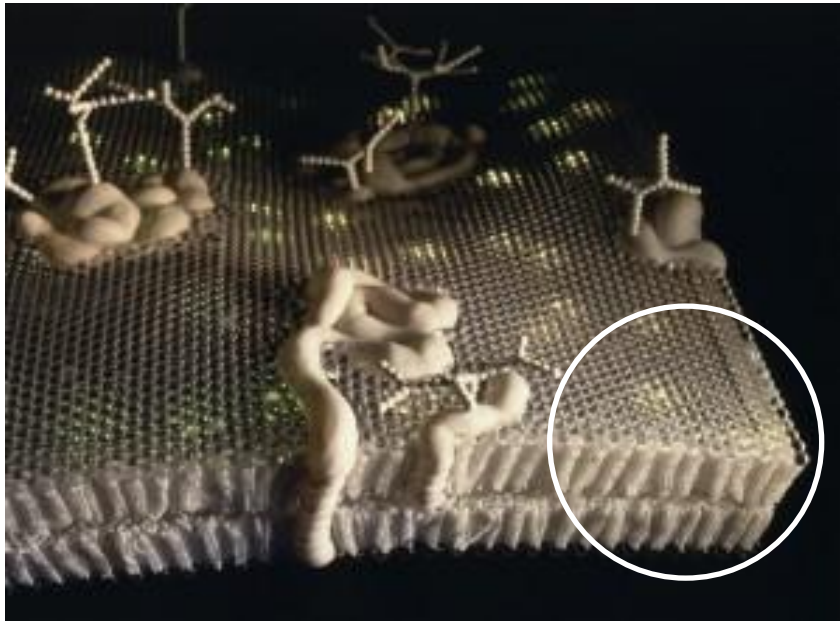
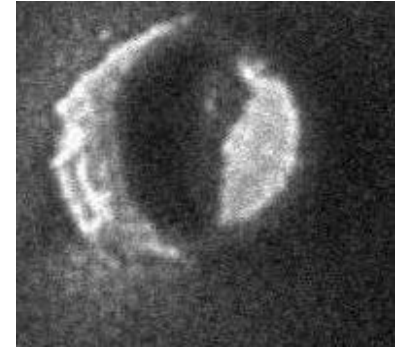
A fénykép egy ~100 nm átmérőjű áttört vezikulát mutat. (A kép szemcsés jellege a módszer jellegéből adódik és nem a minta sajátja.)



# Sejtmembrán modell: vezikula (liposzóma)

Kettétört egyrétegű vezikula

$D = 80 \text{ nm}$



$D = 12 \mu\text{m}$



Sokrétegű vezikula/liposzóma

Összefoglalva az eddigieket, a liposzómák gömbszimmetrikus, réteges felépítésű alakzatok. A lipid kettősréteg vastagsága 4 – 5 nm. Multilamellás formában a kettősréteg lipidek héját a vízréteg követi és ennek következtében egy 5 – 7 nm vastagságú hidratált réteg szabályos ismétlődéséből gömbszimmetrikus rétegrács alakul ki. A liposzómák egészének kiterjedése hozzávetőlegesen a 100 nm és a 5  $\mu$ m tartományba esik.

A lipidek rétegében horizontális (helyesebben mondva a görbült rétegsíkokban haladva) a lipidek szénláncainak hexagonális pakolódását figyelhetjük meg. (a szomszédos szénláncok távolsága közelítőleg 0.5 nm). Ez a tartomány az atomi kiterjedésű méretskálára esik.

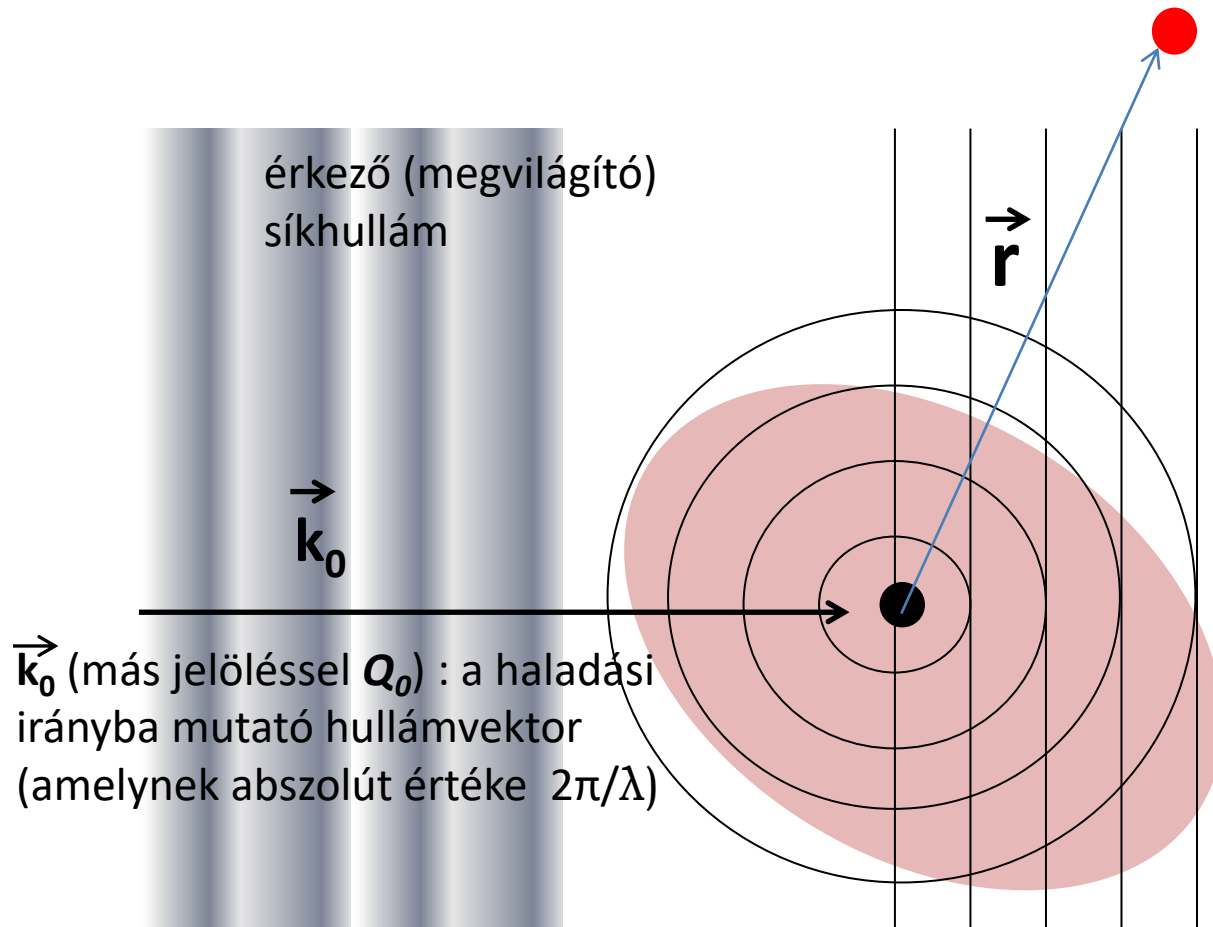
**Következésképpen a liposzómák szerkezeti sajátosságai nagyon széles méretskálán mutatkoznak meg.**

**Melyik szerkezetvizsgálati módszer képes ezt a 4 – 5 nagyságrendet átfogni ?**

**A röntgenszórás és röntgendiffrakció !**

Ez nem két technikát(módszert) takar, hanem a szórás általános (gondoljunk a fényszórásra) , míg a diffrakció szó arra utal, hogy a szórás egy periodikusan rendezett mintán következik be (azaz létezik a mintában legalább egyféle gyakori periódus, és annak megfelelően bizonyos szórási szögnél (szögeknél) kiugróan magas intenzitás tapasztalható).

## a röntgensugárzás(=elektromágneses fény) szórása



a minta egy pontjától  $r$  (távolságba és irányba eső) pontján a megfigyelt szórási amplitúdó (két részből áll): az áthaladt (kölsönhatásmentes) síkhullám és a szóródott gömbhullám amplitúdójának összege (a megfigyelési pont a detektor egy eleme)

$$A(r) =$$

$$A_0 \exp(ikr)$$

+

$$b/r A_0 \exp(ikr)$$

„b” egy általános faktor,  
ami a szórásnál fellépő  
kölsönhatást jellemzi

$\vec{k}$  , hullám szám vektor ( $|\vec{k}|=2\pi/\lambda$ )  
 $b$  , „szórási képesség” , = szórási hossz ,  
> szórási sűrűség fg.

Általános tudnivalók: az elektromágneses fény töltött részecskéken szóródik (van kölcsönhatás). Anyagaink esetében proton és elektron. A proton ca. 2000-szeres tömege folytán, a protonon fellépő szórás amplitudója  $1/2000$ , tehát az elektronhoz képest elhanyagolható.

A röntgenfény az atomok elektronjain szóródik. Az atomok szórási amplitúdójának nagysága az elektronszámmal, a rendszámmal arányos.

A szórási intenzitás (energia) a szórási amplitúdó négyzetével egyenlő.

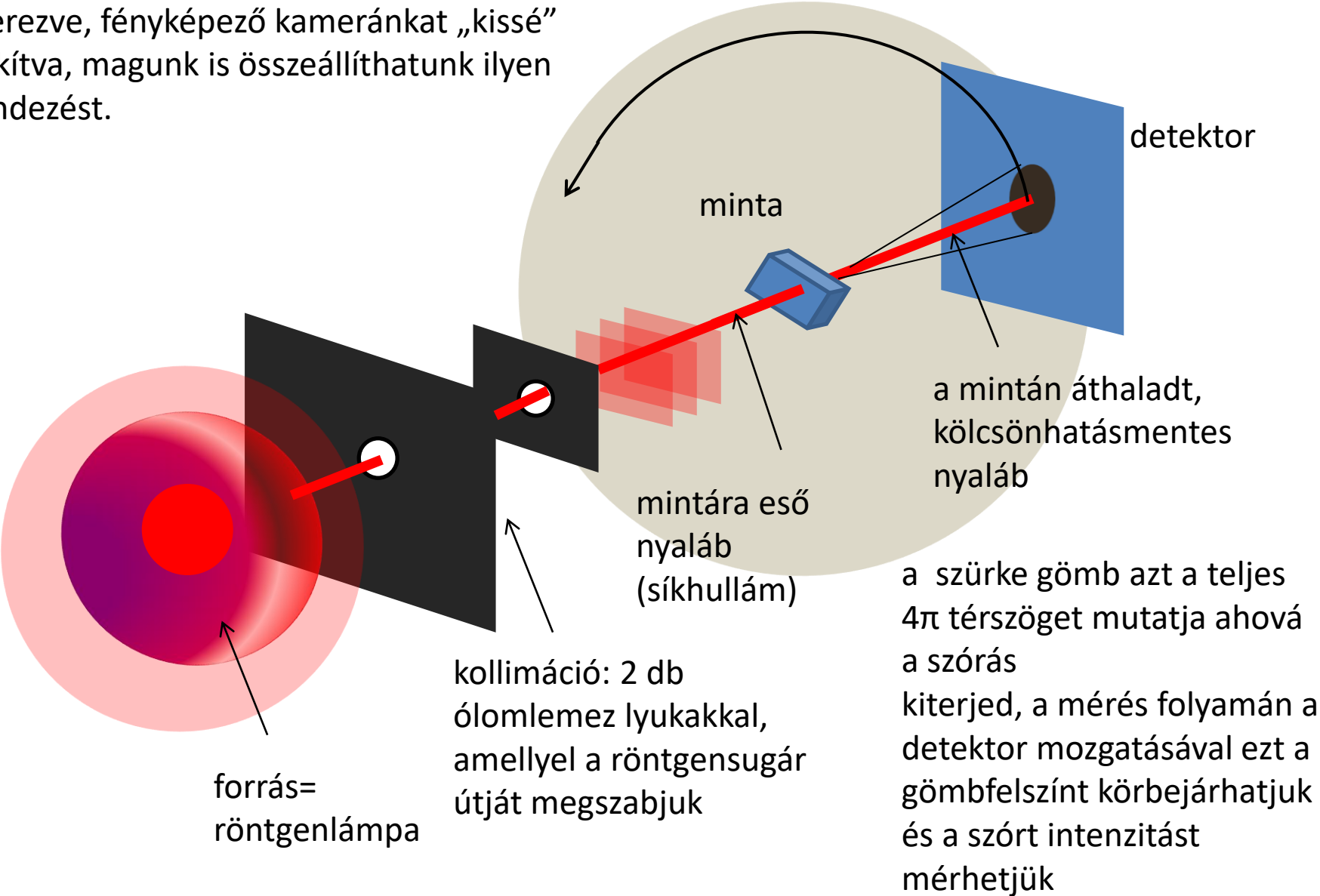
A minta különböző pontjairól szórt sugárzások (gömbhullámok, ezeket egyenként minden szórási pontra értelmezve) különböző amplitúdóval érkeznek a detektor egy elemébe, ott összeadódnak (nem veszti energiáját, mert mindegyik az elektronon szóródott, tehát a szórás jellege mindenhol egyforma, következésképpen a szóródott nyaláb hullámhossza ugyanannyi, mint a beérkezőé). Az eredő amplitúdó (=az amplitúdók összegének értéke) négyzete a detektor adott elemébe érkező szórási intenzitás.

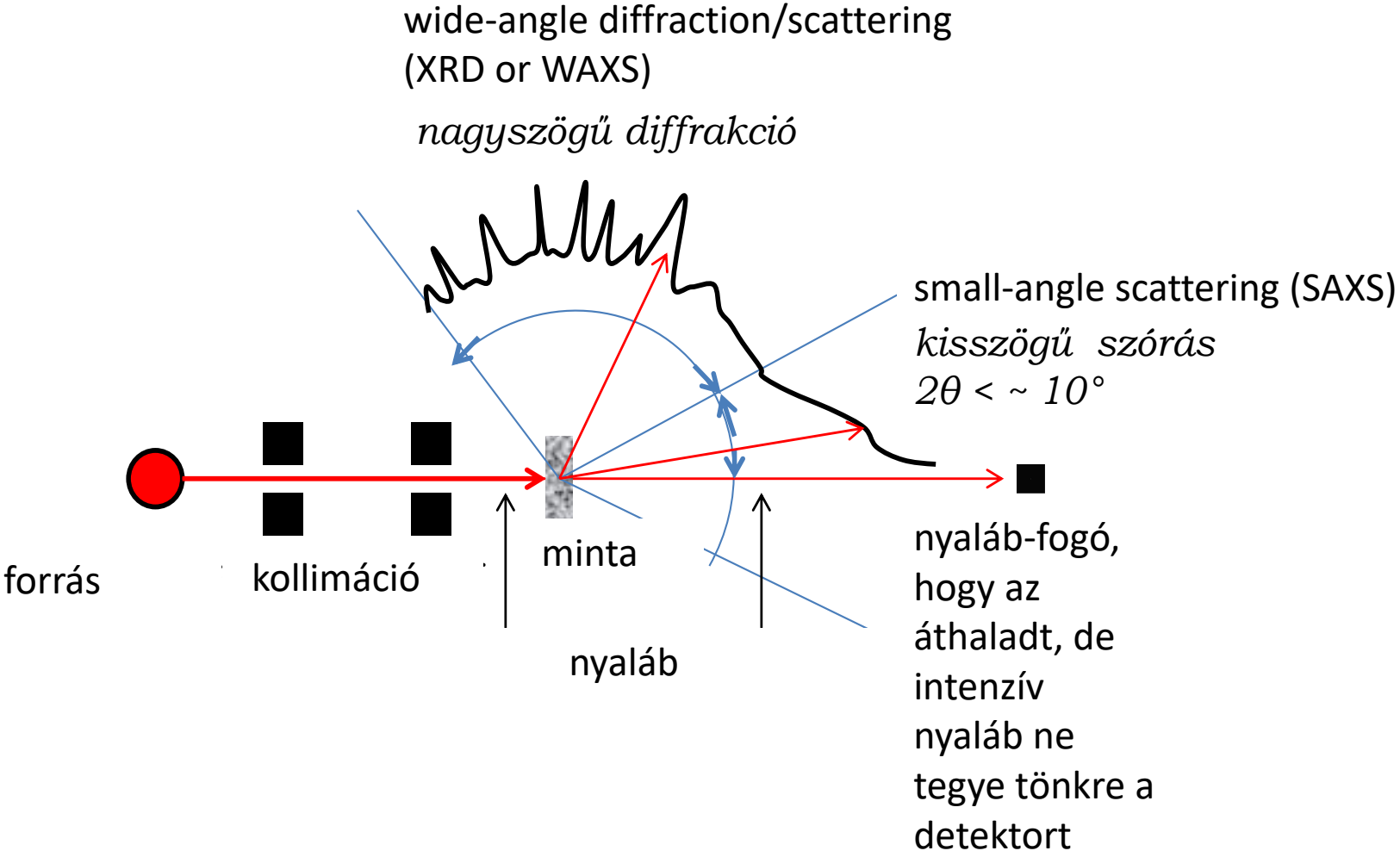
A detektor elemeinek összeségébe érkezett intenzitás –eloszlás szórási mintázatnak (x-ray scattering pattern) nevezzük. A szórási intenzitás eloszlás (mintázata) és a minta szerkezete között szoros (de nem egyértelmű) összefüggés van.

A minta belsejében elektronsűrűség különbségnek kell lenni ahhoz, hogy a szórási kép (valamilyen mintázat) megjelenjen. A mintában mindig van elektronsűrűség különbség (=kontraszt), mert az elektronok az atomok gömbalakú elektronhéjában helyezkednek el és az atomok között „üres” tér van.

A bevezető után nézzük meg, hogy hogyan is néz ki egy röntgen apparátus?

Fogorvos ismerősünktől egy röntgenforrást beszerezve, fényképező kameránkat „kissé” átalakítva, magunk is összeállíthatunk ilyen berendezést.





Praktikus (készüléképítési) okok miatt az áthaladt primér nyaláb közelében, a kis szórási szögek tartományában mért szórást (diffrakciót) külön megnevezéssel illetik

A detektor mozgásával tapasztaljuk, hogy a szürke gömbfelület egy – egy elemébe eső szórt sugárzás változik. A mintázat változik, ha a mintát cseréljük.

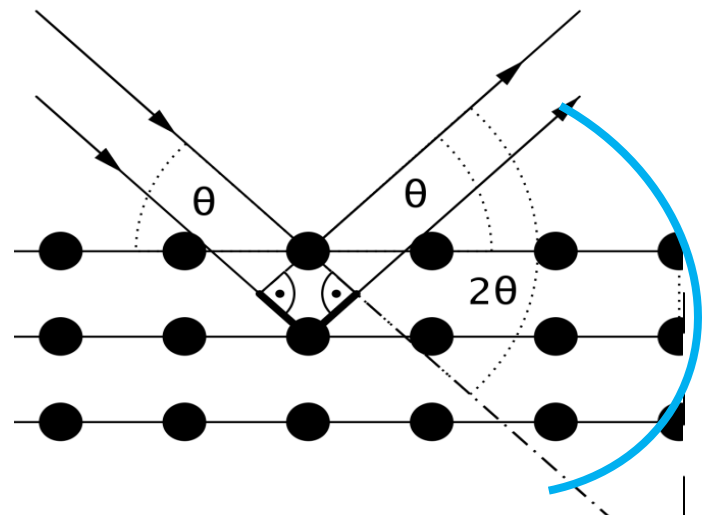
Hogyan lehet az intenzitás eloszlásából (szórási mintázatából) a minta szerkezetére következtetni?

Mindenek előtt idézzük a jól ismert Bragg egyenletet, amely a kristályos anyagoknál mérhető, a diffrakciós csúcsok szórási szög alapján mért pozíciója és a kristállysíkok értéke közötti összefüggésen alapul.

Az összefüggés alapja a hullámok konstruktív interferenciája, mely szerint azok a hullámok, amelyek között a fáziskülönbség hullámhossznyi (vagy annak egészszám sokszorososa), azok erősítik egymást (=összeadódnak).

# Összefüggés a szórási szög és a periódicitás között: Bragg törvény

kristály atomi ráccsal, ahol a periódicitás tipikusan 0.1 – 0.3 nm ( 1 – 3 Å).

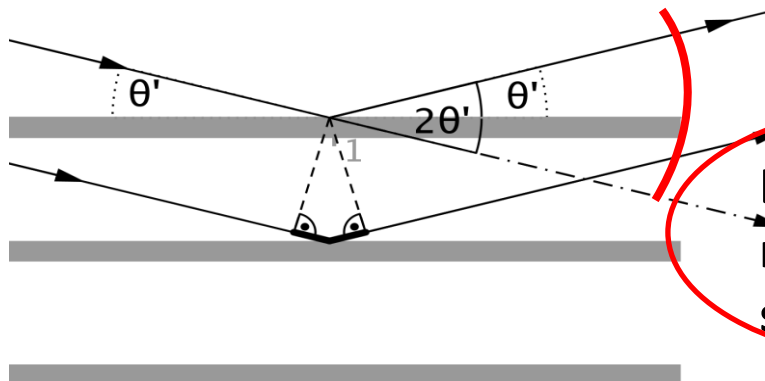


$$n\lambda = 2d \sin(\Theta)$$

$n$ , pozitív egész szám

$d$ , periódus hossz, rácslík távolság

$\Theta$ , a szórási szög fele, az ún. Bragg szög



Nézzük meg ennek megfelelőjét, nanorétegek esetében **(multilamellás liposzóma , MLV !!!), ahol a periódicitás 1 – 10 (> 20) nm**

Látható, hogy mi a kisszögű szórás!

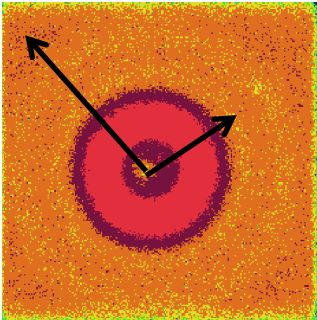
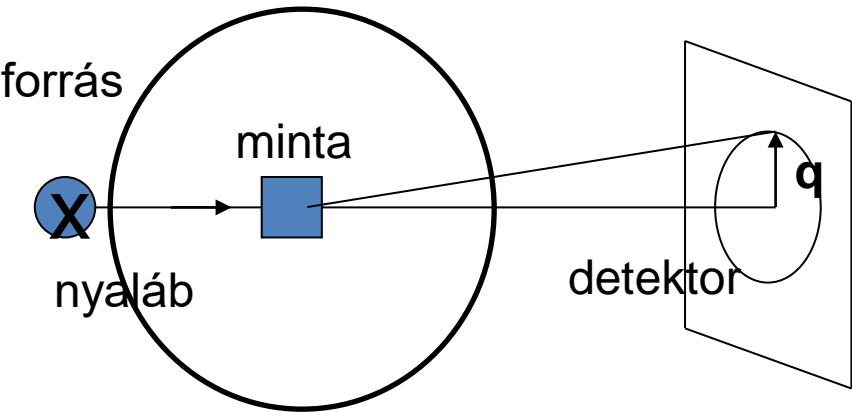
$d(\text{nm})$	$2\Theta (^\circ)$
0,1	100,4
1,0	8,8
10,0	0,88
100,0	0,088
(1000,0	0,0088
10000,0	0,0008)

Ultra, „nagyon kisszögű” szórás





# Kisszögű röntgenszórás (SAXS)



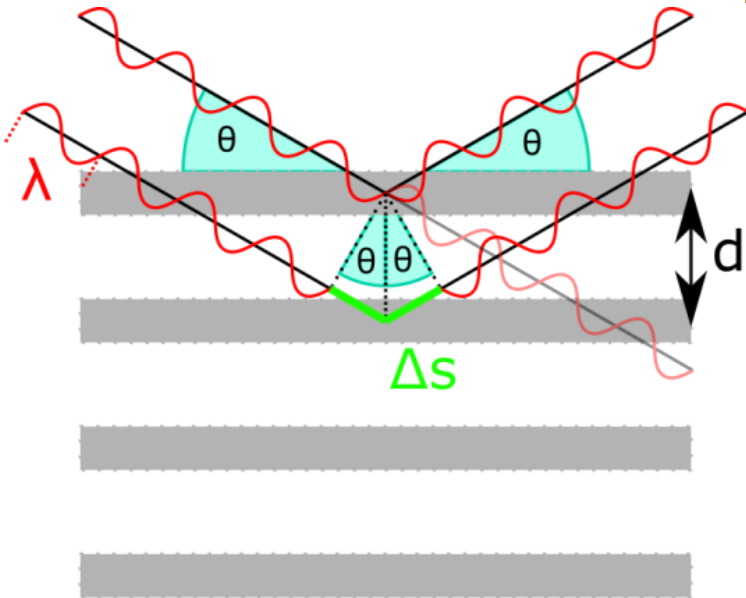
2D szórási mintázat=  
Detektorkép

A röntgenszórás geometriája , elrendezés

Itt más!:path-way

$$\Delta s = n\lambda$$

*feltétel : az úthossz  
különbség = hullámhossz  
egészszámú többszöröse*

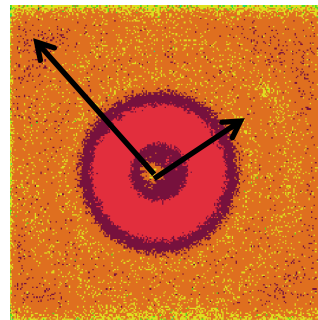
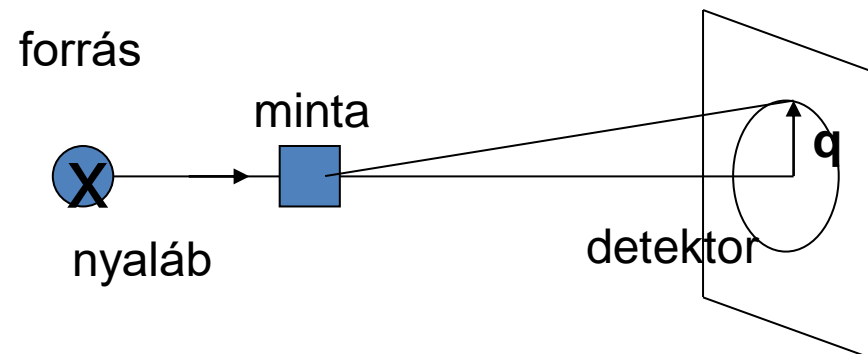


$$2 \cdot d \cdot \sin \theta = n\lambda$$

$$\frac{2}{\lambda} \cdot \sin \theta = \frac{1}{d} n = s$$
$$\frac{2 \cdot 2\pi}{\lambda} \cdot \sin \theta = \frac{2\pi}{d} n = q$$

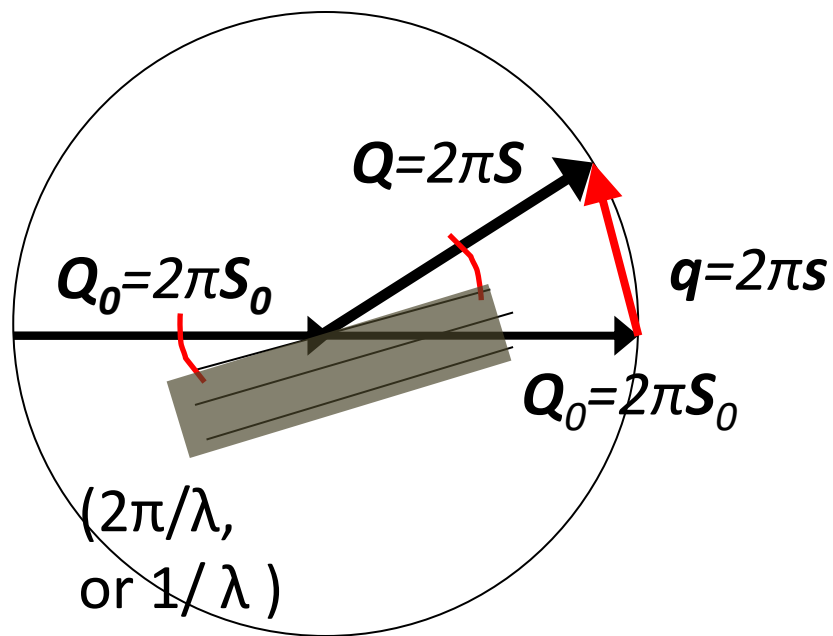
szórási  
változó

# Kisszögű röntgenszórás (SAXS)



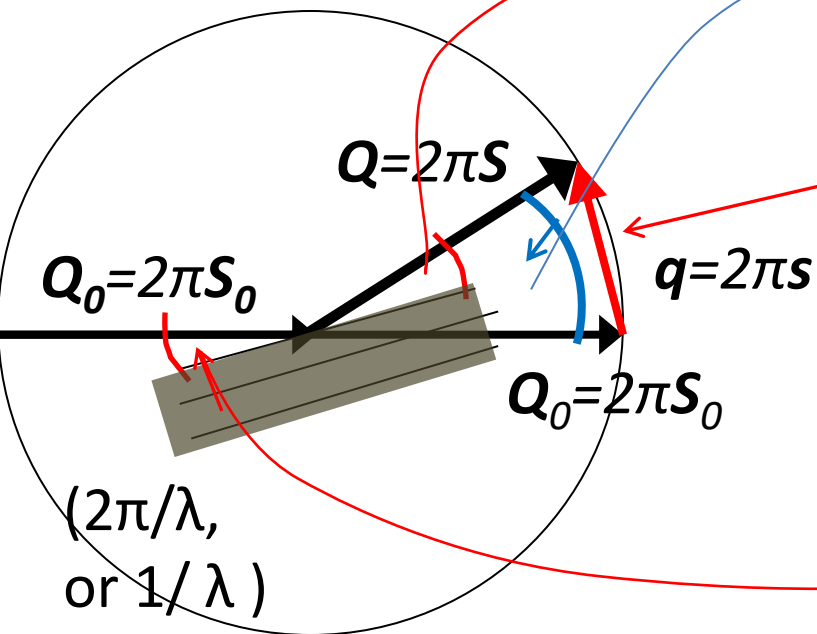
2D szórési mintázat=  
Detektorkép  
Itt láthatjuk, hogy a detektor  
középpontjától (0-ból) a  $q$   
vektor különböző  
távolságokba és irányokba  
mutathat.

„á propos”: mi a jelentése „ $\Delta s/\lambda$ ”  
hányadosnak? > fázis!



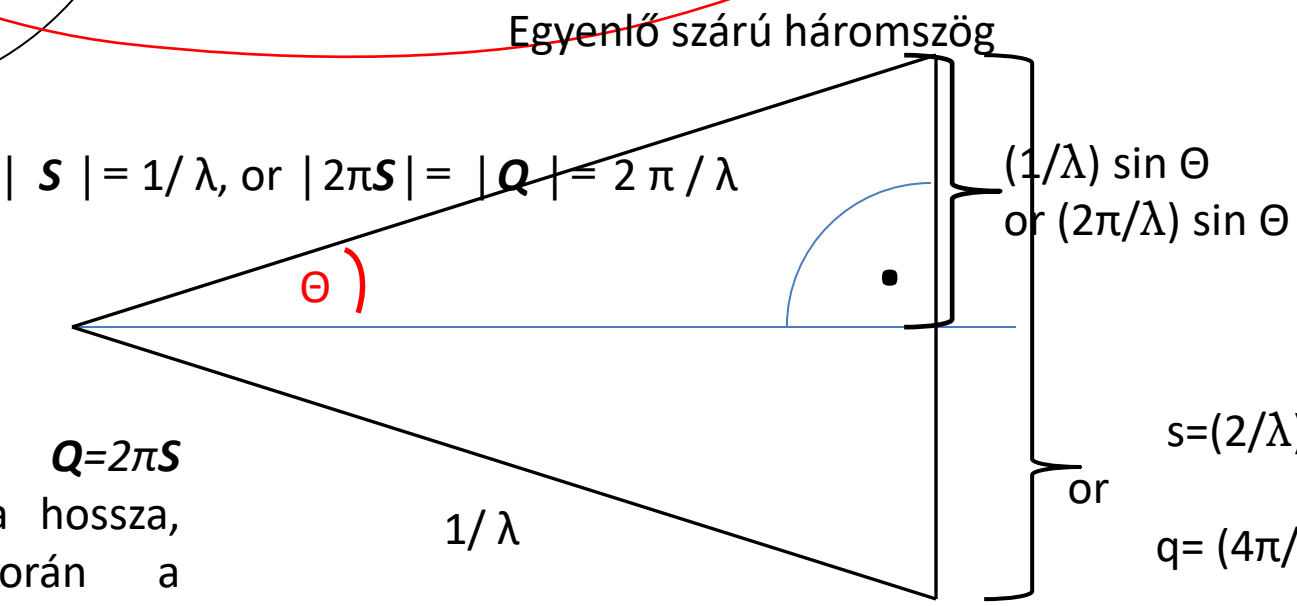
A kör (gömb) egy „jó” összefoglalása a  
szórási geometriának. A kísérletek  
különböző hullámhosszakra egységesítve  
vannak.  
Az ábra alapján könnyen megérthetjük a  
szórási amplitúdó jelentését.  
A szórási amplitúdó abszolút értéke  
használatos a szórási problémák  
tárgyalásánál. A szórési szöget helyettesíti.

# Kisszögű röntgenszórás (SAXS)



Mennyi a szórási változó abszolút értéke?

A szórt nyaláb iránya a beérkező nyaláb irányára vonatkoztatva  $2\Theta$  (kék) =  $2\Theta$  (piros)



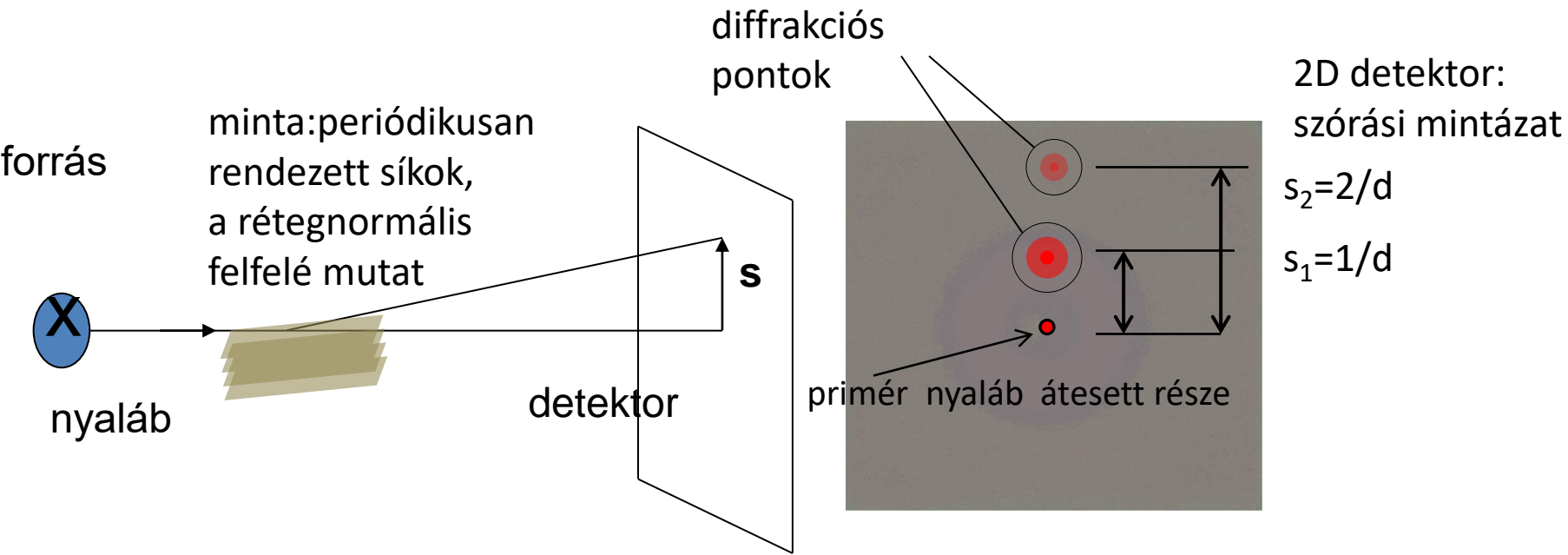
A  $\mathbf{Q}_0 = 2\pi\mathbf{S}_0$  és a  $\mathbf{Q} = 2\pi\mathbf{S}$  vektoroknak egyenlő a hossza, mert a szórás során a hullámhossz nem változik. Ezek hossza  $1/\lambda$ -nek van definiálva.

# Kisszögű röntgendiffrakció (SAXS)

$n\lambda = 2d \sin(\Theta)$  Bragg equation

$$q = \frac{4\pi}{\lambda} \sin \Theta$$

$$q = \frac{2\pi}{d}$$



Az egykristály-diffrakciós legegyszerűbb esete nano-rétegrács esetében

lamelláris szerkezet esetében a szórás mintázat ekvidisztáns pontokból áll

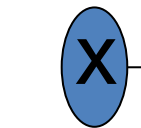
# Kisszögű röntgendiffrakció

$n\lambda = 2d \sin(\Theta)$  Bragg equation

$$q = \frac{4\pi}{\lambda} \sin \Theta$$

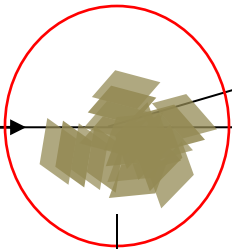
$$q = \frac{2\pi}{d}$$

forrás



nyaláb

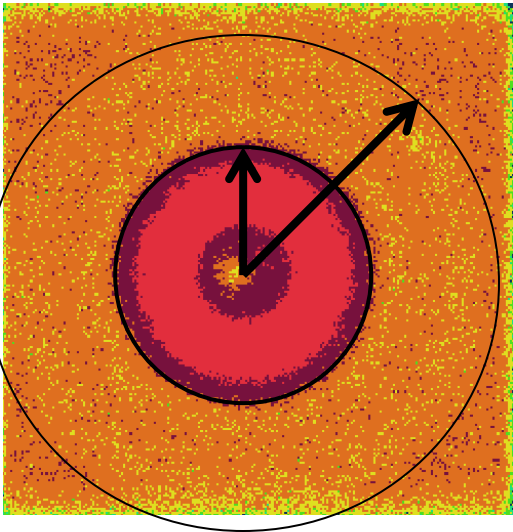
minta



$q, (s)$

detektor

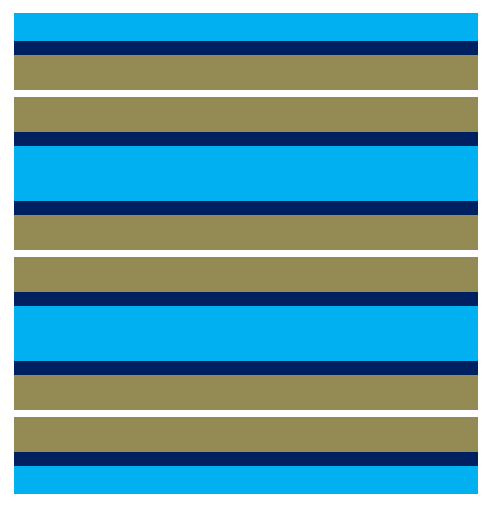
periódikusan rendezett síkok  
halmazának sokasága, az  
egyes kötegekrétegnormálisa a  
térben minden irányba mutat



Ez a pordiffrakció megfelelője a  
nanorendszerek kisszögű  
diffrakciója esetében.  
A diffrakciós gyűrűk Debye-  
Scherrer gyűrűkként ismeretesek.

- A rétegnormális beállításnak két esete:
1. A rétegnormális forog körbe a 0°-tól 360°-ig, következésképpen,  $q$  szintén körbeforog > a pontok helyett a Bragg gyűrű alakul ki.
  2. A rétegnormális a  $d$ -hez (Bragg egyenlet tartozó) szöghöz képest kisebb, vagy nagyobb lesz, a diffrakciós feltétel megszűnik > nincs jel

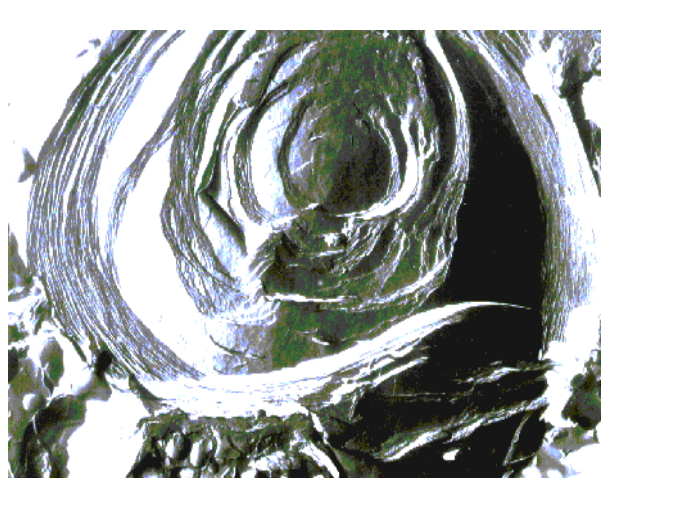
MLL liposzómák kisszögű röntgenszórása

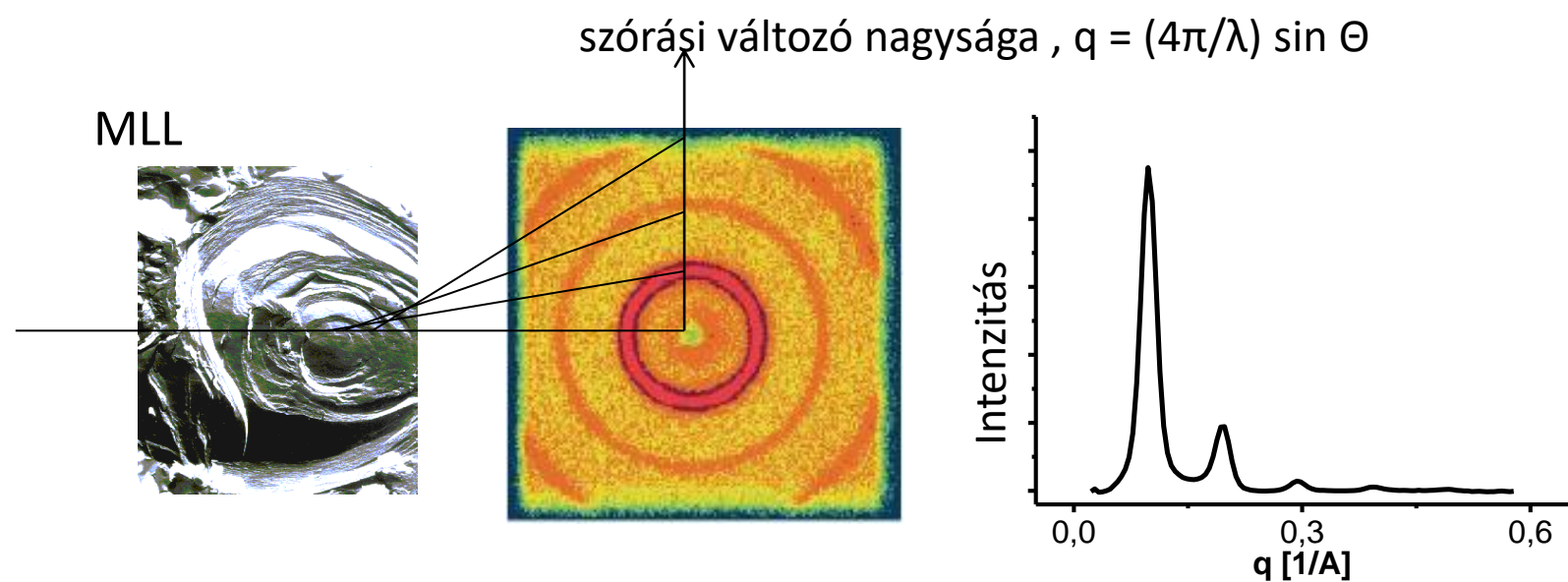


MLL/multilamellás liposzóma

N-szer

Ha kettősréteg vastagsága lényegesen kisebb, mint a liposzóma átmérője, a réteg síknak tekinthető.





Ha a detektor „0” –pontjától sugárirányba haladunk (=a szórási változó abszolút értéke) és annak függvényében ábrázoljuk az intenzitást, akkor a szórási görbét (Bragg csúcsok jelenlétében diffrakciós görbét) nyerjük.

Számos esetben a multilamellás vezikulák helyett más, nanoszerkezeti formák keletkeznek

Ezeknek jelentősége abban áll, hogy valamilyen formulázási okból kívánunk nem lamelláris formákat preparálni, vagy kísérleti célból kívánjuk megvizsgálni, hogy az adott keverékben a lamellás szerkezet helyett tud-e más szerkezeti forma létrejönni. Más oldalról, az aktív membránműködést jelentősen befolyásolják az ún. „nem kettősrétegű lipidek” amelyeknek lokális koncentrációja esetén nem a szabályos kettősrétegű lipidréteg hanem valamilyen köbös, vagy hexagonális struktúra kezdeménye alakul ki. Ezeknek megjelenése és megszűnése dinamikus folyamat és számos membránhoz kötött komplex jelenség magyarázatául szolgálhat. Megfigyelésük nagy kihívást jelent a gyakorlatban. Az előzőekben említett röntgenszórási technikával csak akkor figyelhetők meg, ha jelenlétük a minta egészére nézve legalább néhány %-ot elér.

A nem kettősréteg szerkezetek kialakulása olyan („nem kettősréteg”) lipidekhez kötött, amelyek alakja eltér a hengeresétől, és inkább kúp, vagy csonkakúp alakúak.

Továbbá bizonyos vendégmolekulák jelenlétében olyan vendégmolekula-lipid gazdamolekula asszociátumok alakulhatnak ki, amelyek szintén a hengertől eltérő alakhoz, és így nem kettősréteg struktúrák kialakulásához vezetnek.

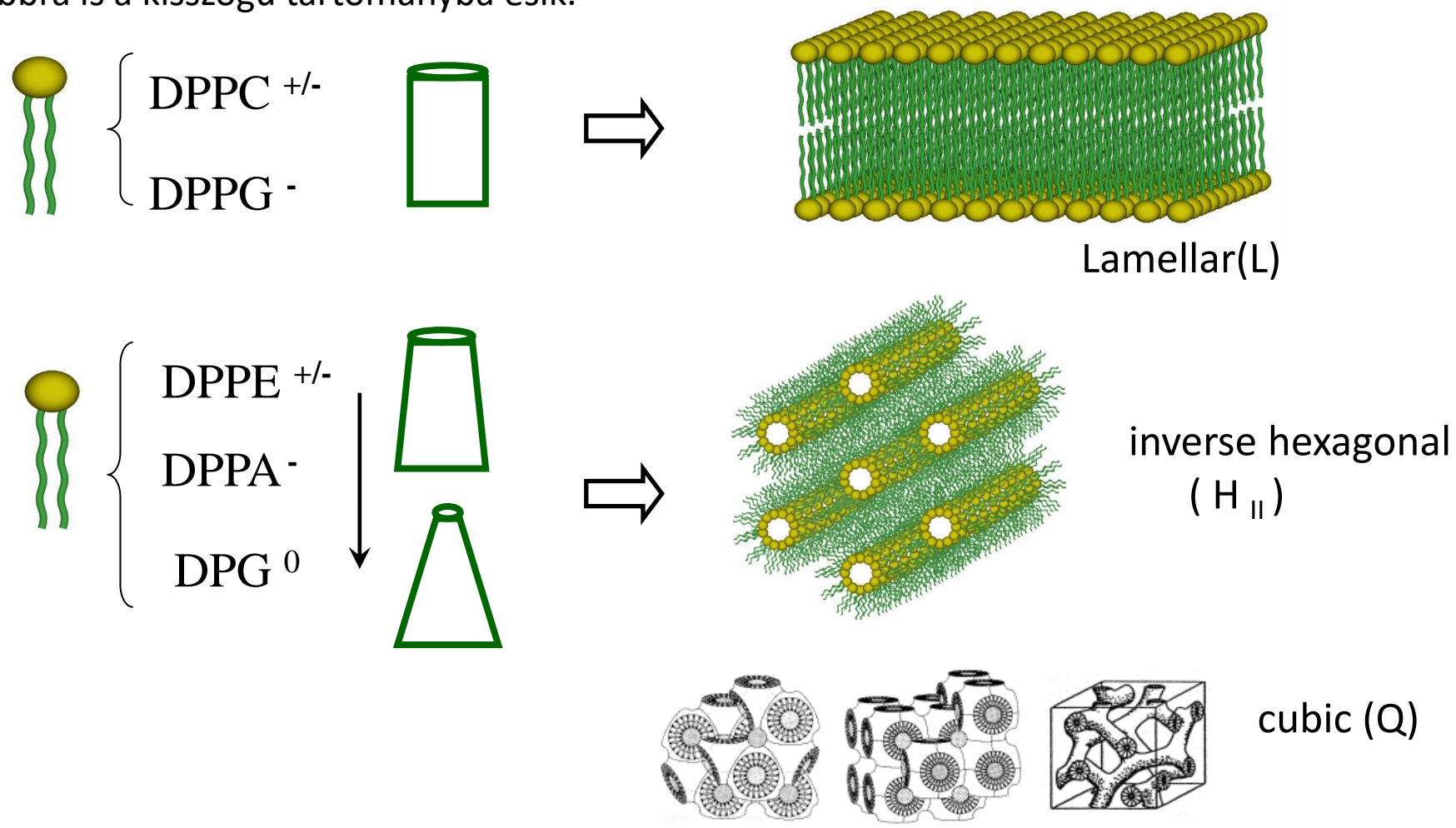
Ennek bemutatására szolgál a következő ábra, a lipidek töltésének feltüntetésével.

Ezt követően, egyszerű trigonometria felhasználásával, a jellemző rács-periódus ismeretében a várható kisszögű diffrakciós görbét is láthatjuk.



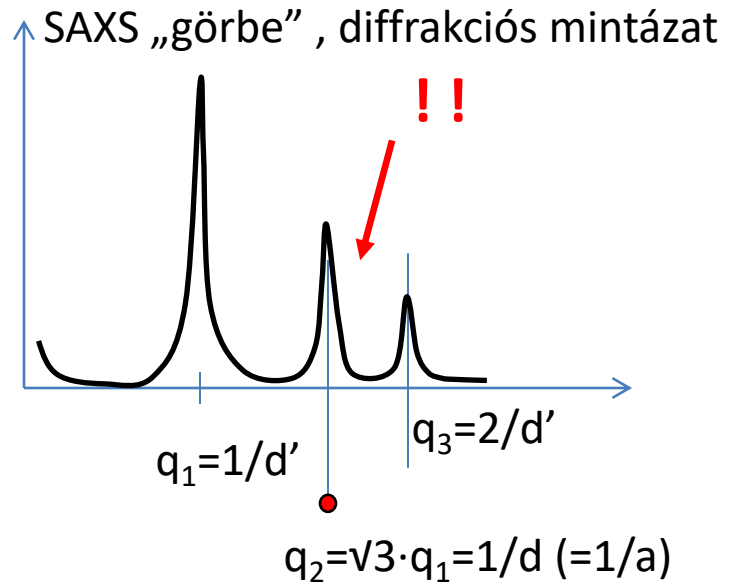
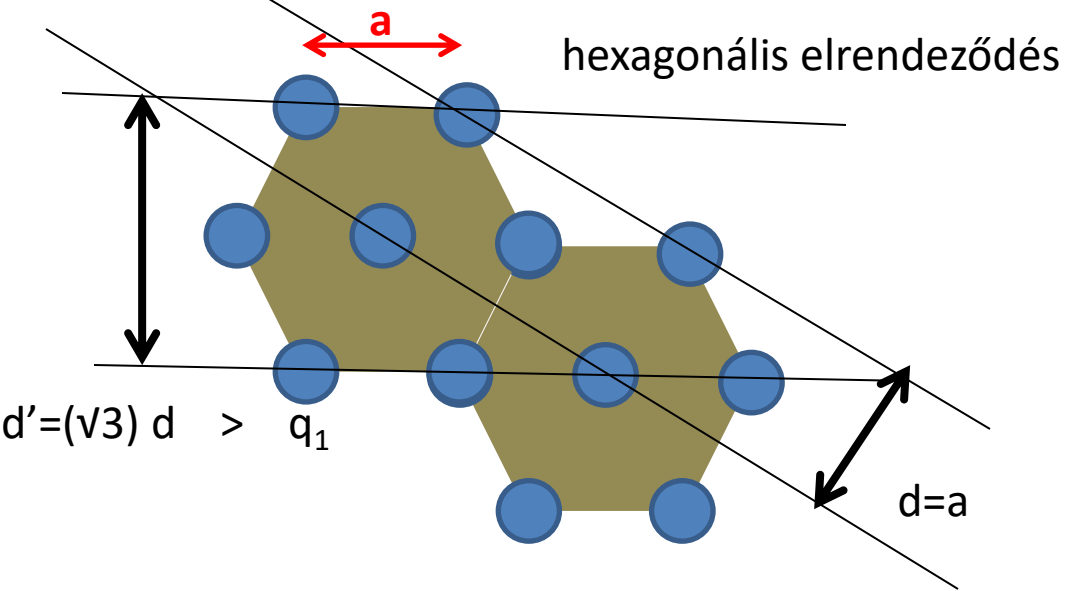
Néhány lipid felsorolása, amelyek a lamelláris szerkezet mellett hexagonális vagy köbös szerkezetet formálnak.

Különböző lipidmolekulák, eltérő töltés-sajátságokkal > különböző nanoszerkezeteket formálnak vizes fázisban (a lipid mérete folytán a nanoszerkezet szórása/diffrakciója továbbra is a kisszögű tartományba esik).

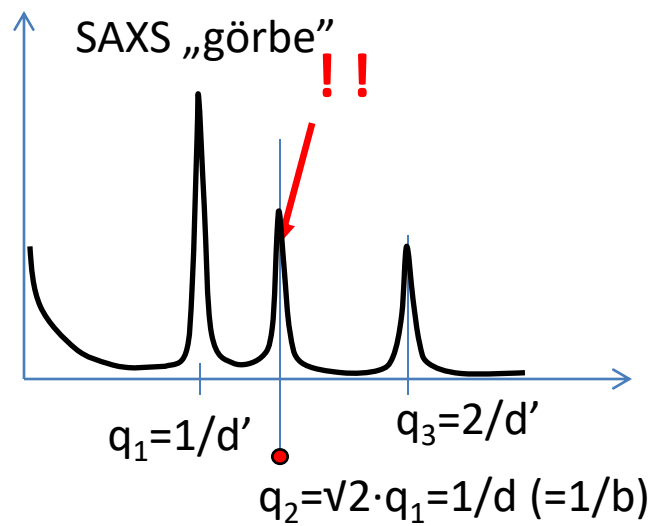
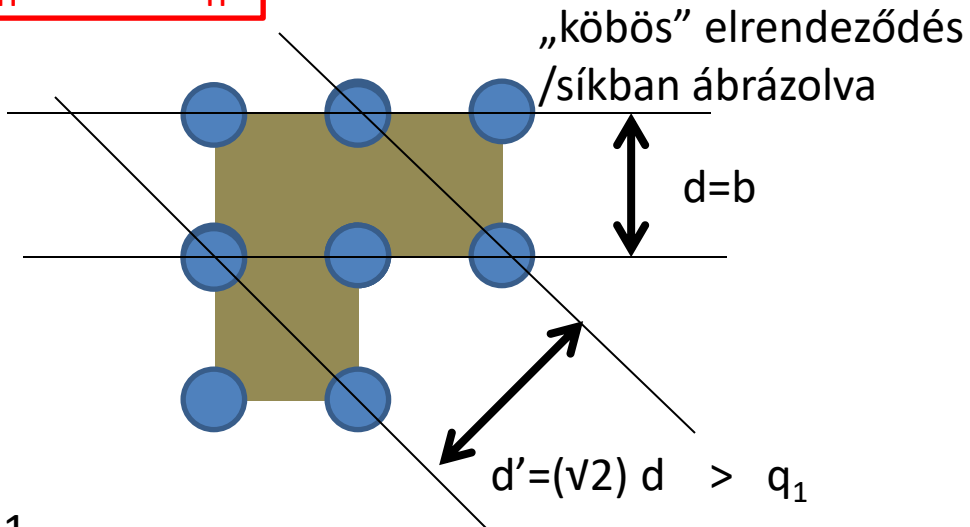




Hexagonális és köbös szerkezetek kisszögű diffrakciója, jellemzők



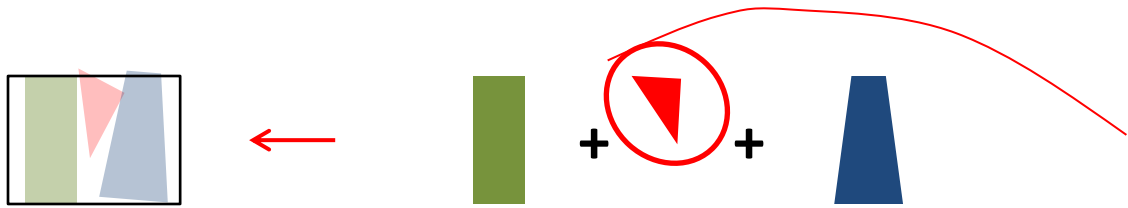
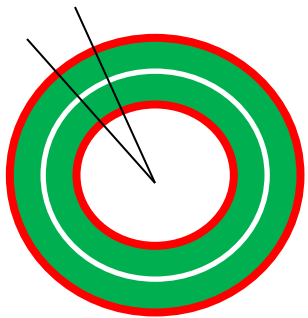
$q_n = 2\pi/d_n$



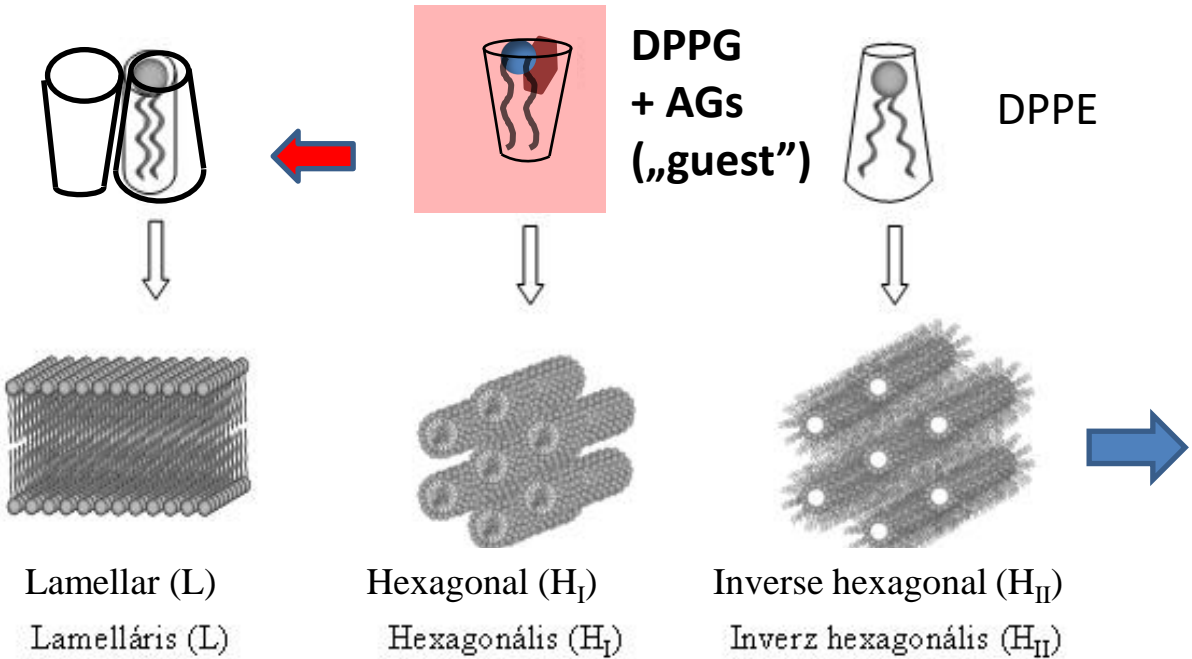
Konkrét esetek, amelyek a SAXS módszer jelentőségét mutatják

A valós membránok eltérő alakú, különböző lipideket tartalmaznak.

Modellmembránokban (liposzómákban) az eltérő alakú lipidek aránya meghatározza a formálódó nanoszerkezet fajtáját.  
Most vendégmolekulaként az antibiotikumokhoz tartozó aminoglikozidok (AGs) szerepelnek.



Az aminoglikozidok (AGs) a lipidnél kisebb, kationos komponensek



Ezek a karakterisztikus nanoszerkezetek a jellemző, a korábban bemutatott szórási (diffrakciós) görbéket fogják mutatni.

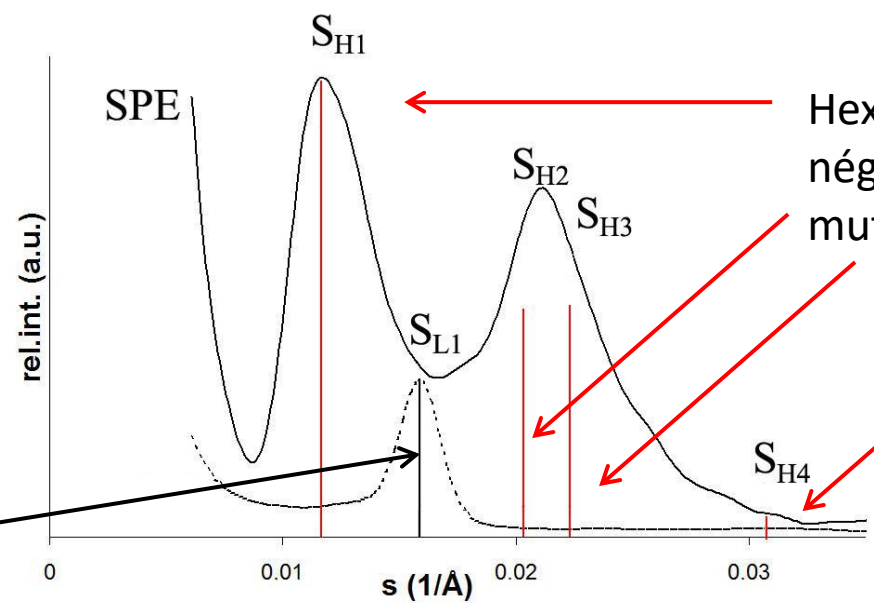
Konkrét esetek, amelyek a SAXS módszer jelentőségét mutatják

Spectinomycin (egy AG)/DPPG-DPPE rendszer: AG/lipid = 0.1-0.3, DPPE/DPPG=8/2

Hexagonális fázis ( $H_1$ ) a domináns Spectinomycin jelenlétében

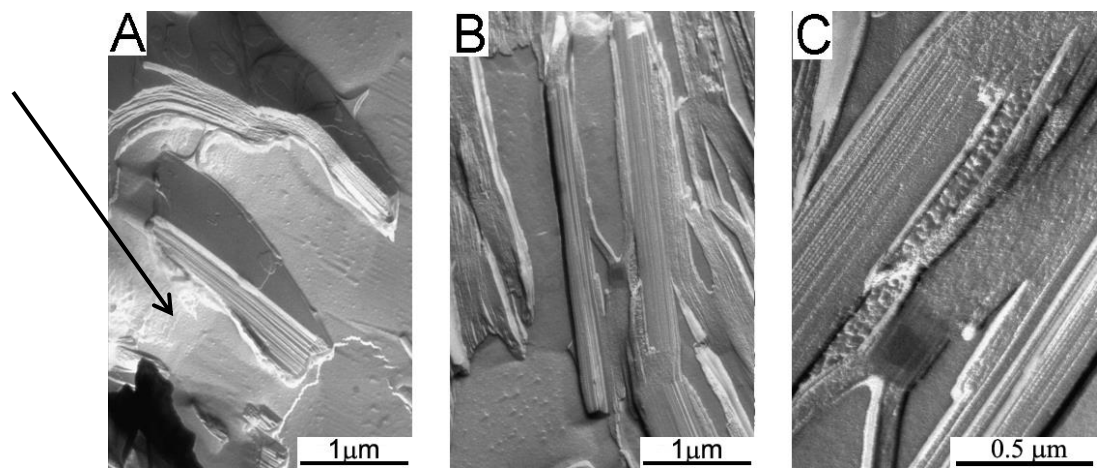
Két fázis van egyszerre jelen:

Lamelleráris és hexagonális



Hexagonális fázis (jelenlétét négy Bragg reflexió (csúcs) mutatja)

SAXS (SAXD)



Fagyasztatöréssel kombinált elektronmikroszkópos felvételek  
A: lamelláris formák  
B,C: csöves formák: hexagonális

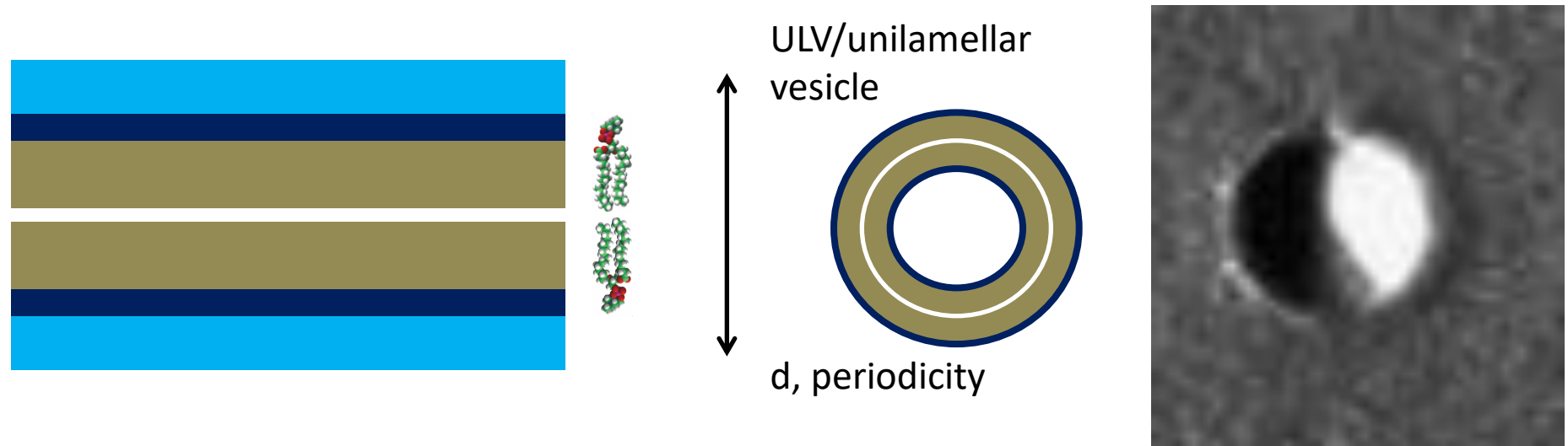
Az előző esetekben láthattuk, hogy a „szabályos” nanorendszer egységei a lemezek (pontosabban gömbhéjak liposzómák esetében), nanoméretű rúdak, vagy gömböcskék periódikusan ismétlődve rácsot alkotnak, amelynek a röntgenvizsgálatnál az lesz a következménye, hogy diffrakciós görbét kapunk. Az éles csúcsok, a Bragg csúcsok, vagy más szóval reflexiók  $q$ -ban , vagy  $s$ -ben mért skálán (az  $x$ -tengelyen) jellemző pozíciókban lesznek. Tehát a diffrakciós görbe a szerkezeti elemek által felépített rácsot jellemzi, ezért a diffrakció a kristályt, az ún. „szerkezeti faktort” írja le.

Mit tapasztalunk abban az esetben, ha ugyanilyen egységek fordulnak elő, de a sokaság nem alkot szabályos rácsot?

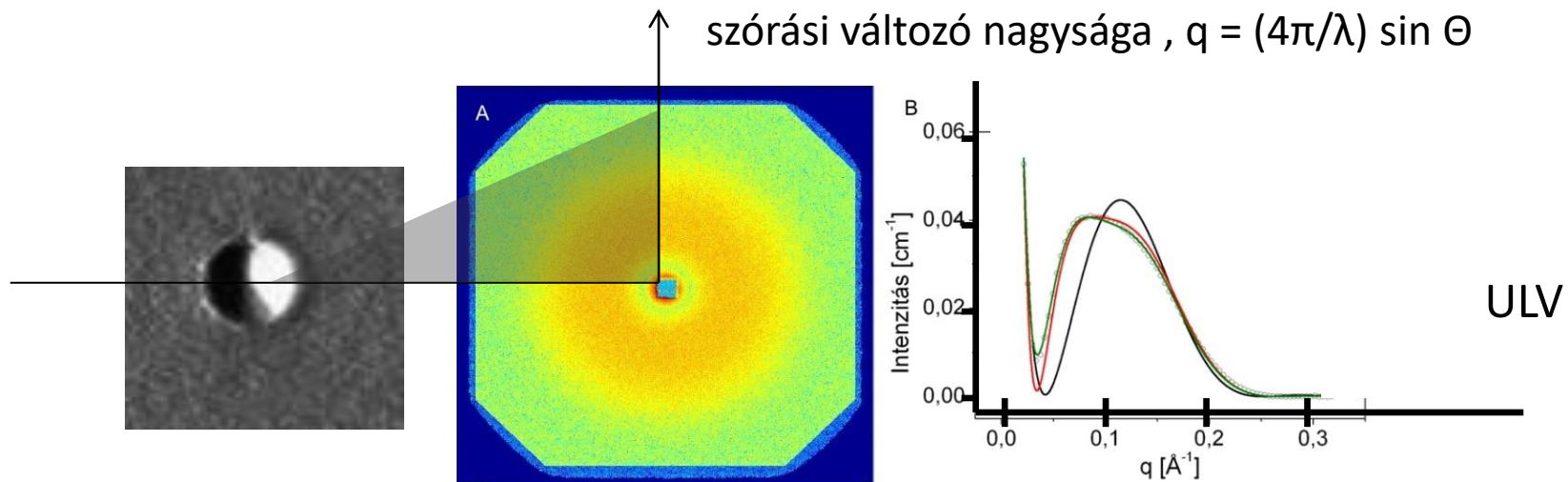
Ebben az esetben nem tapasztalunk diffrakciót, hanem az egyedi objektumok (lap, rúd, gömb) formájának megfelelően diffúz szórást kapunk. Ezt az esetet tapasztalhatjuk az egyszeres kettősrétegből álló unilamellás liposzóma esetében, amelynek esetét a következő ábrán láthatjuk. A szórás az objektum formájának megfelelő szórásgörbét mutatja, és ezért a szórásgörbét „formafaktorként” nevezzük meg.

Mi történik ha csak kevés számú réteg helyezkedik el periódikusan? Ebben az esetben a szerkezeti faktor, a Bragg csúcsok kiszélesednek. Kiszélesedett csúcsok detektálása esetén lehetőség van a kiszélesedés mértékéből a „rács”-ba rendeződött egységek számának a kiszámítására.

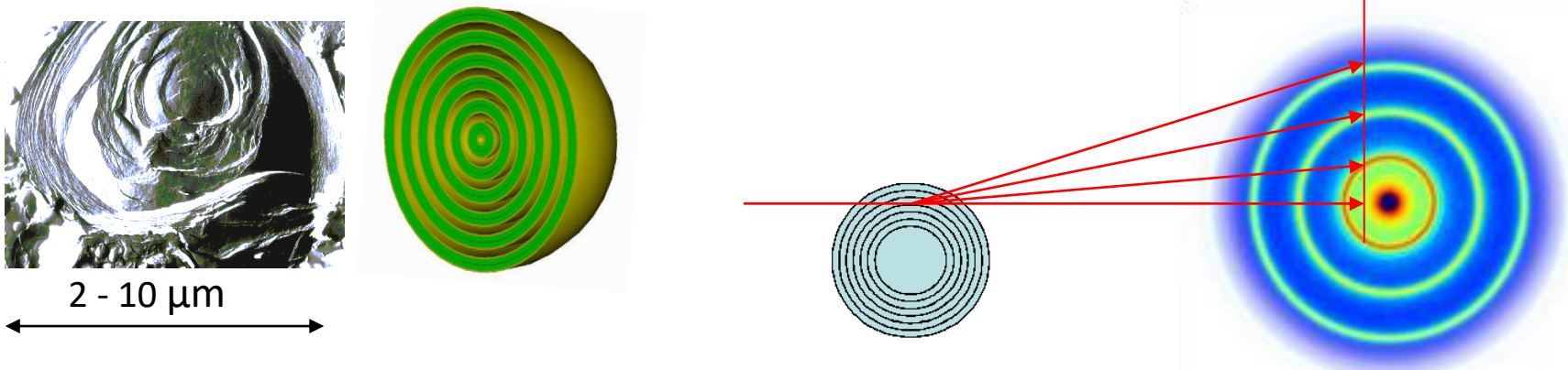
# ULV kisszögű röntgenszórása



A multilamellás elrendeződés hiányában nincs rétegrács, azaz periódus sem, és a Bragg egyenlet analógiája alapján nincs Bragg reflexió. Az unilamellás réteg szórást (és nem Bragg reflexiókkal járó diffrakciót) mutat.

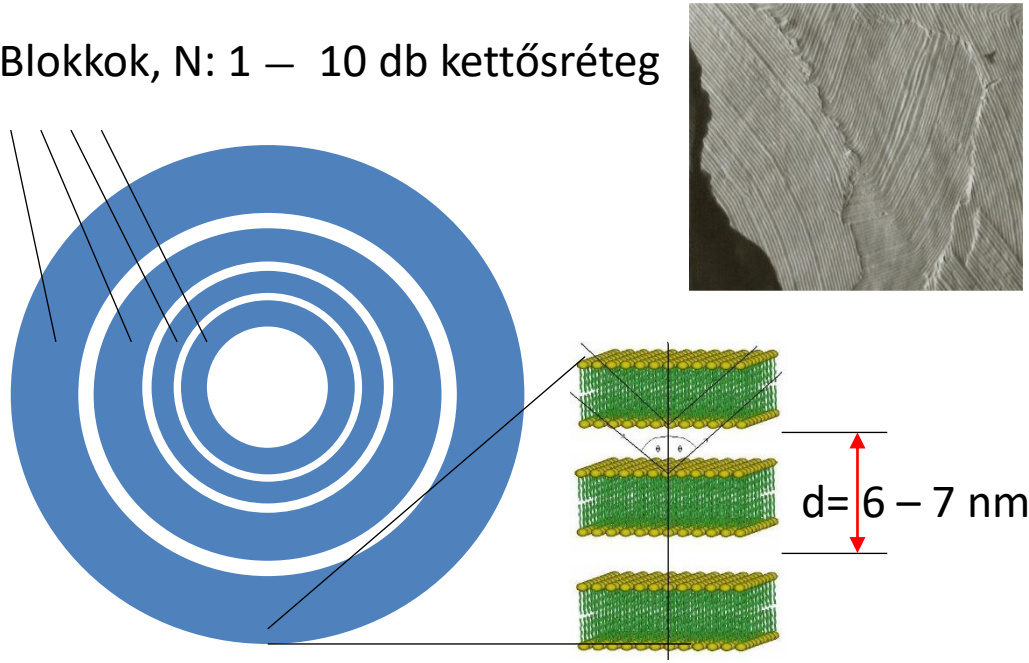


# Liposzómák centroszimmetrikus blokk modellje

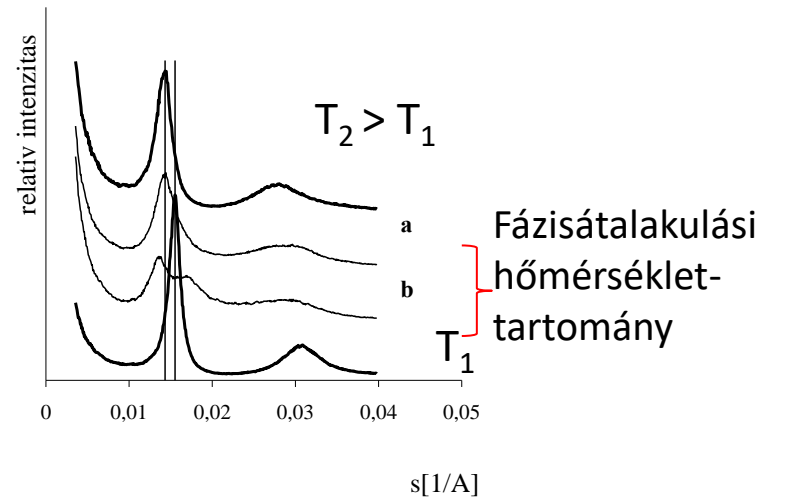


A multilamellás liposzóma egészének és az ismétlődő egységek (kettősréteg lipid + víz-héj) méretét figyelembe véve, a rétegek száma több száz. Ennek ellenére a Bragg csúcsok nem élesek. Lehetséges magyarázat: rétegződési hibák vannak jelen.

Blokkok, N: 1 — 10 db kettősréteg



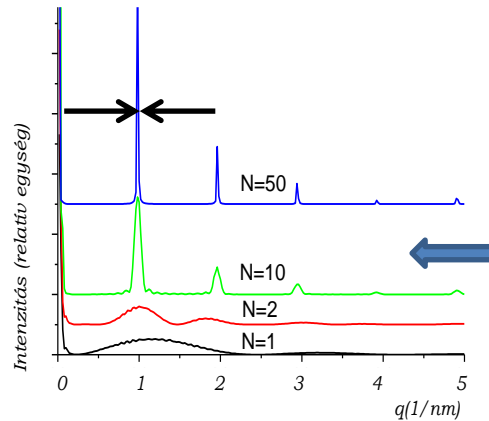
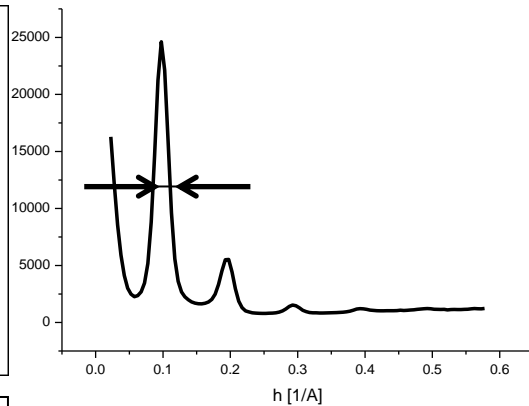
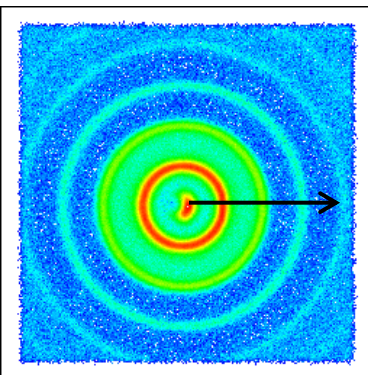
Hullámos gél fázis esetén az elkülönült blokkok kísérletileg is megfigyelhetők (fagyasztvatöréssel kombinált TEM)



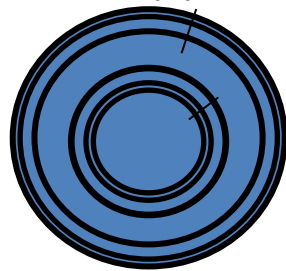
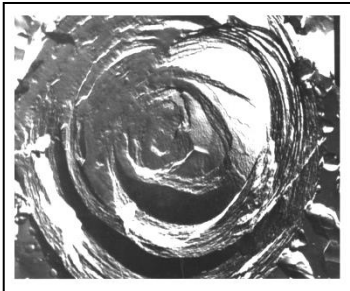


# Egyrétegű és sokrétegű (multilamellás) vezikulák tanulmányozása

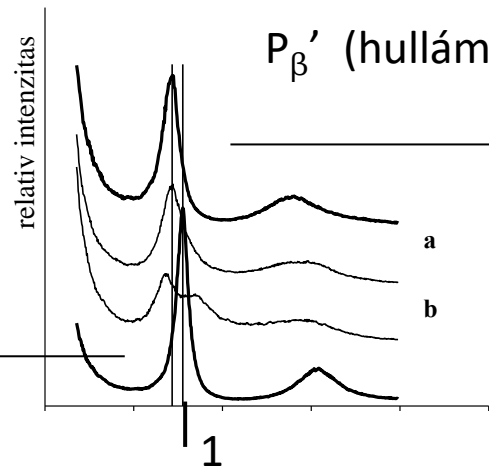
Tiszta lipid (dipalmitoilfoszfátidil-kolin, DPPC) – víz, mint alarendszer tanulmányozása



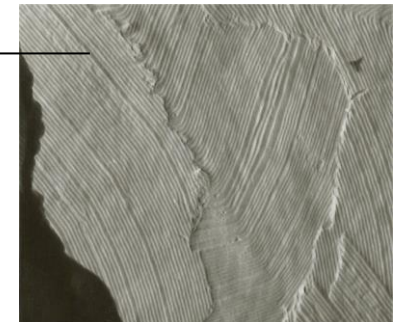
A rétegszám következménye egy szabályos multilamellás liposzómában.



$L_{\beta}'$  gél fázis, 28 °C



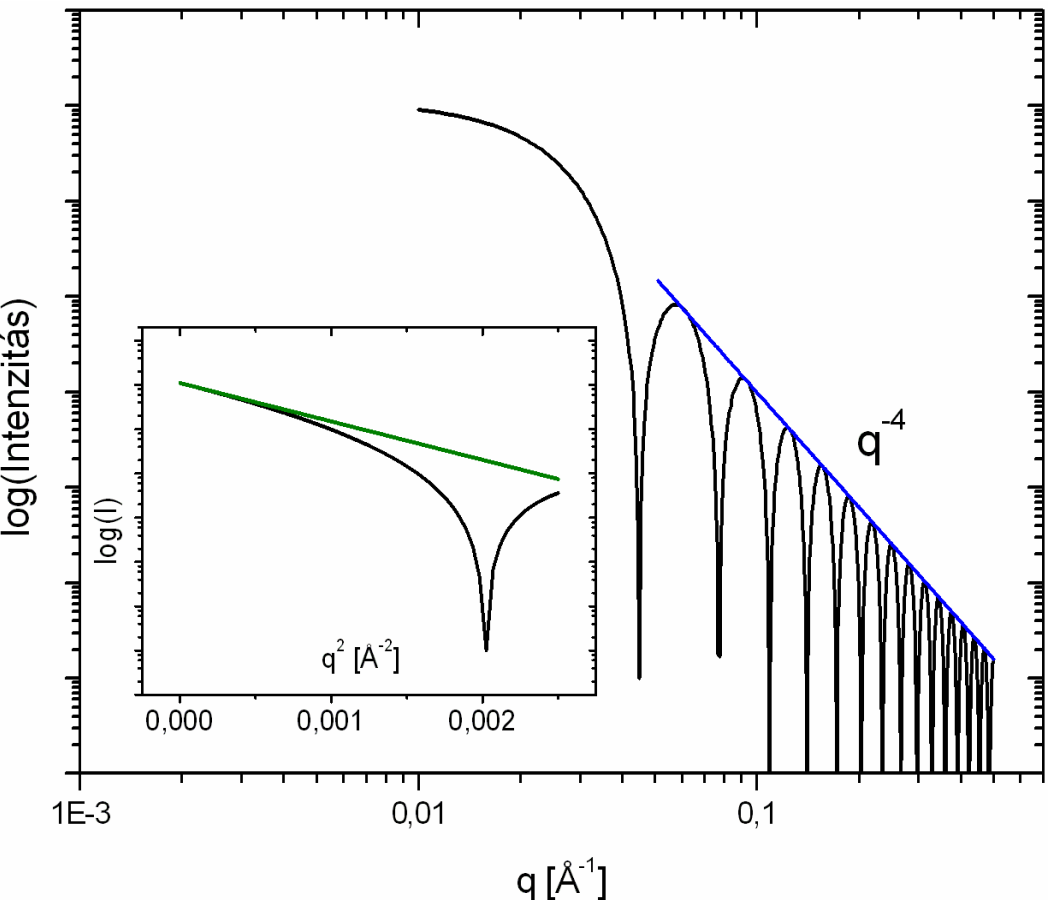
$P_{\beta}'$  (hullámos) gél fázis, 38 °C



q (1/nm)

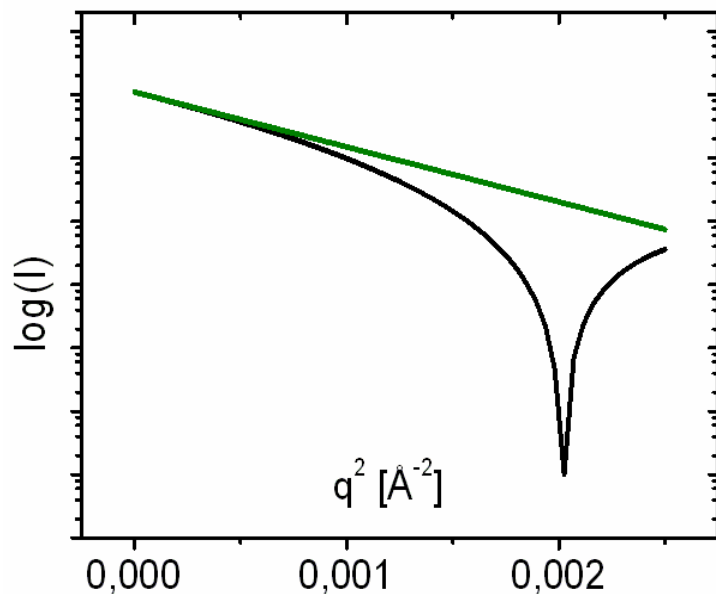
# Liposzómák, mint gömbszerű alakzatok méretének meghatározása: a „Guinier” sugár

A Guinier sugár a kisszögű röntgenszórással leggyakrabban meghatározott paraméter (érdeemes összevetni, más technikákkal, pl. fényszórással vagy TEM-el meghatározott értékekkel) Kiindulásképpen vizsgáljuk a homogén gömb méretét! A homogén gömb (melynek elektronsűrűsége eltér a közegétől, praktikusán nagyobb, mint a vízé) szórása kiszámolható. A gömbök sokasága diszpergált, azaz rendezetlen állapotban van a folyadékban. Nincs rács, az egyedi gömböcskék szórnak, és azok szórásának intenzitása egyenlő egyetlen gömböcske szórásának és a gömböcskének darabszámának szorzatával. A szórás szög szerinti, azaz a szórási változó,  $q$ -szerinti alakja szolgáltatja a gömb forma faktorát.



Vegyük észre, hogy a szórási görbe eleje egy „fordított” parabolára hasonlít. Valóban, ha a görbe elején lévő intenzitásértékeket a  $q^2$  függvényében ábrázoljuk, akkor egy egyenest nyerünk. (a betétábra legeleje, zöld színnel kiemelve). A görbe alakja minden gömb esetén hasonló lesz, csak a  $q$  skálán tolódik el, attól függően, hogy kisebb vagy nagyobb gömbről van-e szó. A szórási intenzitás drasztikus mértékben csökken,  $q^{-4}$  –el, a szórási változó fg-ében. A sűrűsödő és le – fel változó jelleg csak szigorúan monodiszperz méretű objektumoknál figyelhető meg!





Az elhajlás a görbe elején (a logaritmikus skálát figyelembe véve) az alábbi összefüggést **(André Guinier)** :

$$I(q \approx 0) = I_0 e^{-\frac{q^2 R_G^2}{3}}$$

$R_G$ , Girációs sugár (Radius of gyration), vagy elterjedt megnevezéssel Guinier sugár, egy lineáris méretet ad meg a szórási objektumról.

Az inercia (tehetetlenségi) sugár definíciója:

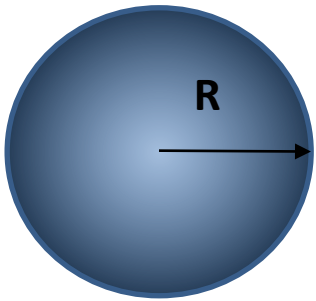
$$R_G = \sqrt{\frac{\iiint_0^V r^2 \rho(r) dV}{\iiint_0^V \rho(r) dV}}$$

Inercia sugara minden szabálytalan testnek van. A diszpergált részecske (gömb, vagy más forma) forog, pörög az oldatban, miközben a röntgenfényt szórja. A szabálytalan részecske tehetetlenségét (számláló a gyökjel alatt) egy olyan tömegpont (nevező a gyökjel alatt) tehetetlenségével azonosítjuk, ami a forgási középponttól  $R_G$  távolságra van.

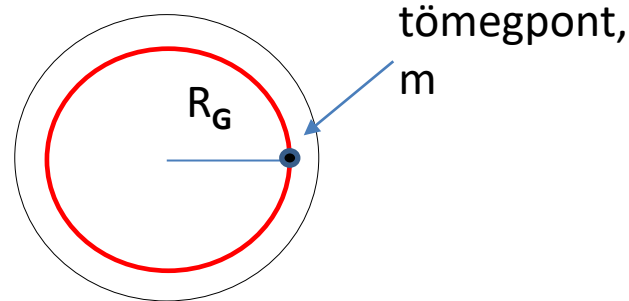
Egyszerű számolás, amellyel megmutatjuk, hogy a gömb Guinier sugara kisebb, mint a gömb sugara:

$$R_G = \sqrt{\frac{\iiint_0^V r^2 \rho(r) dV}{\iiint_0^V \rho(r) dV}}$$

A gömb minden elemi tömegpontjának tehetetlensége :  $m_i l^2$  a fenti képletben:  $r^2 \rho(r)$



$m$  tömegű homogén gömb  $R$  sugárral



az  $m$  tömeget pontba sűrítve,  $R_G$  hosszúságú szálon pörgetjük

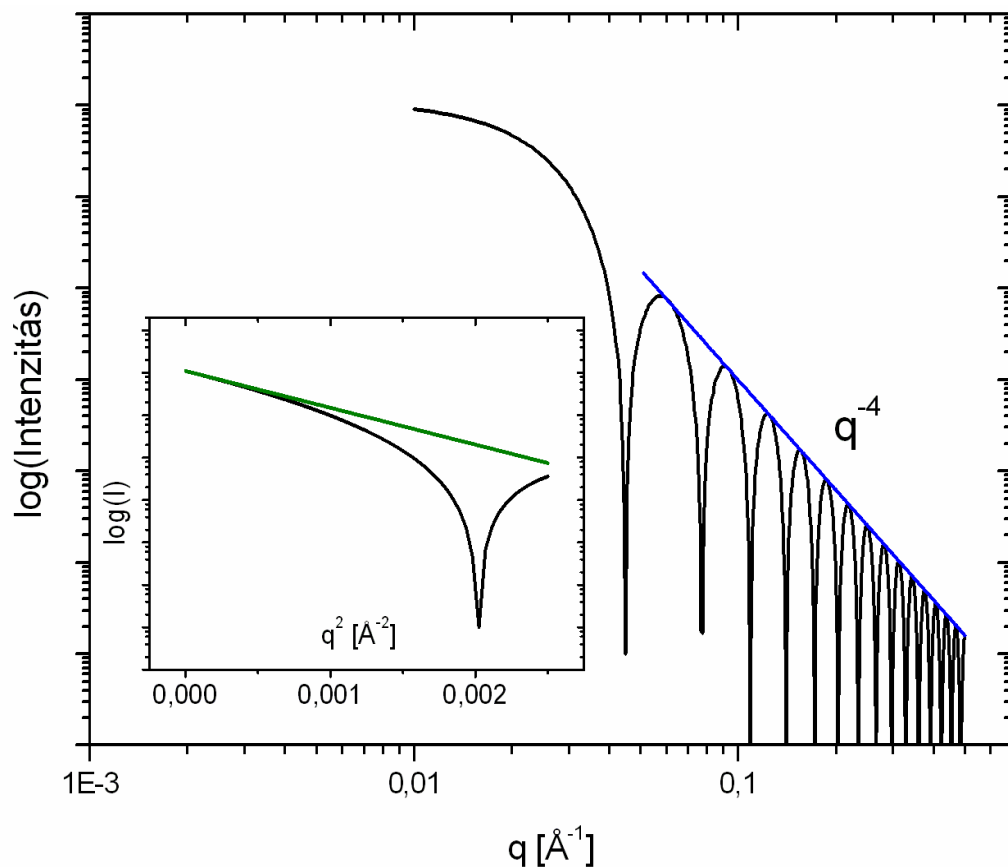
$R_G < R$ , miért?

$$R_G = \sqrt{\frac{\iiint_0^V r^2 \rho(r) dV}{\iiint_0^V \rho(r) dV}} \text{ -nek megfelelően:}$$

$$R_G^2 = \frac{\int_0^V \rho(r) r^2 dv}{\int_0^V \rho(r) dv} = \frac{\int_0^V \rho(r) r^2 d(4\pi r^3/3)}{\int_0^V \rho(r) dv} = \frac{\int_0^V r^2 d(4\pi r^3/3)}{\int_0^V dv} =$$

$$\frac{\int_0^R r^2 (12\pi r^2/3) dr}{\int_0^V dv} = \frac{4\pi \left[ \frac{r^5}{5} \right]_0^R}{\frac{4\pi r^3}{3}} = \frac{3}{5} R^2$$

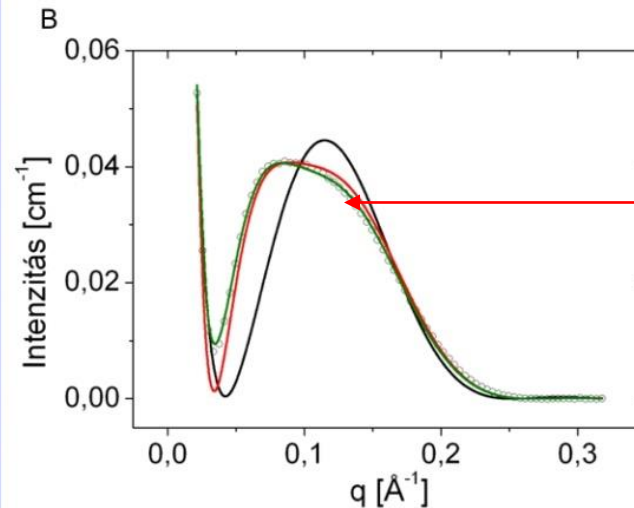
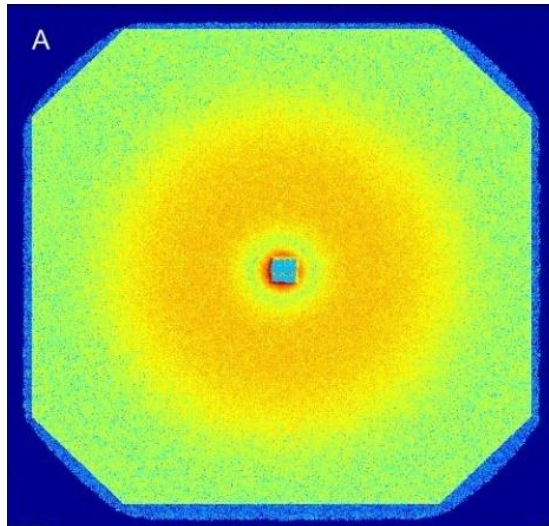
A levezetés alapján beláthatjuk, hogy az unilamellás vezikulák (=vékony gömbhéjak) Guinier sugara közel esik a gömbhéj értékéhez, a szórásgörbe kezdeti szakaszából számolt sugár közvetlenül az ULL sugarát adja.



Említésre került, hogy a kisebb és nagyobb objektumok szórása hasonló alakot mutat. ULL esetében, ha a rendszer heterodiszperz, akkor az eltérő méretű frakciók szórásánál a minimum és maximum helyek összeesnek és az eredő szórás egy „simán” lefutó görbealakot eredményez. Általában az ábrán megfigyelhető első, nagyobb intenzitású lokálmaximum marad meg „váll” formájában.

Ha a Guinier ábrázolás nem ad egyenest, akkor reálisnak tűnő eloszlás-típus (normál, log-normál) feltételezésével a minta méreteloszlása kiszámolható. (A SAXS módszer általában reálisabb eredményt szolgáltat, mint a DLS.)

Talán sikerült felkelteni az érdeklődést a röntgenszórással kapcsolatban! Ha igen tegyünk egy kis kitérőt, amelyben bemutatásra kerül, hogy diffrakció híján, a szórásgörbe alakjának figyelembevételével, pl. az unilamellás liposzómák belső, kettősrétegen belüli szerkezete is feltárható. Ennek jelentősége a több kémiai komponensből álló készítményeknél van. Lehetőség van a komponensek (vendégmolekulák, hatóanyagok) rétegen belüli elhelyezkedésének megállapítására.



A formafaktor lefutása  
eltérhet.  
Milyen információt  
hordoz az eltérés?

## A szórás elméleti leírása röviden (1)

A röntgen fény = elektronmágneses síkhullám formájában terjed.

Kémiai rendszerben a szóró pont (akadály) az elektron (a proton nagy tömege miatt elhanyagolható)

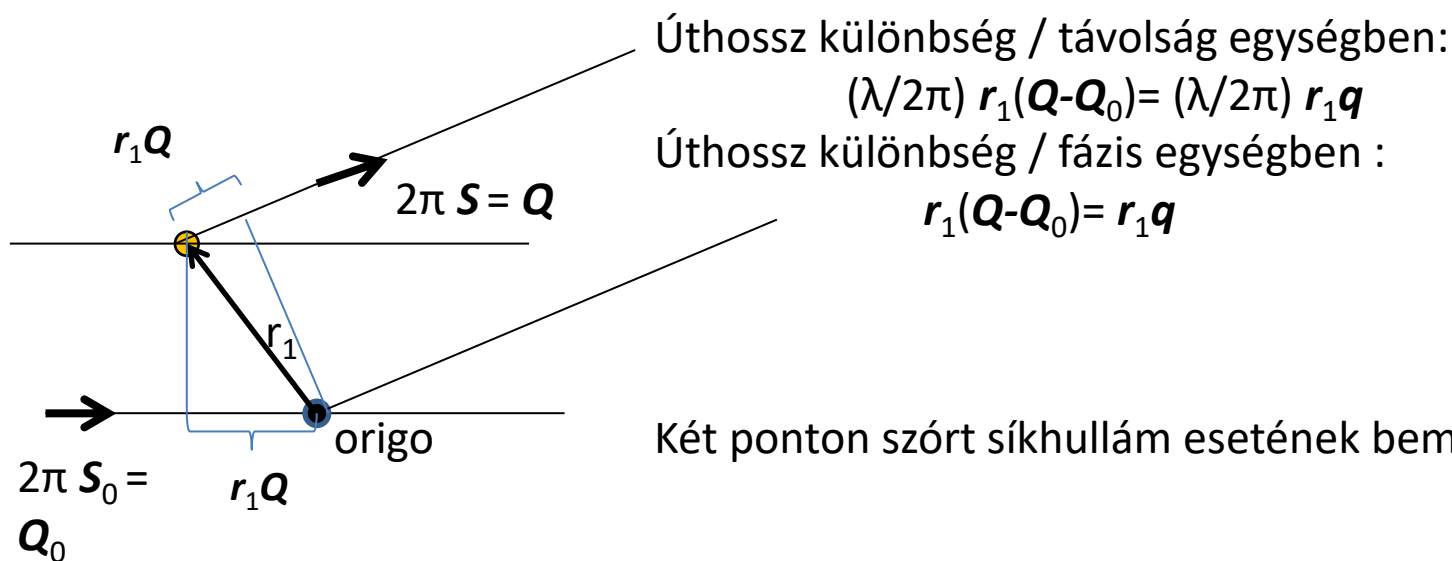
Az elektron szórását a Thomson egyenlet írja le.

$$I(2\theta) = r_0^2 \left( \frac{1 + \cos^2(2\theta)}{2} \right) \frac{1}{r^2} I_0$$

(A beérkező fény intenzitása, a kölcsönhatás után, a az elektrontól mért távolság ( $r$ ) négyzetének reciprokával arányos. A zárójeles kifejezés kis szögek esetében közel 1. Az arányossági tényező ( $r_0^2$ ) az elektron szórása (az elektron klasszikus sugarának négyzete).

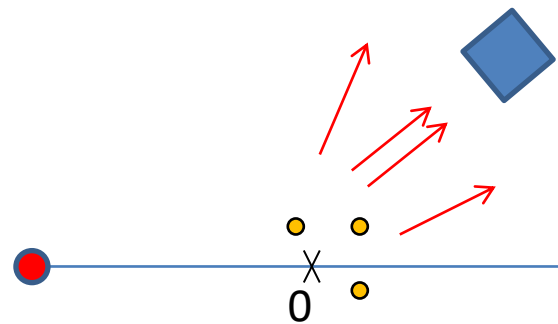
A síkhullámot az idő és távolságfüggő amplitúdó kifejezéssel írjuk le:  
(a mérés hosszú ideig tart, számunkra a távolság a lényeges, hiszen ez van kapcsolatban a szerkezettel)

$$A = A_0 \sin \left( \omega t - 2\pi \frac{x}{\lambda} \right)$$



Két ponton szórt síkhullám esetének bemutatása

A szórás elméleti leírása röviden (2)

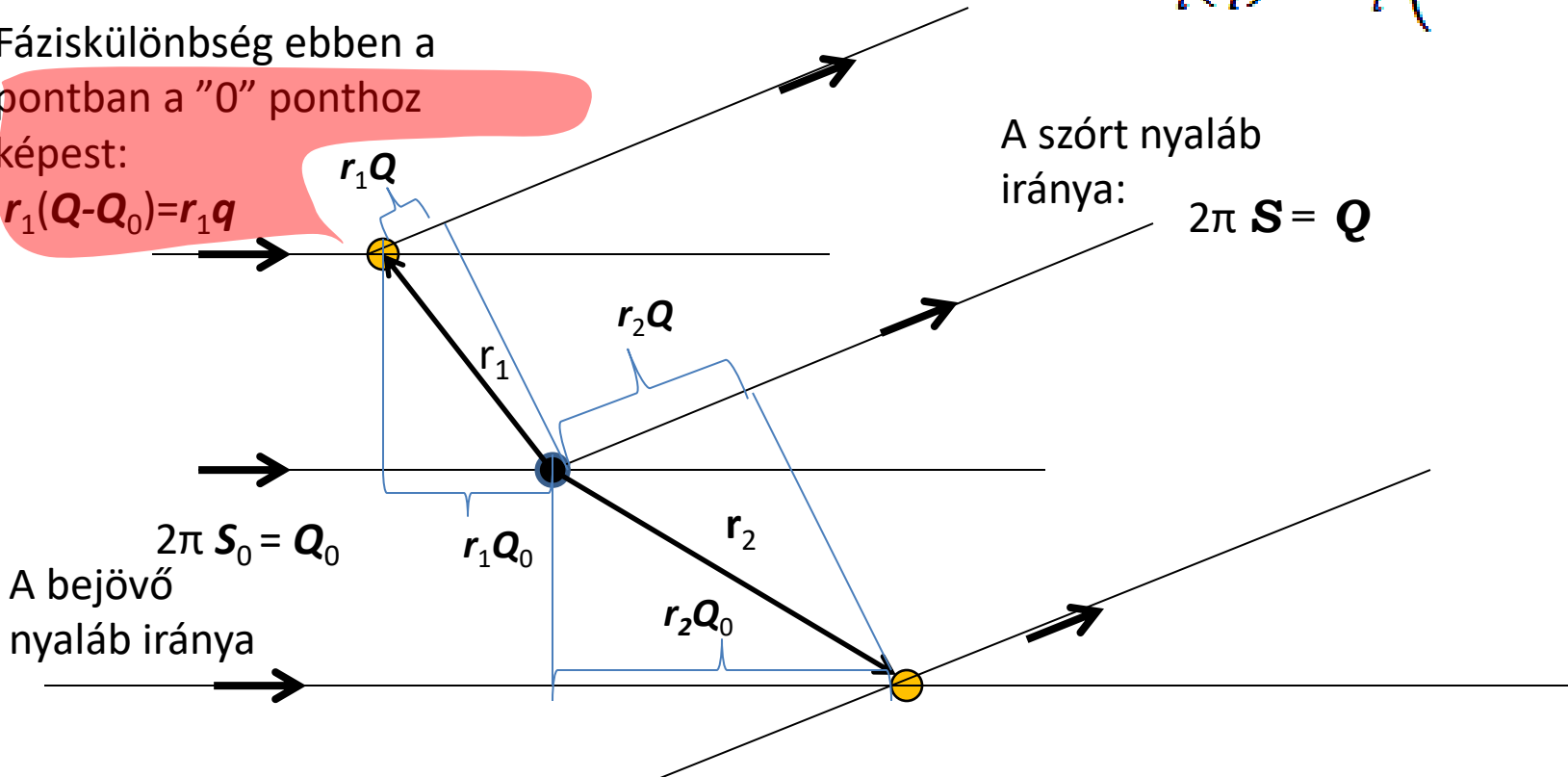


A mérési elrendezés  
sematikusán, a  
forrás, a minta  
néhány pontja „O”  
körül, a detektor

Az „út” tagot egy, a forrás –  
detektor („O”-n keresztül  
haladó) L távolsággal is  
figyelembe vesszük:

$$A_i(q) = A'_i \left( \omega t - \frac{2\pi L}{\lambda} - \mathbf{r}_i \mathbf{q} \right)$$

Fáziskülönbség ebben a  
pontban a "0" ponthoz  
képest:  
 $r_1(Q-Q_0)=r_1q$



A szórt nyaláb  
iránya:  $2\pi \mathbf{S} = \mathbf{Q}$

$2\pi \mathbf{S}_0 = \mathbf{Q}_0$   
A bejövő  
nyaláb iránya

A szórás elméleti leírása röviden (3)

$$A_1(q) = A'_I \left( \omega t - \frac{2\pi L}{\lambda} - r_1 q \right)$$

$$A_2(q) = A'_{II} \left( \omega t - \frac{2\pi L}{\lambda} - r_2 q \right)$$

Minden ponton szórt nyaláb amplitúdóját figyelembe kell venni a detektor felszínén, és össze kell adni, így nyerjük az eredő amplitúdót:

$$A(q) = A' \sum_i \sin \left[ \underbrace{\left( \omega t - \frac{2\pi L}{\lambda} \right) - r_i q}_{\sin(a + b_i)} \right]$$

**Az amplitúdó négyzete az intenzitás !**

Trigonometrikus formában ilyen alakú:

$$I(q) = A(q)^2$$

Ennek megfelelően:

$$I(q) = \frac{A'^2}{2} \left( \sum_i \sum_j \cos b_i \cos b_j + \sum_i \sum_j \sin b_i \sin b_j \right) = \frac{A'^2}{2} \left( \sum_i e^{-r_i q} \right) \left( \sum_i e^{-r_i q} \right)^*$$

**Egy nehezen kezelhető kifejezést nyerünk! Praktikusan a kifejezést komplex formába írjuk! A komplex forma következménye, hogy a négyzetreemelés helyett a komplex konjugálttal való szorzást kell használni:**

$$I(q) = A(q) \cdot A^*(q)$$

Az amplitúdó kifejezését átalakítjuk: összegzésről áttérünk az integrálásra:

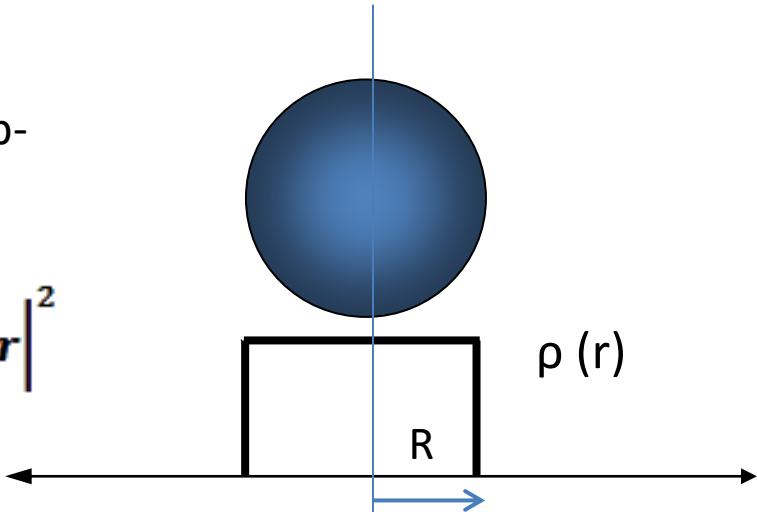
$$A(q) = \frac{A'}{\sqrt{2}} \left( \sum_i e^{-r_i q} \right) = \frac{A'}{\sqrt{2}} \int_0^V \rho(r) e^{-r q} dV_r = \frac{A'}{\sqrt{2}} F |\rho(r)|$$

hiszen az elektronok pozíciója nem adható meg, azok „elkenve” vannak a térben. Az elektronsűrűség pontosan ezt fejezi ki.

$$A(q) = \frac{A'}{\sqrt{2}} \left( \sum_i e^{-\mathbf{r}_i \cdot \mathbf{q}} \right) = \frac{A'}{\sqrt{2}} \int_0^V \rho(r) e^{-\mathbf{r} \cdot \mathbf{q}} d\mathbf{v}_r = \frac{A'}{\sqrt{2}} F[\rho(r)]$$

Érdemes az utóbbi összefüggésnél elidőzni! Az összeadás a minta minden egyes elektronjáról szóródott gömbhullám amplitudójára vonatkozik. A második alak, a térfogat szerinti integrálás a mintára vonatkozik, az exponenciális t, minden egyes , a mintán belüli r távolságra lévő pár fázisa. Más oldalról, **matematikailag a  $\rho(r)$  elektronsűrűség Fourier transzformáltjához jutottunk (harmadik tag).** Ez egy nagyon szép és fontos eredmény! A minta elektronsűrűségének Fourier transzformáltja a szórási amplitúdó. Ezek után ezt komplex konjugáljával szorozva, a minta röntgenszórásának intenzitása számolható! Tehát modell-elképzeléseink alapján az intenzitás számolható és a kísérletileg meghatározott intenzitás görbéve összehasonlítható. Ha az egyezés a számolt és mért görbék között, akkor lehet elképzelésünk a minta elektron sűrűségének térbeli eloszlásáról, azaz a szerkezetről.

Ezek után foglalkozzunk a korábban bemutatott gömb-szórással!

$$I(\mathbf{q}) = \left| \iiint \rho(\mathbf{r}) e^{-i\mathbf{q} \cdot \mathbf{r}} d^3\mathbf{r} \right|^2$$


Ez egy „nano” gömb, homogén elektron sűrűséggel. Mérete akkora, mint egy liposzómáé.



# A szórás elméleti leírása röviden (5)

A konkrét megoldásnál érdemes egy hasznos „trükkhöz” folyamodni: a gömböt a Descartes féle koordináták helyett, polárkoordinátákkal kell dolgozni.

Ugyanis a Fourier transzformáció kiszámítását polárkoordinátákkal sokkal egyszerűbb elvégezni, mert egy göbbszimmetrikus alakzatról van szó.

$$A(\mathbf{q}) = \iiint \rho(\mathbf{r}) e^{-i\mathbf{q}\mathbf{r}} d^3\mathbf{r}$$

Az azimut szög „z” tengelyét a  $\mathbf{q}$ -val párhuzamosra állítható, mert irányfüggetlen objektumról van szó.

$$A(\mathbf{q}) = \int_0^{2\pi} d\varphi \int_0^R r^2 \rho(r) \int_0^\pi \sin \theta e^{-iqr \cos \theta} d\theta$$

Végezzük el az  $u = \cos \theta$  helyettesítést!

$$A(\mathbf{q}) = \underbrace{\int_0^{2\pi} d\varphi}_{2\pi} \int_0^R r^2 \rho(r) \left( \int_{-1}^1 e^{-iqr u} du \right) dr$$

A belső integrál számolható

$$\int_{-1}^1 e^{-iqr u} du = \left[ \frac{1}{-iqr} e^{-iqr} \right]_{-1}^1$$

A belső integrál az Euler formula alapján átírható (a komplex számtól megmenekülünk) ( $e^{i\alpha} = \cos \alpha + i \sin \alpha$ ):

$$\frac{1}{-iqr} [e^{-iqr} - e^{iqr}] = \frac{1}{iqr} [2i \sin(qr)] = \frac{2 \sin(qr)}{qr}$$

# A szórás elméleti leírása röviden (6)

Az utóbbi részeredményt visszaírva az A(q) kifejezésébe:

R-szerint integrálva (figyelembe véve az objektum méretét!)

Végezetül egy bővítés, hogy a gömb térfogatát felismerjük!

$$A(\mathbf{q}) = A(q) = (4\pi) \int_0^R \rho(r) r^2 \frac{\sin(qr)}{qr} dr$$

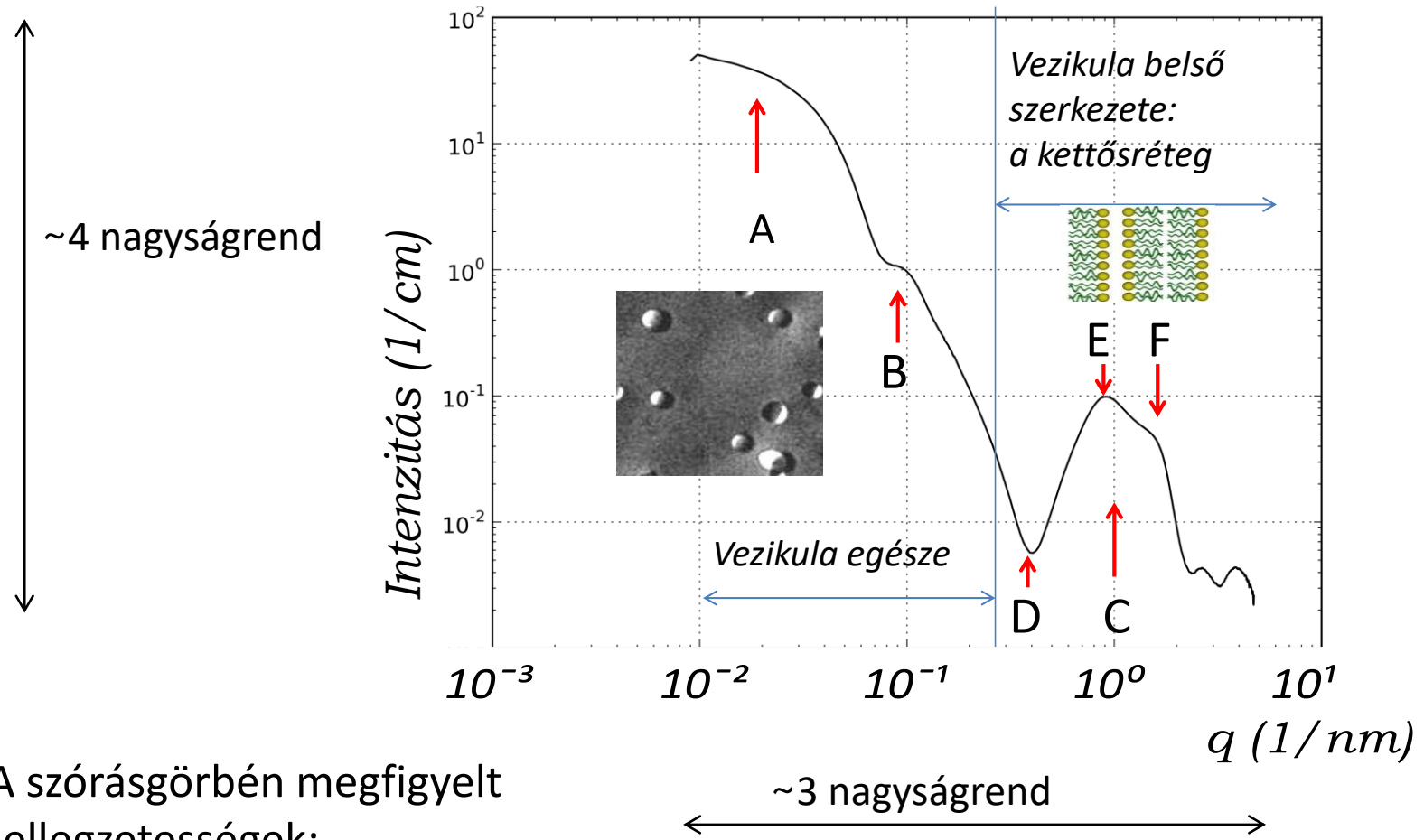
q már nem vektor,  
skalár változó!

$$I_{sphere}(\mathbf{q}) = \left\{ \frac{4\pi\rho}{q^3} (\sin(qR) - qR\cos(qR)) \right\}^2$$

$$I(q) = \left\{ \underbrace{\rho \left( \frac{4\pi R^3}{3} \right)}_{V \text{ (volume)}} \underbrace{\frac{3}{q^3 R^3} (\sin(qR) - qR\cos(qR))}_{P(qR)} \right\}^2$$

Ez utóbbi kifejezés alapján került kiszámításra a korábbi ábrákon bemutatott gömb intenzitás görbéje. Ezek után **egy liposzóma szórásgörbéjének számítása** könnyen megoldható. Az **egyes régiók (=gömbhéjak) határait**, és a régión belül aktuális  $\rho(r)$  értékeket vesszük figyelembe. Multilamellás esetben, az „unilamellás „ réteget pakoljuk egymás fölé, reális vastagságú vízréteggel elválasztva.

Szinkrotronos mérés, ESRF, Grenoble

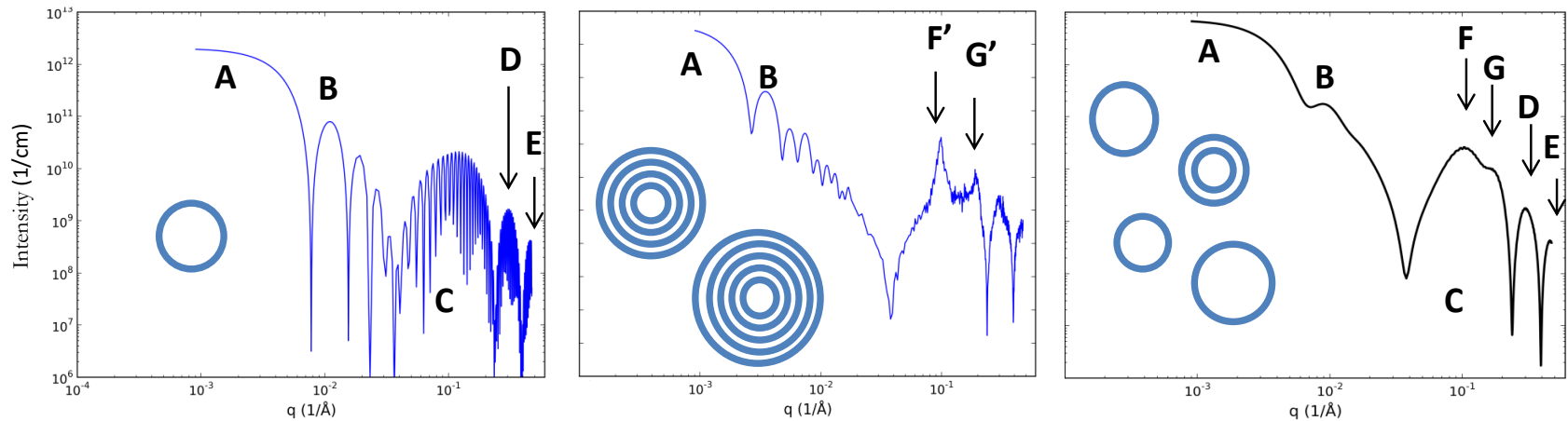


A szórásgörbén megfigyelt  
Jellegzetességek:

- A, B** a liposzóma egésze
- C, D, E, F** a liposzóma belső, rétegszerkezete

Ezeknek a jellegzetességeknek a magyarázatára a modell segítségével adunk választ.

## Unilamellás liposzóma szerkezetvizsgálata (2)



### Baloldali ábra

Egy adott külső méretű liposzóma (adott vastagságú ca. 4nm kettősréteggel). A konstans R következménye, hogy a „fluktuál” a szórásgörbe. Az „A” a kezdeti Guinier szakaszból adódik, „B” az első maximum, „C” (sőt a további két kicsiny maximum, D és E-vel jelölve) mint a kettősréteg formafaktora azonosítható.

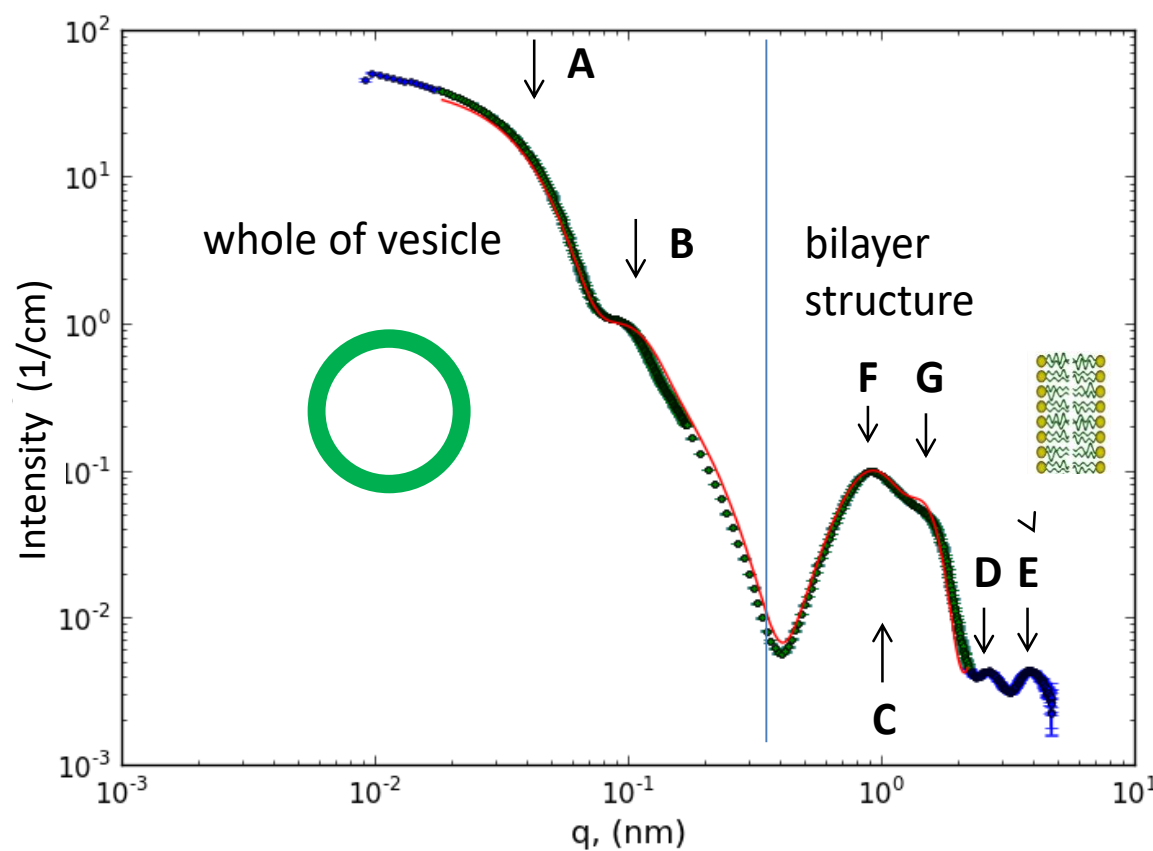
### Középső ábra

A liposzóma méretét kismértékben változtatva (heterodiszperz jelleg figyelembevétele). A liposzómák közé néhány 3 – 4 réteget is tartalmazó frakció bevitele, az F és G jellegzetességek, mint a sokrétegből származó Bragg csúcsok megjelenését okozza.

### Jobboldali ábra

A polidiszperz jelleg növelése, maximum 2 kettősréteg 5%-os jelenléte a mért görbe kvalitatív leírását adja és minden az eredeti kísérleti görbén látható jellegzetesség

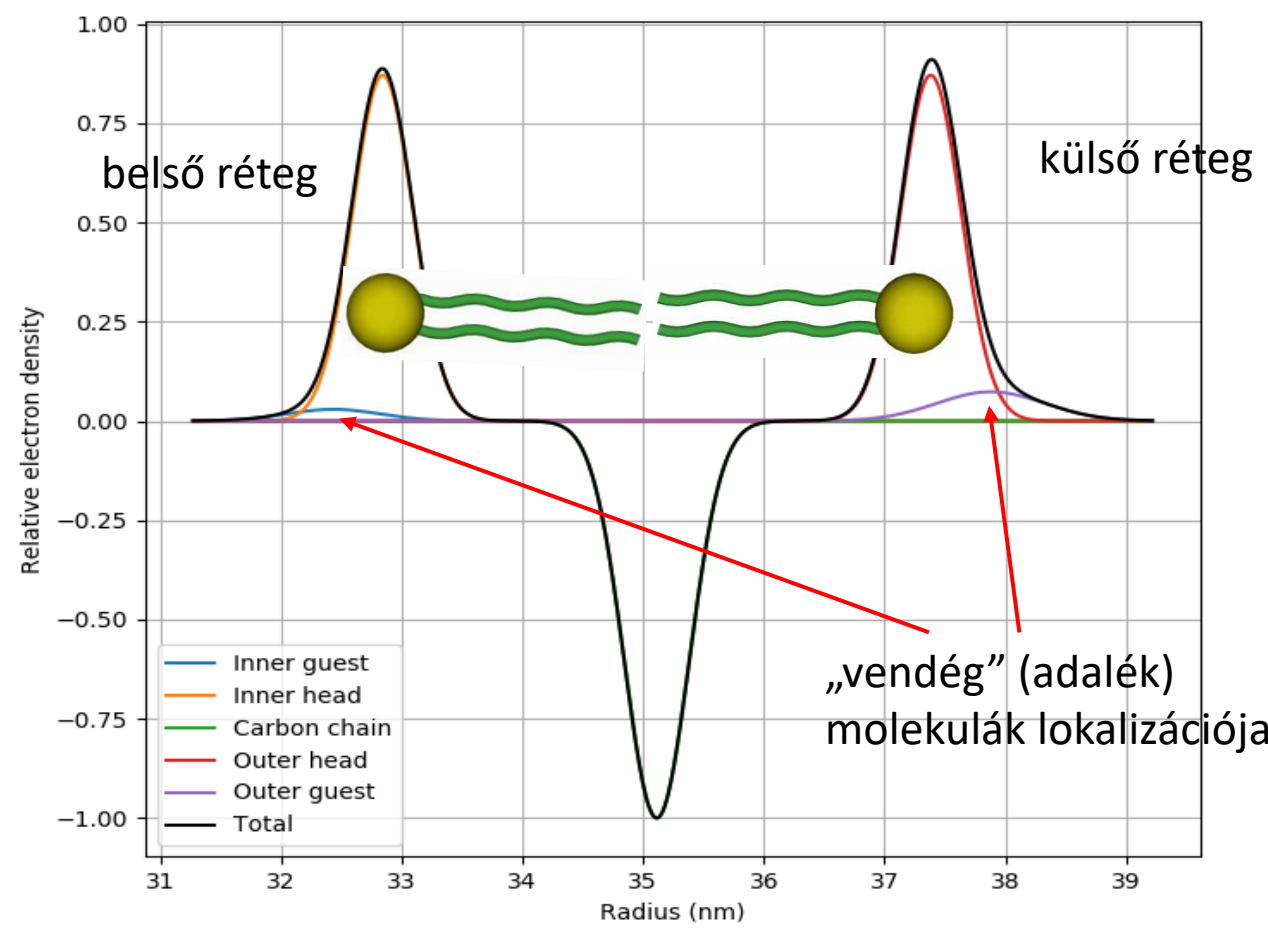
# Unilamellás liposzóma szerkezetvizsgálata (3)



A kísérleti szórásgörbe (kék) és az illesztett modellgörbe (piros) a liposzómsá rendszer jellemzését adja. A C formafaktoron belül (itt nem közölt részletekkel) a kettősrétegen belüli szénlánc, fejcsoport vastagság és azok lokális elektronsűrűsége került kiszámításra. Ezen felül lognormális eloszlás feltételezésével a liposzóma minta méreteloszlását is meghatároztuk. Ez az unilamellás liposzóma polialmasav adalékkal készült, ami a rendszer sztérikus stabilizását biztosította. A felsorolt jellemzők mellett a polialmasav (pontosabban oligo-almasav, mert a tagszám 5-7 közötti érték volt).

# Unilamellás liposzóma szerkezetvizsgálata (4)

Az unilamellás liposzóma radiális irányú elektronsűrűség profilja. A komponensek elhelyezkedését nem lépcső-profillal, hanem a valós helyzetnek jobban megfelelő Gauss-függvényekkel írtuk le.

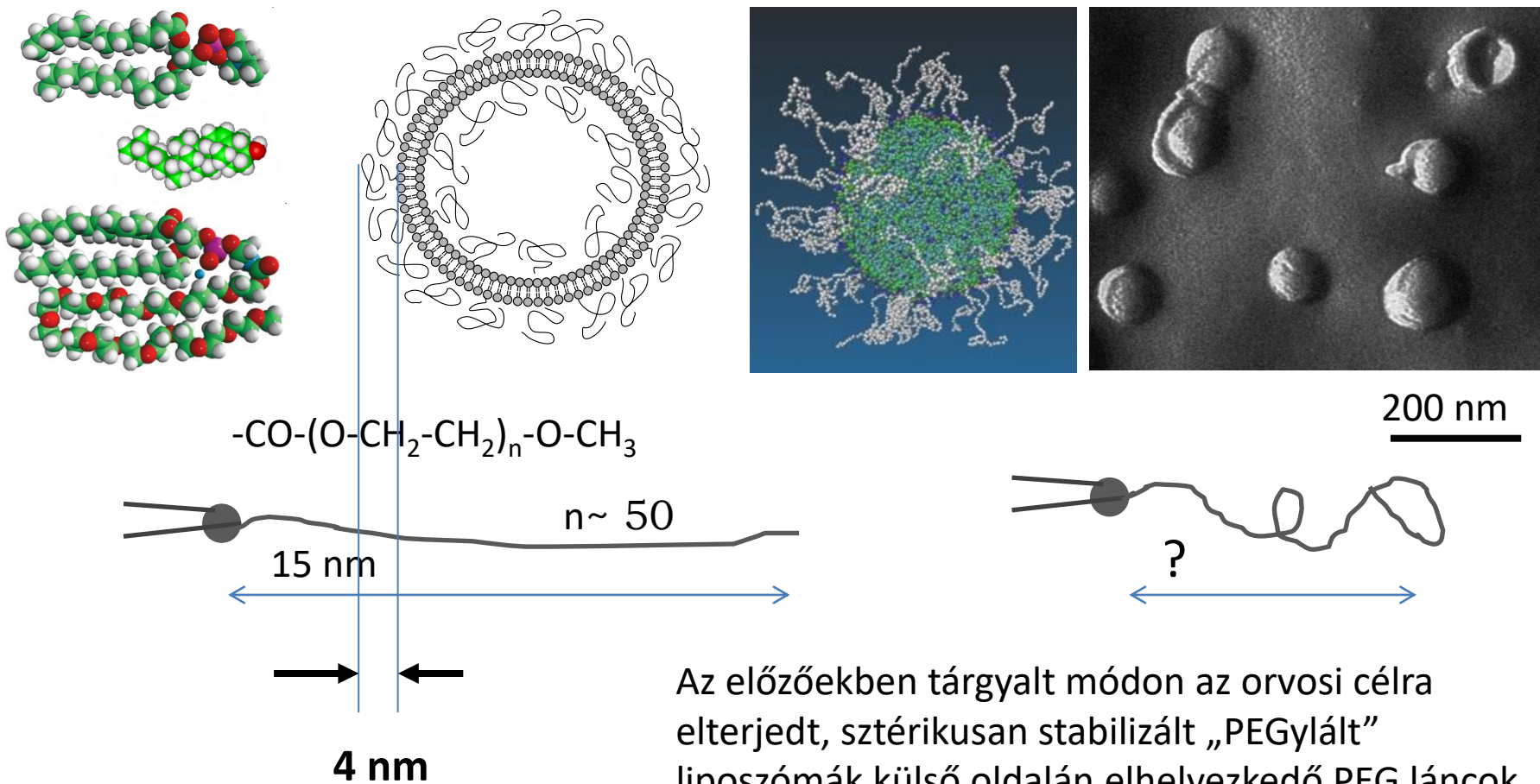


# SZTÉRIKUSAN STABILIZÁLT VEZIKULÁK

DPPE-PEG (2000) POLIMER LÁNCÁNAK JELLEMZÉSE

a DPPC (HSPC) – KOLESZTERIN – DPPE-PEG (2000) –ből álló rendszerben

Extrudálás után (a polikarbonát szűrű pórusátmérője 80 nm)

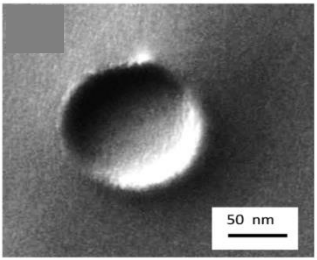


Az előzőekben tárgyalt módon az orvosi célra elterjedt, sztérikusán stabilizált „PEGylált” liposzómák külső oldalán elhelyezkedő PEG láncok által formált héjréteg vastagságát határoztuk meg.



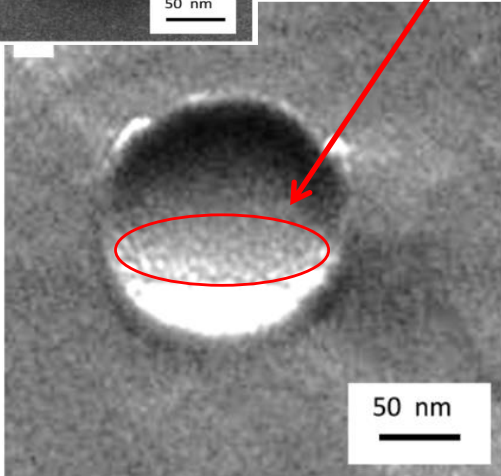
# Unilamellás liposzóma szerkezetvizsgálata :*Tripszinnel* töltött vezikulák (5)

A tripszin az érfalon lerakódott plakkok elemésztésére szolgál

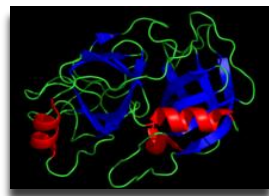
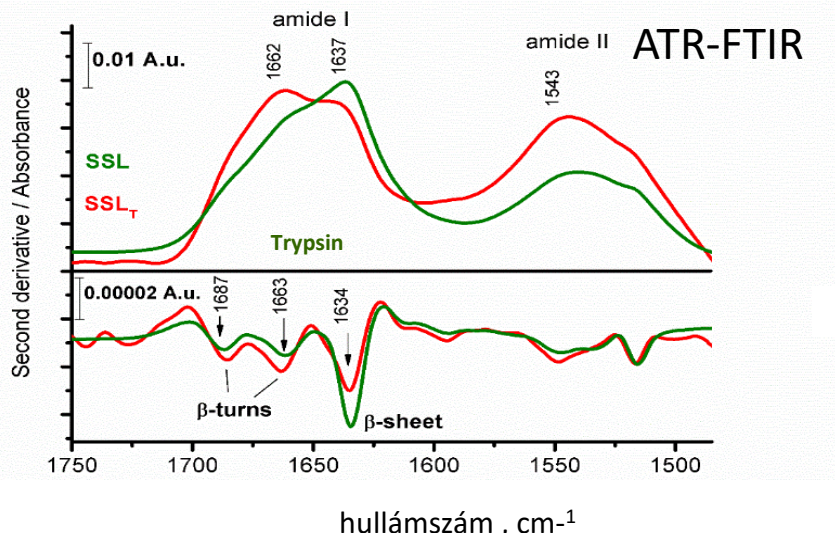
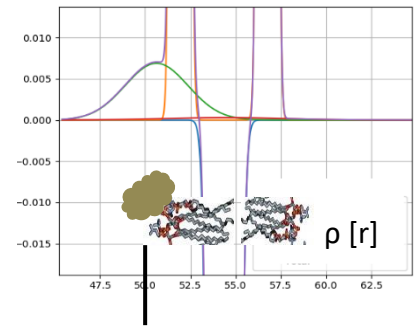
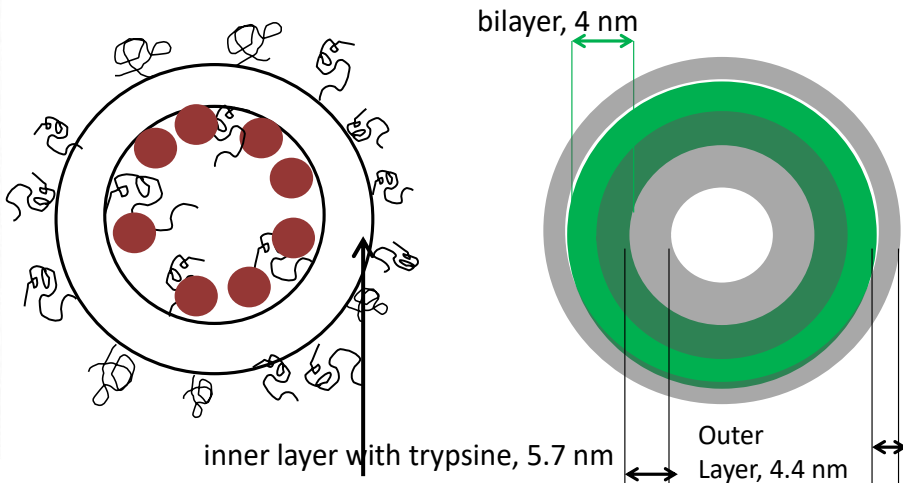


referencia: töltetlen vezikula

Szemcsés belső felszín



Héj-modell a röntgenszórás alapján



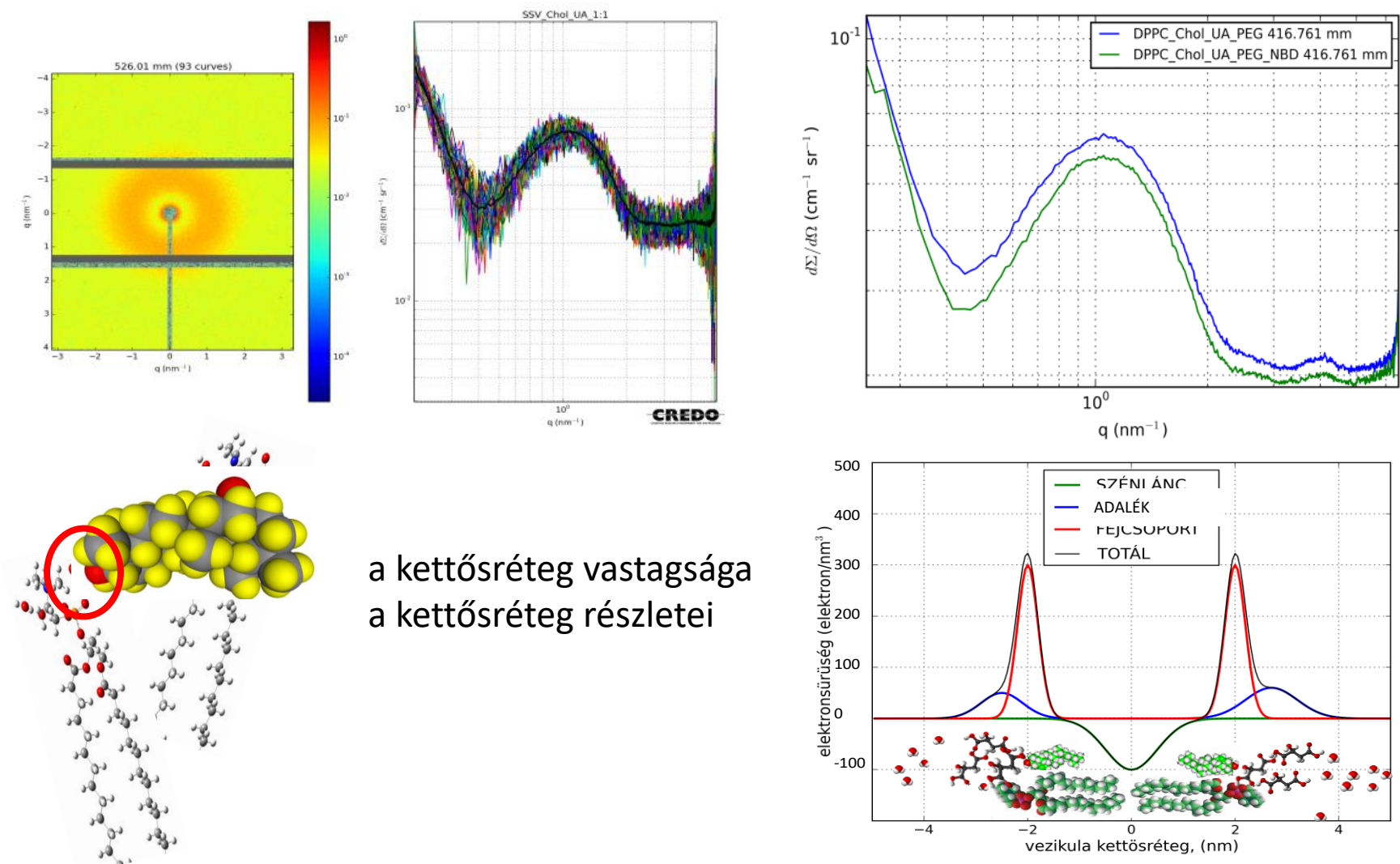
<http://en.wikipedia.org/wiki/Trypsin>

α-hélix	9%
β-redő	44%
β-kanyar	38%
random	9%

A tripszin a hidofil/hidrofób határfelületi tartományában helyezkedik el – lokalizált

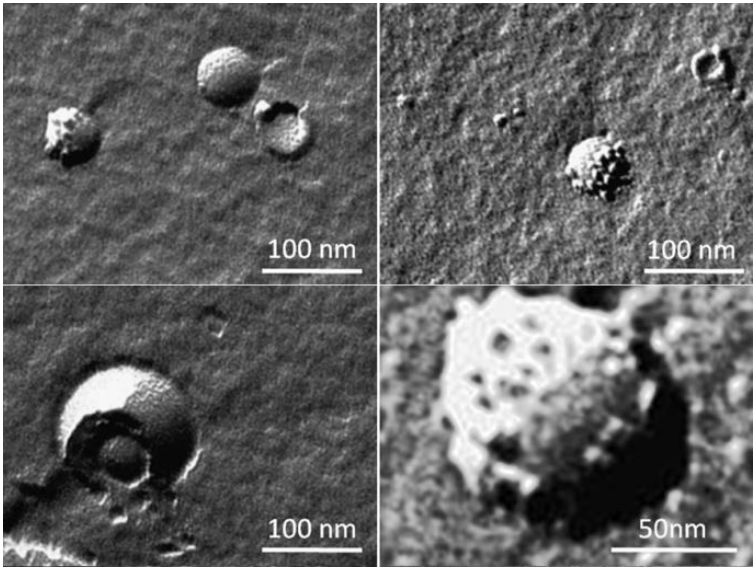
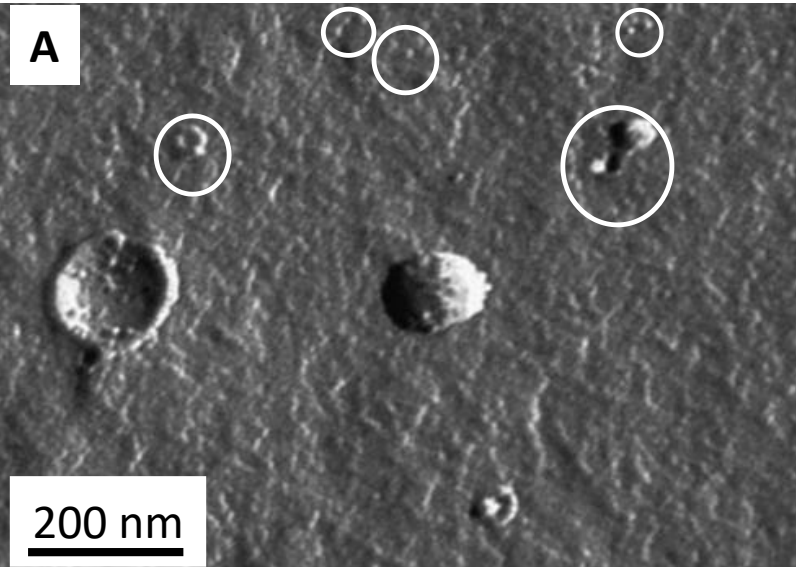
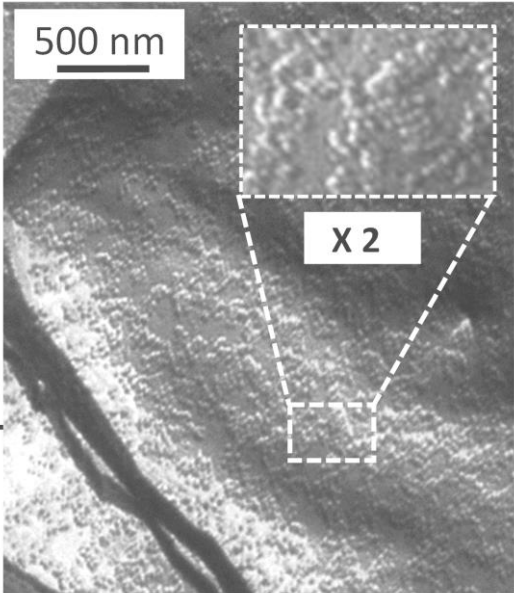
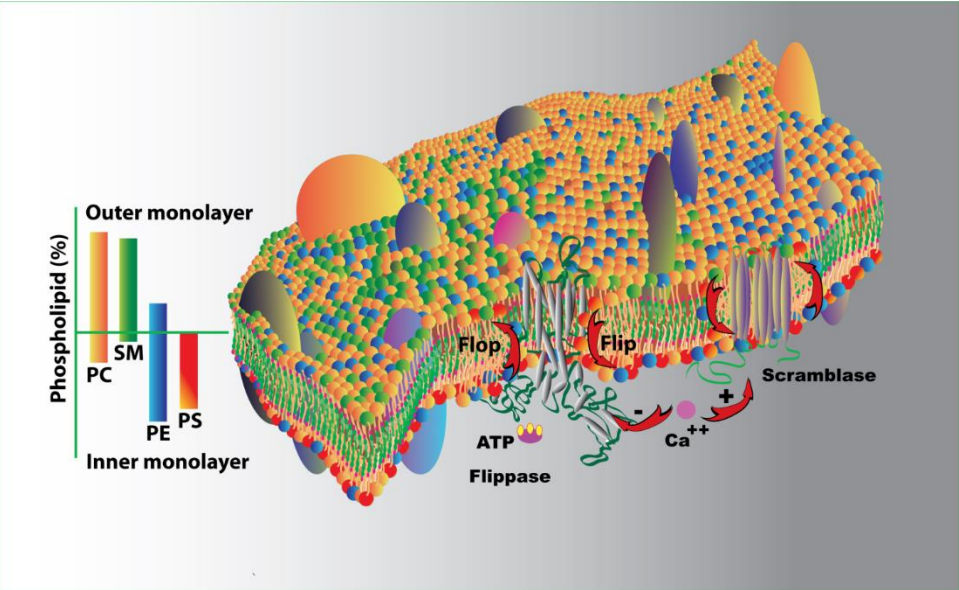
Unilamellás liposzóma szerkezetvizsgálata: urzolsav lokalizációja (5)

DPPC-Koleszterin-Urzolsav-PEG (3-1-1-0,06) PBS-ben (10mM)  
DPPC-Koleszterin-Urzolsav-PEG-NBD (3-1-1-0,06-0,03) PBS-ben (10mM)  
ULV Kisszögű röntgenszórása



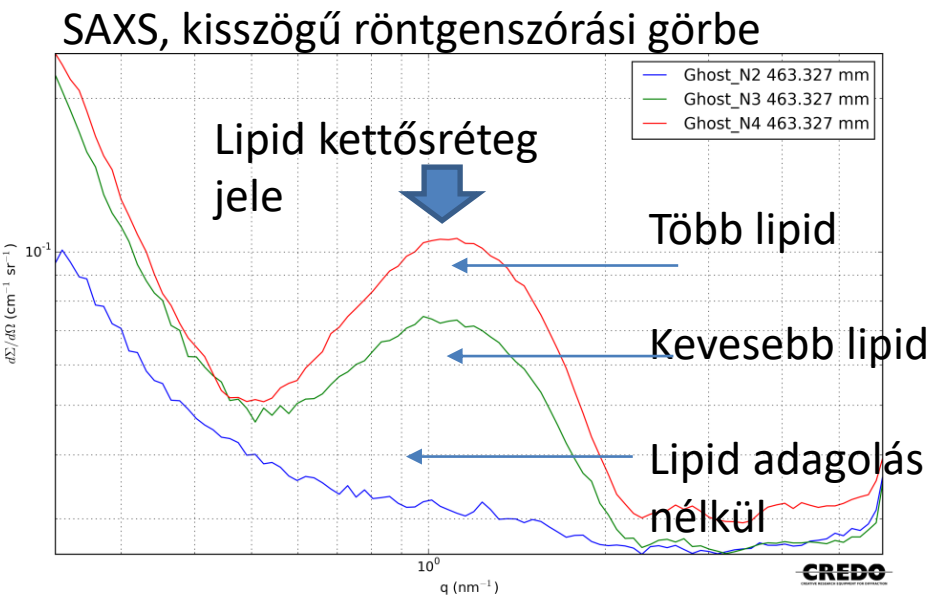
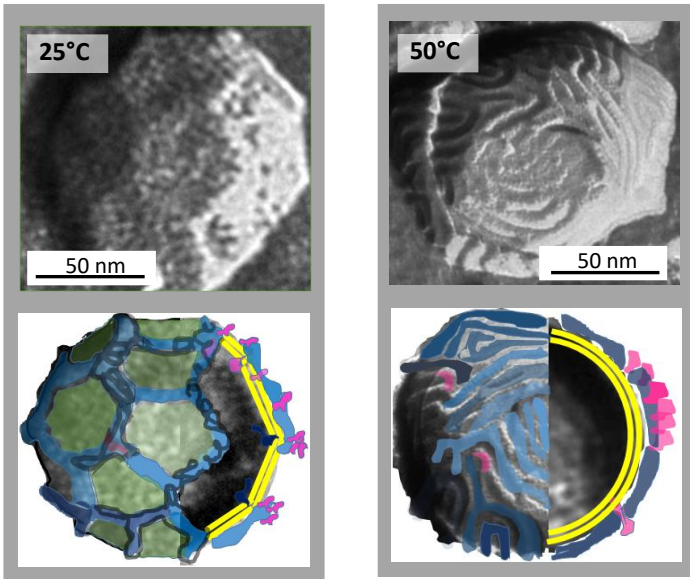
a kettősréteg vastagsága  
a kettősréteg részletei

Nanoeritroszómák, a vörösvértest membránjából, az ún. ghosztból



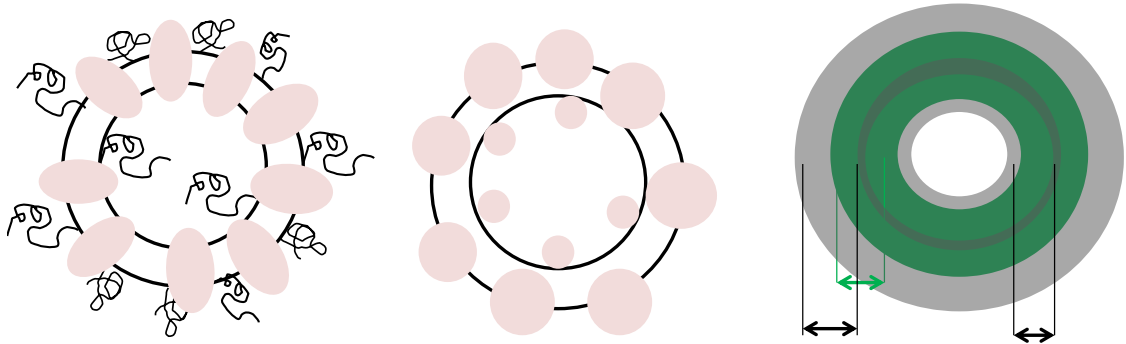


Nanoeritroszómák, a vörösvértest membránjából, az ún. ghosztból



Membránmimetikus, szintetikus lipidek adagolásával szabályozott méretű nanohordozók preparálhatók

Kisszögű röntgenszórási (SAXS) görbe alapján szerkezeti modell leírás



# SZÉLES KARAKTERISZTIKUS MÉRETTARTOMÁNY

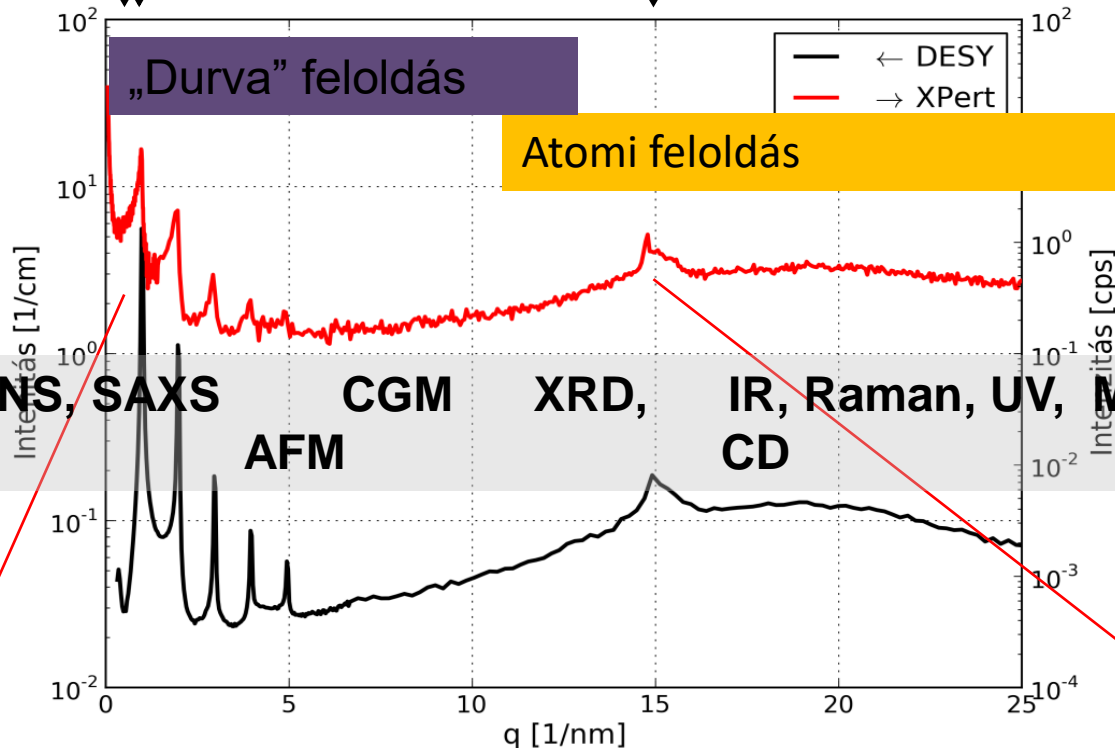
100 nm

10 nm

0.4 nm

max: 250 nm

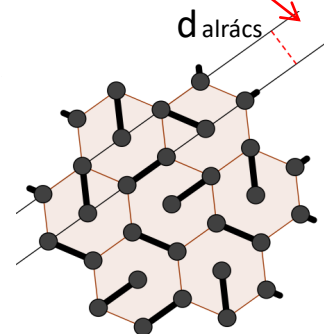
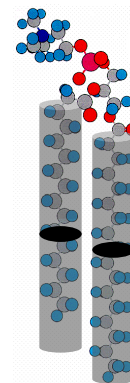
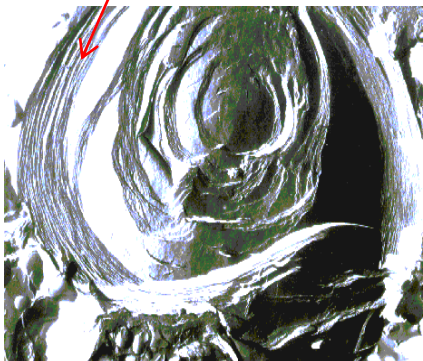
min: 0.08 nm



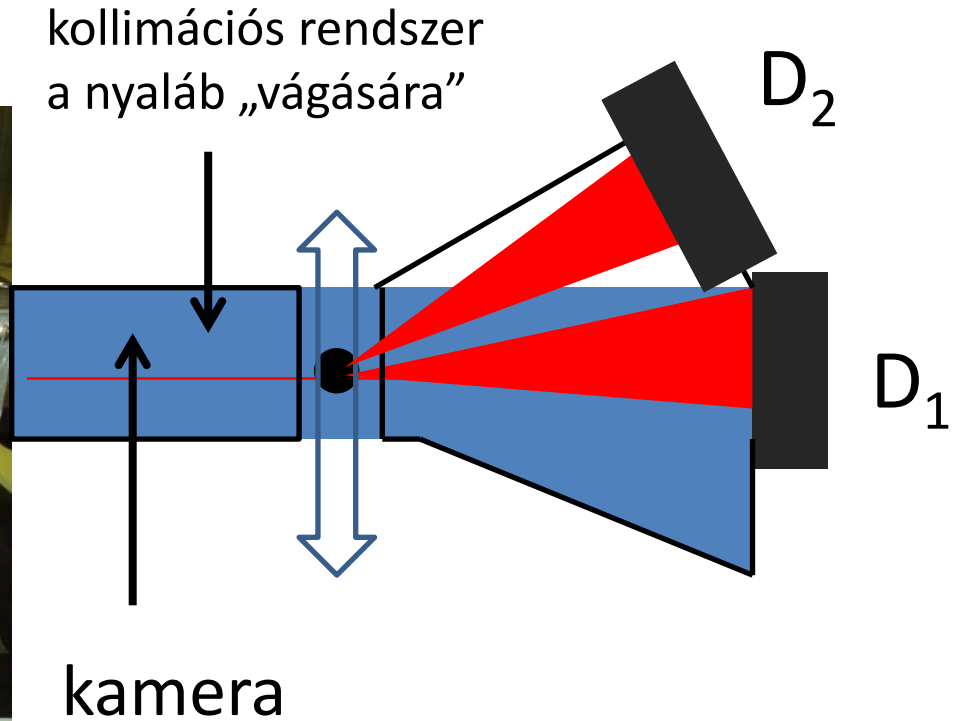
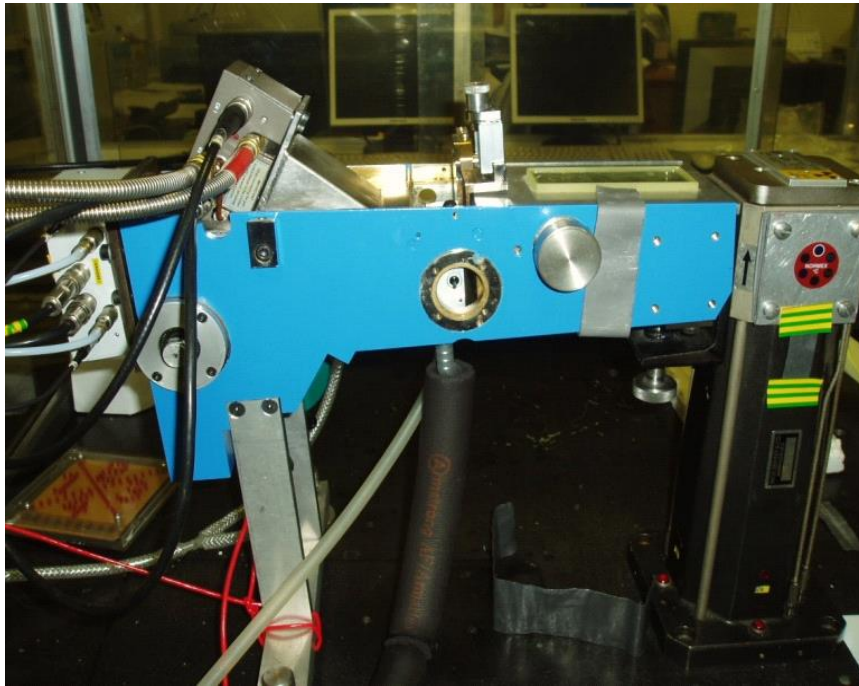
TEM, DLS, SANS, SAXS, CGM, XRD, IR, Raman, UV, MD, MM

AFM

CD



# A kisszögű szórás mérésének technikája elterjedt laboratóriumi berendezés



$D_1$ : kisszögű szórás/diffrakció 1 – 100 nm

$D_2$ : nagyszögű diffrakció 0,3 – 0,5 nm  
párhuzamosan álló lipidek tipikus távolsága

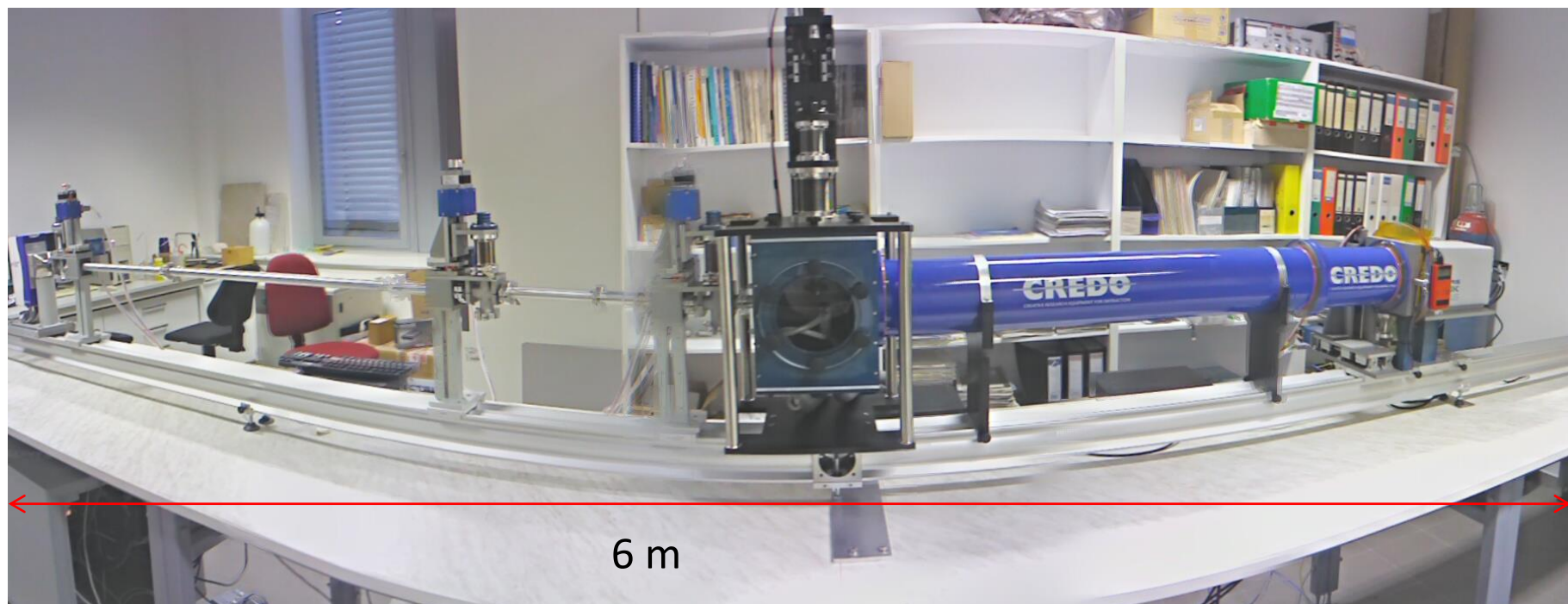
# *Laboratóriumi nagyberendezések*

GeniX3D Cu ULD röntgenforrás (30 W) Pilatus-300k kétdimenziós, helyérzékeny detektor 3575 mm motorizált mintamozgatás, hőmérséklet, mágneses tér, nyírás. . .

Változtatható minta-detektor távolság: széles szögtartomány lefedhető  
( $q = (4\pi/\lambda)\sin \Theta$ :  $[0.019; 30] \text{ nm}^{-1}$  ami a 0.2-320 nm-es mérettartománynak felel meg)

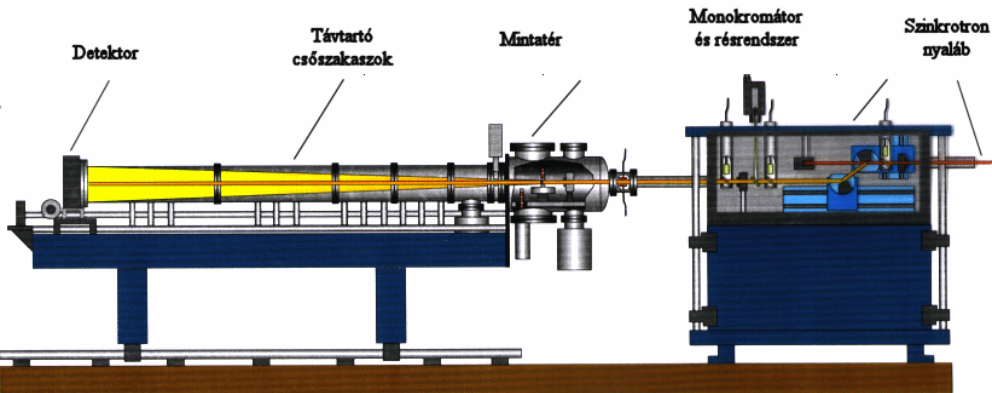
Teljesen automatizált működés (10 db. léptetőmotor). Felhasználóbarát adatgyűjtő, -tároló és -kiértékelő szoftverrendszer, automatikus mérési programok.

Az Európai Bizottság Közös Kutatóközpontja (Institute for Reference Materials and Measurements, Joint Research Centre of the European Commission, Geel, Belgium) által tanúsított SAXS laboratórium



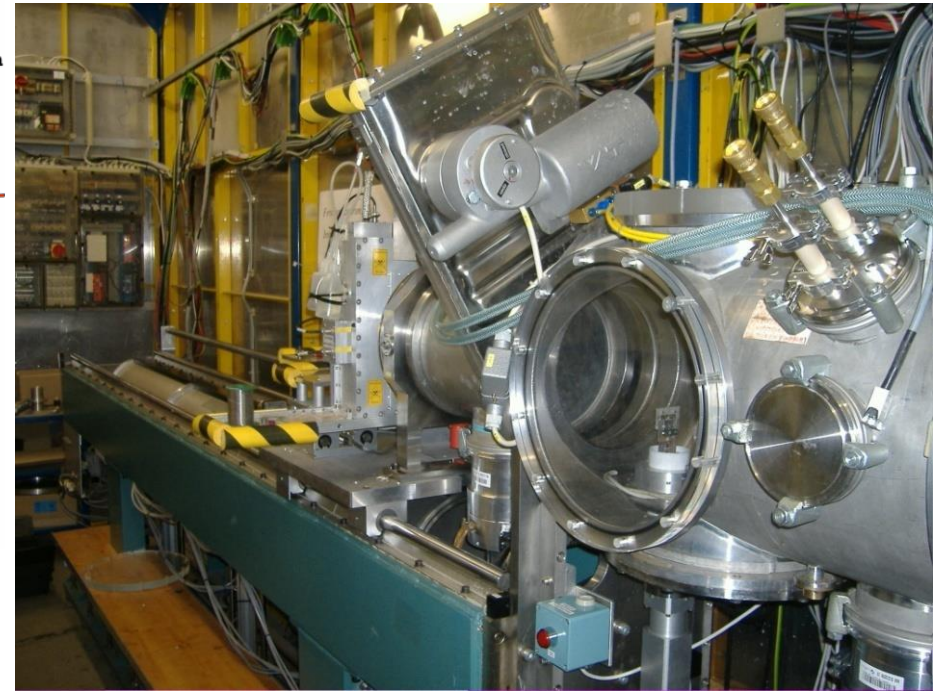
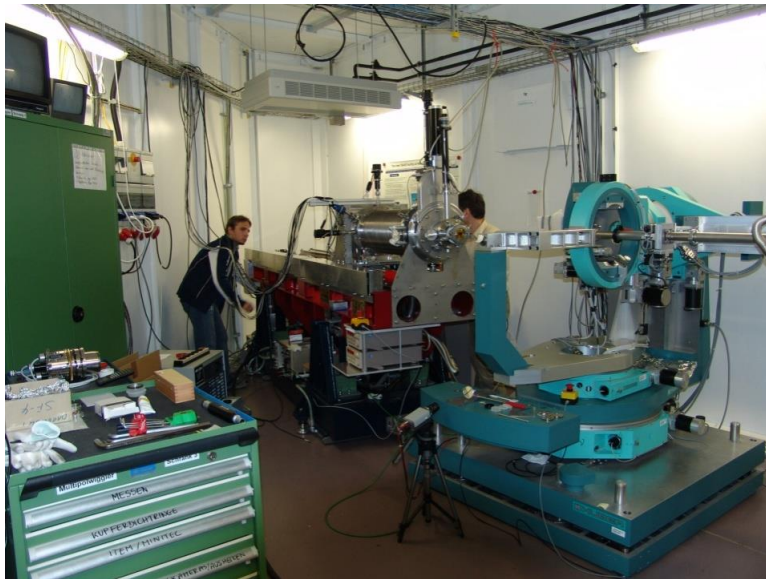


JUSIFA SAXS (ASAXS) beamline, it was a unique good machine, prototype for other apparatus

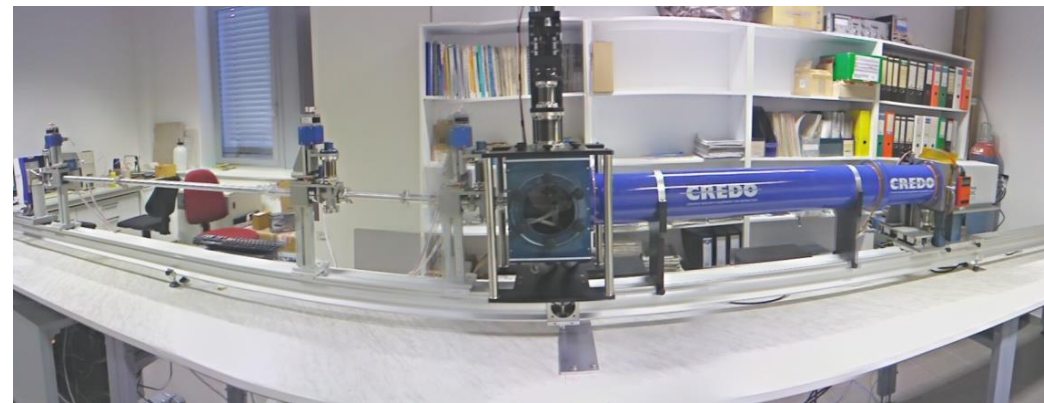


SAXS apparatus/DESY, Hamburg

SAXS at BESSY, Berlin



and a state of arts apparatus: „Credo” (MTA-TTK)





**Fotonok mellett NEUTRONOK! (Grenoble, France)**

**ESRF**

**European Synchrotron Radiation Facility**

**ILL**

**Institut Laue-Langevin**

