

A VÍZ BIOFIZIKÁJA

KELLERMAYER MIKLÓS



Víz

- *Inspiráció forrása (zene, festészet).*
- Thales (Kr. e. 580): “...a víz minden dolgok forrása...”
- Henry Cavendish (1783): a víz H_2O .
- Egyedüli vegyület, amely a természetben minden hárrom halmazállapotban előfordul (szilárd, folyadék, gáz).
- A föld felszínének 71 %-át borítja (“kék bolygó”).
- Az élet számára nélkülözhetetlen:
98% - medúza
94% - három hónapos magzat
72% - újszülött
60% - felnőtt
- Átlagos napi szükséglet: 2.4 l.



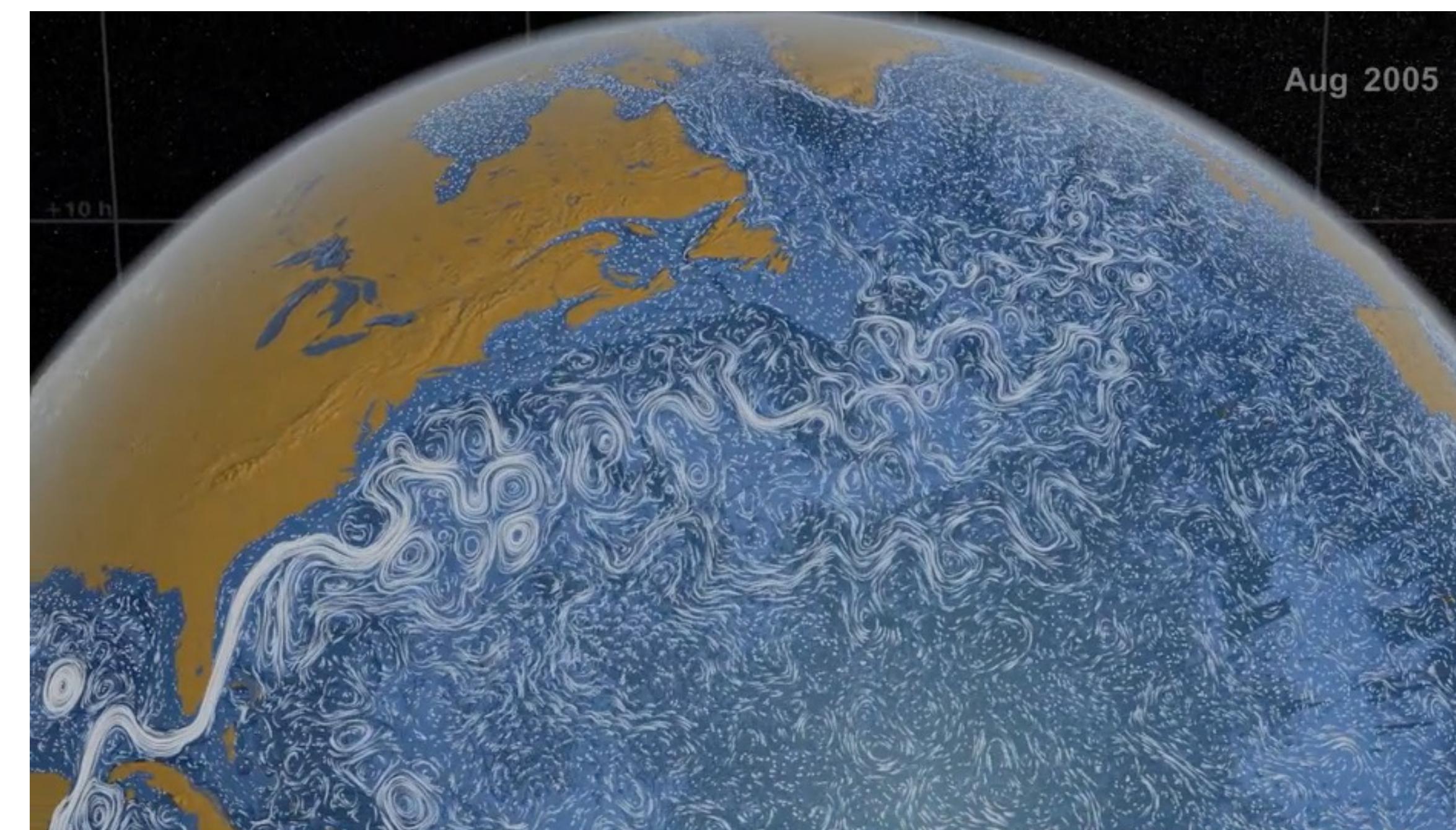
Georg Friedrich Händel (1685-1759): “Vízi zene”.



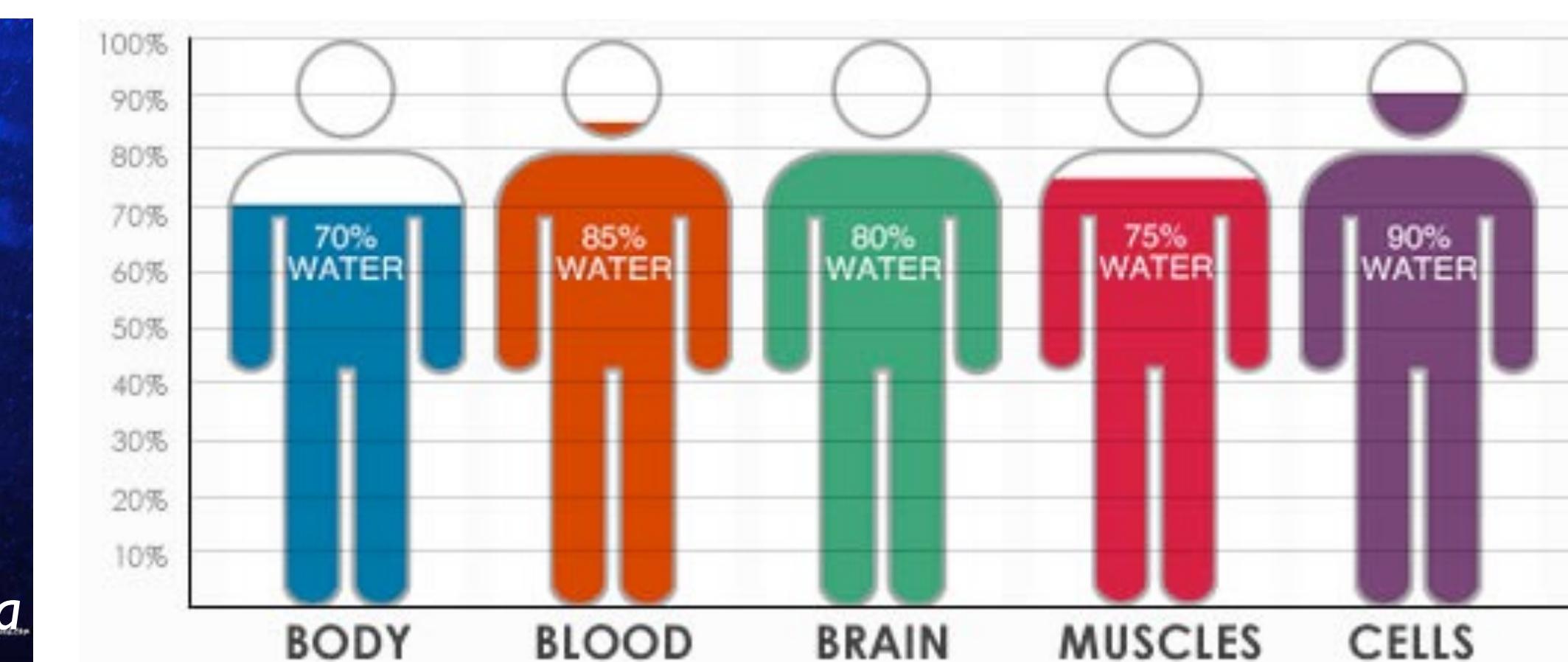
Georg Friedrich Händel (középen) és I. György (jobbra) a Temzén, 1717. július 17-én.



Hokusai (1760-1849): A nagy hullám (Kanagawa)

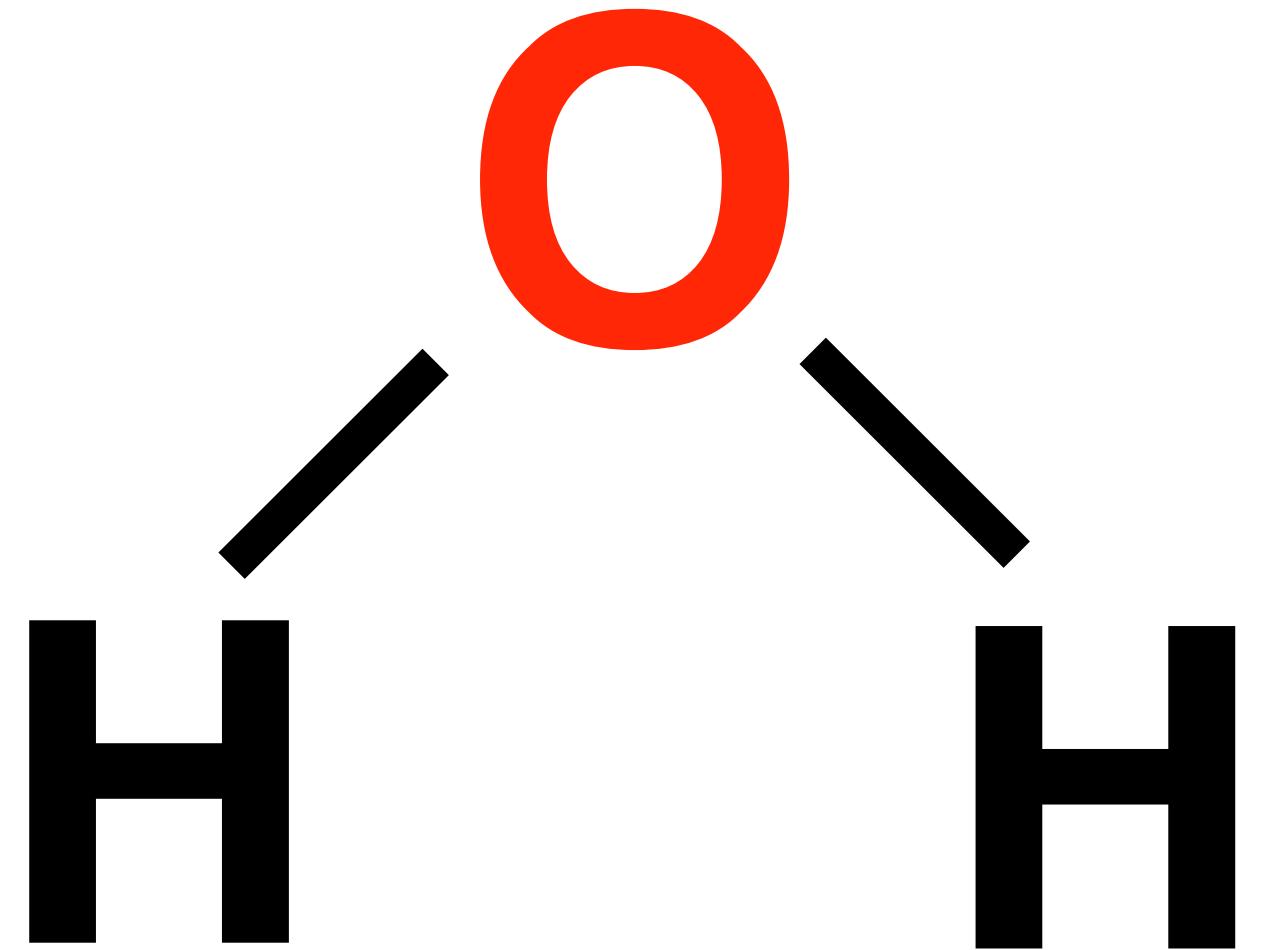


Az óceánok folyamatos áramlatai a Föld felületén (NASA).

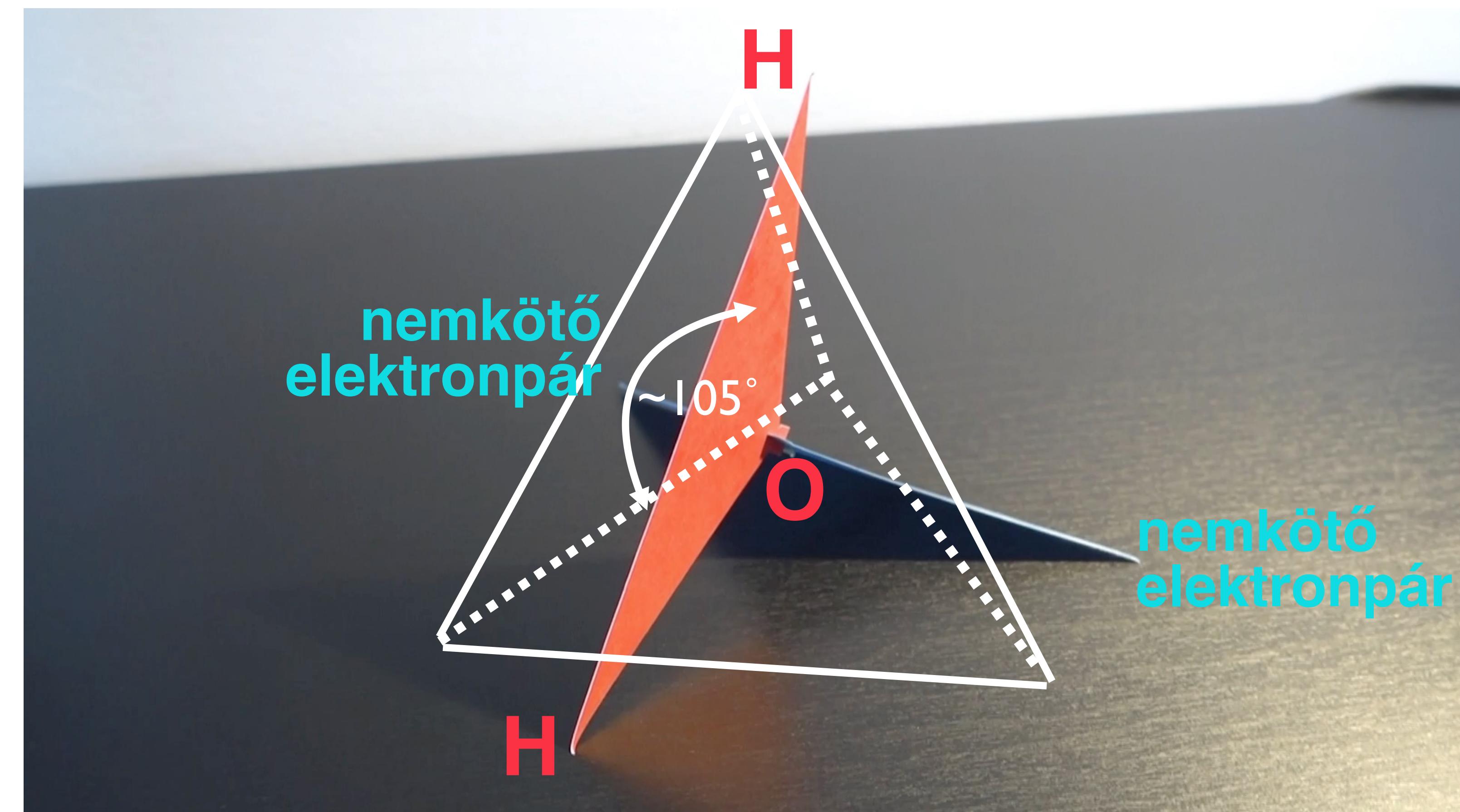
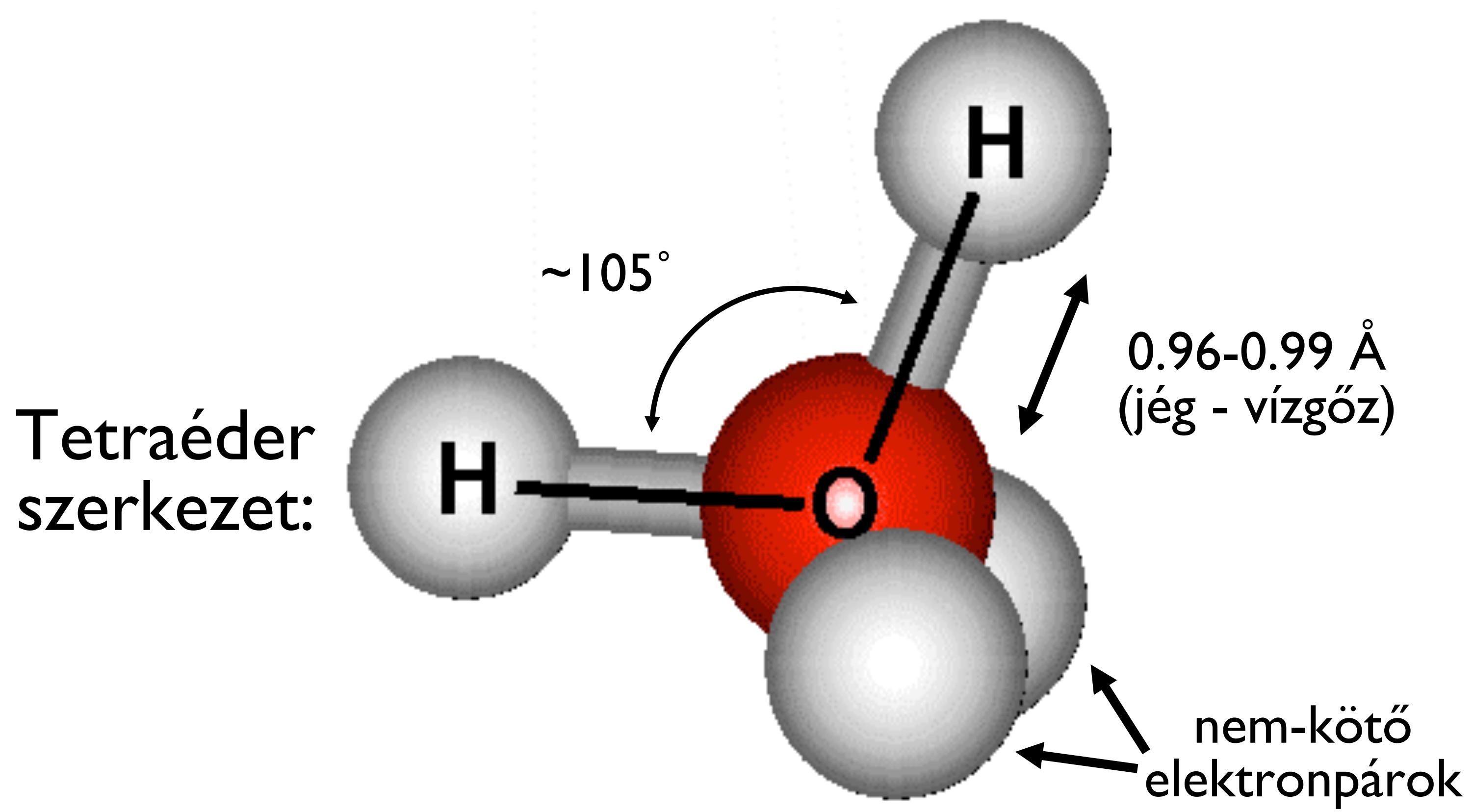
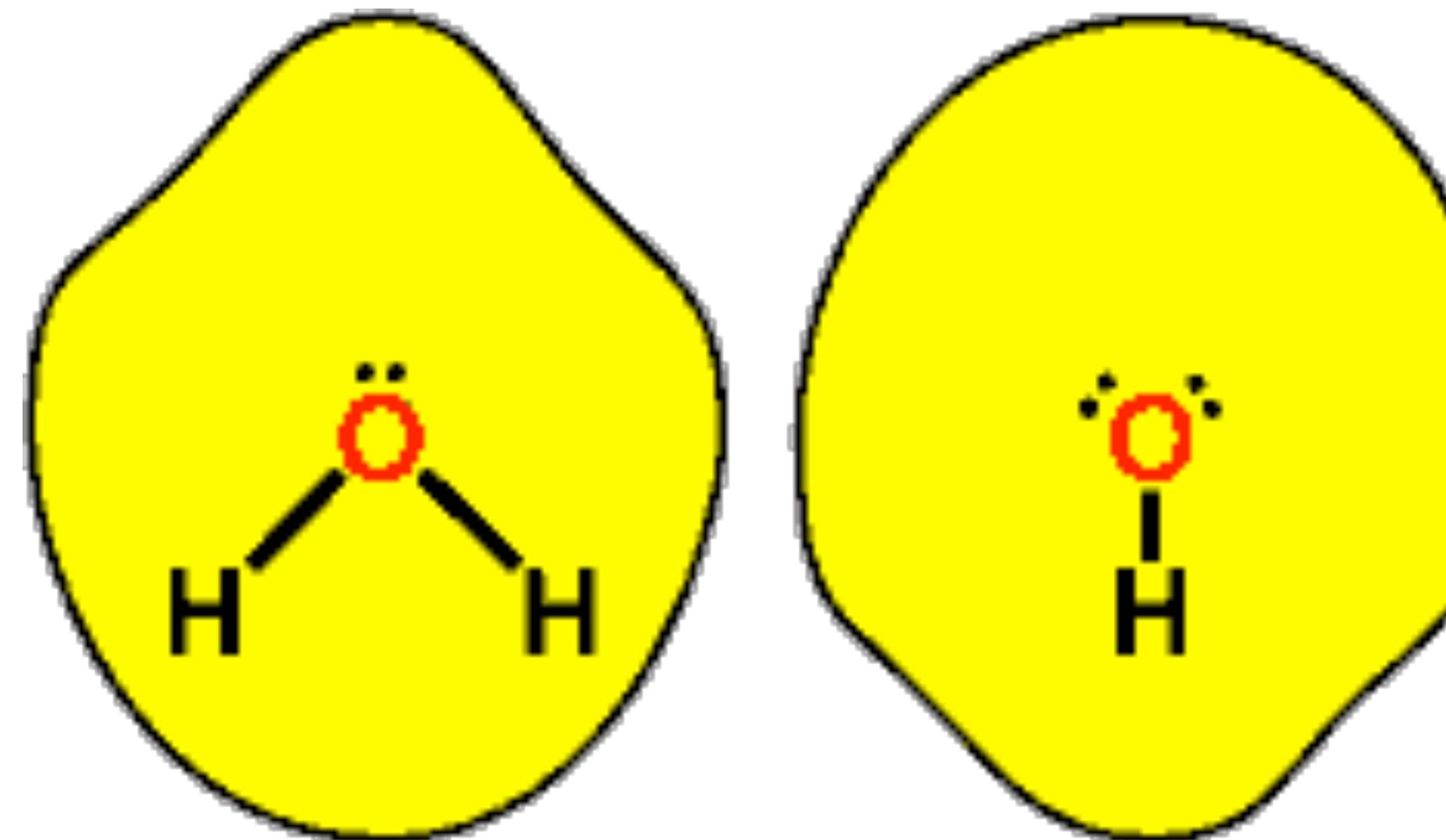


A vízmolekula szerkezete

Egyik legkisebb molekula
Alig nagyobb, mint egy atom

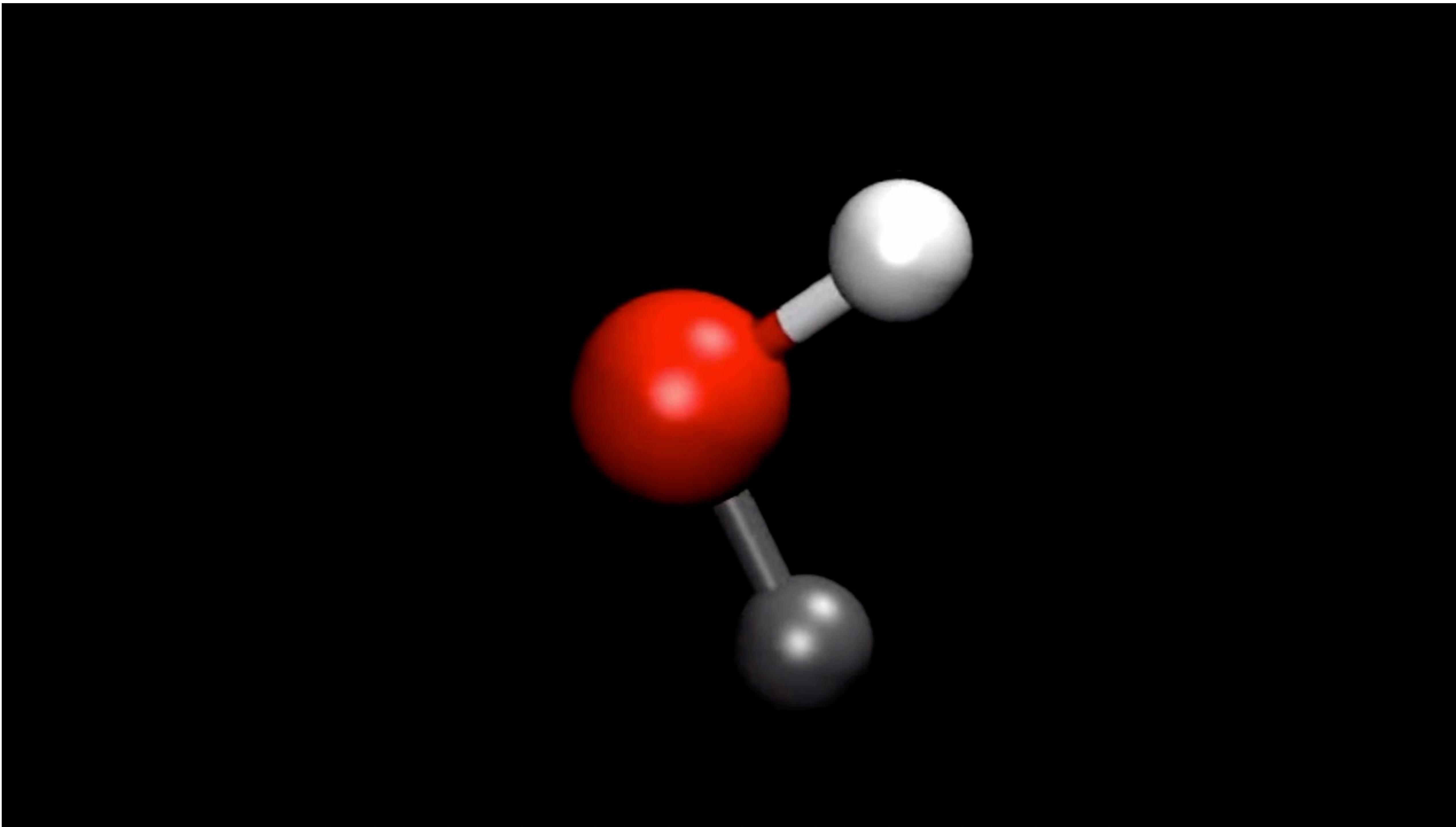


van der Waals sugár: $\sim 3.2 \text{ \AA}$
Nem gömb alakú molekula



A vízmolekula dinamikája

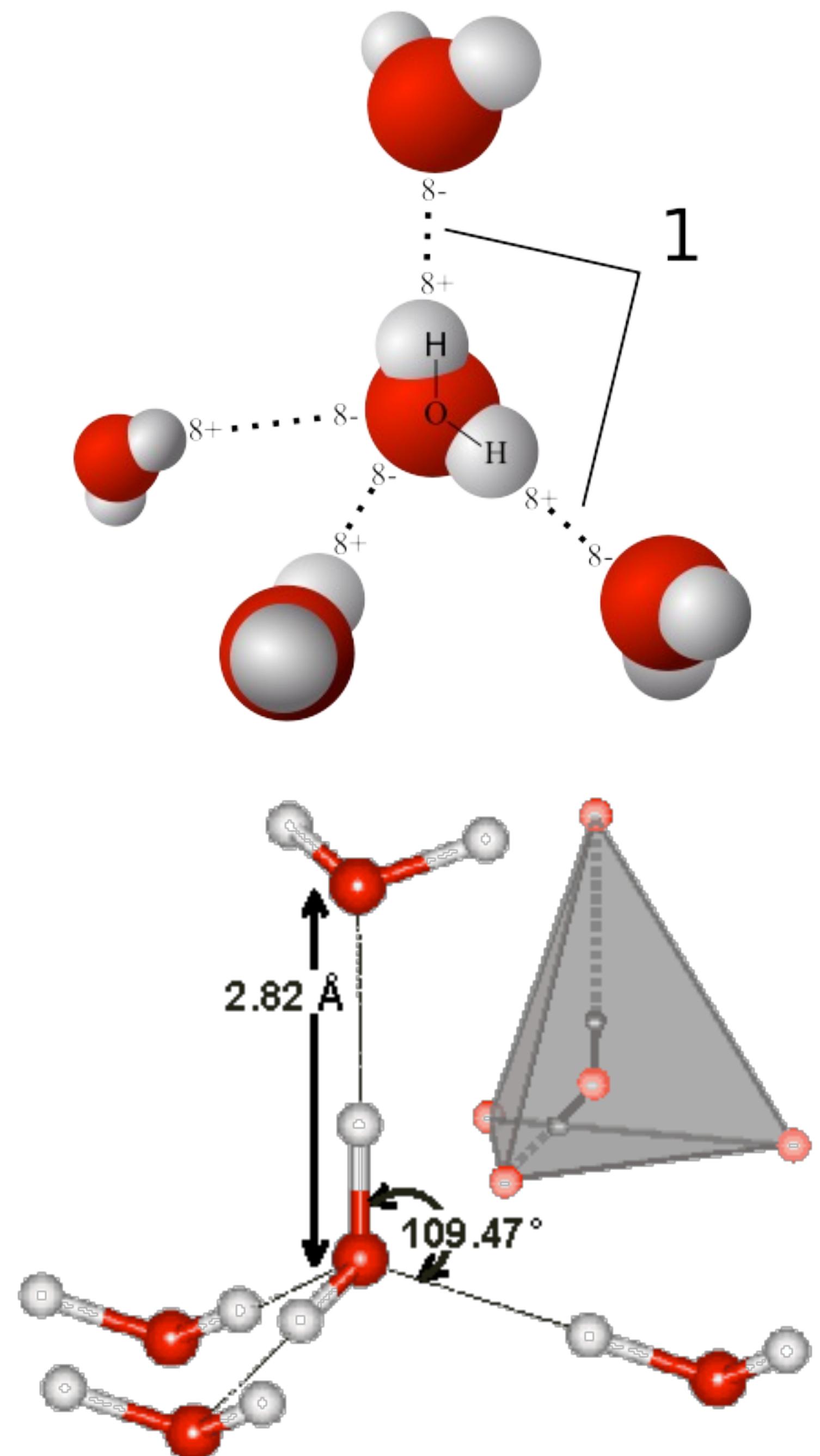
Forgó-rezgő mozgás



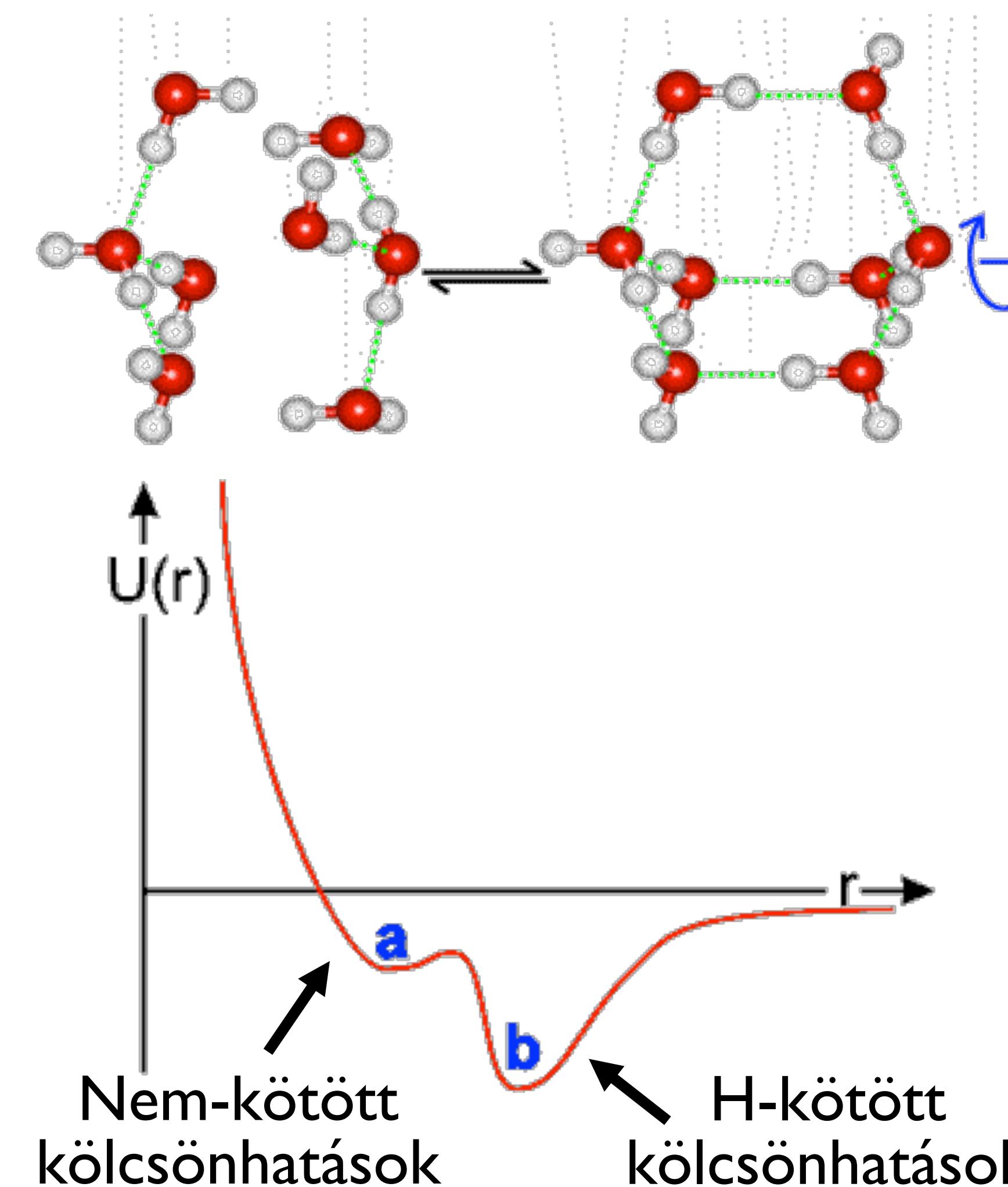
Abszorpció az infravörös, vörös tartományban →
természetes vízek “kék” színe

A cseppfolyós víz szerkezete

Hidrogénkötések a
vízmolekula környezetében:
a víz pentamer kialakulása

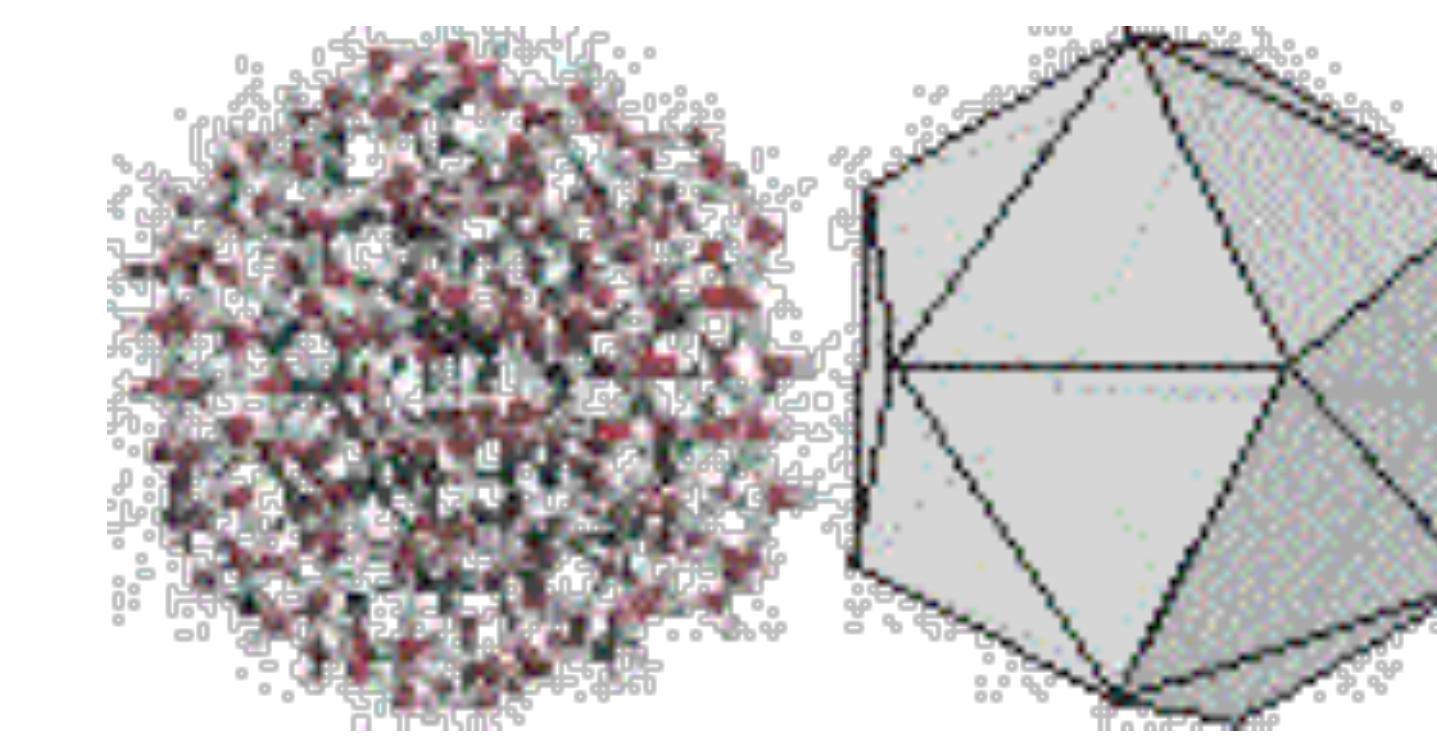


H-híd: kohézió + taszítás
Cluster képződés: biciklo-
oktamer



Klaszterekből hálózat:
280 molekulából
ikozaéder szerkezet

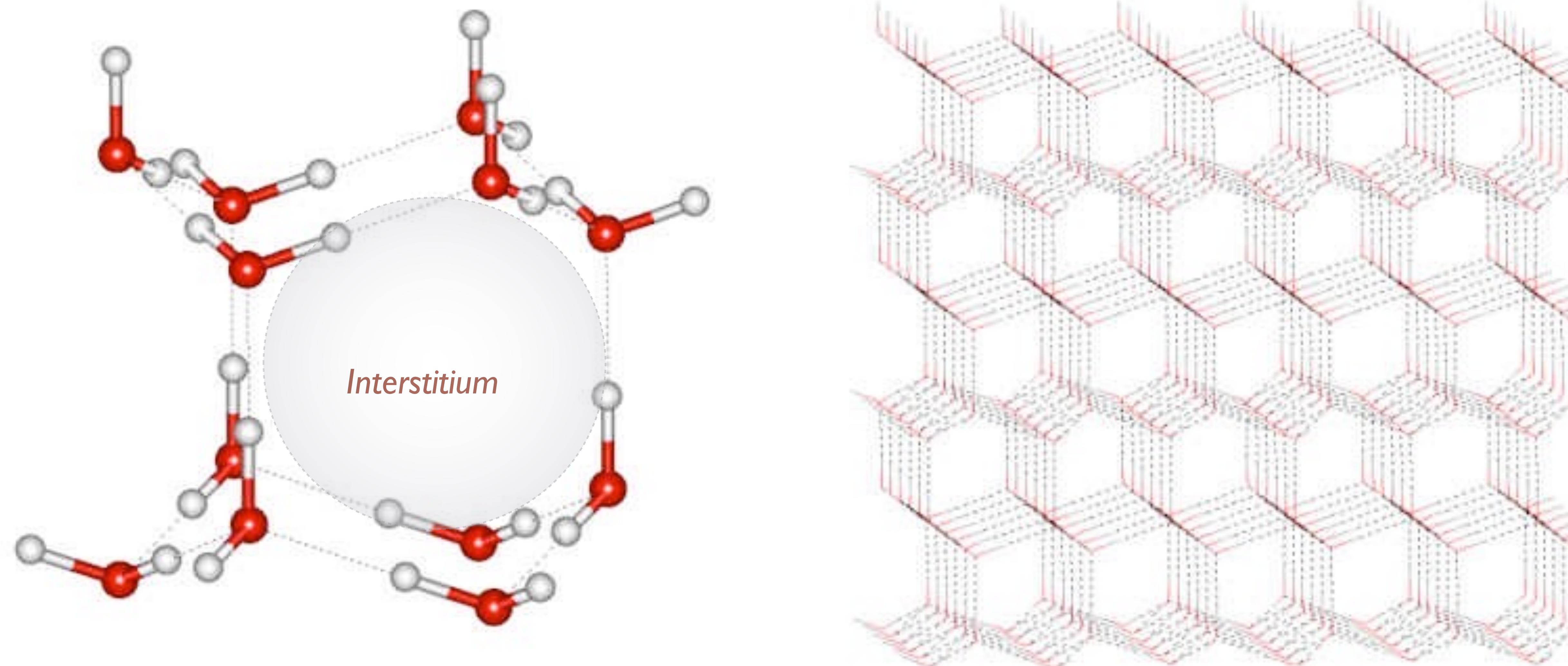
(ikozaéder: 20 azonos egyenlő oldalú
háromszöggel határolt szabályos téridom)



Térbeli hálózatos szerkezet:
magyarázhatja a víz anomális
tulajdonságait

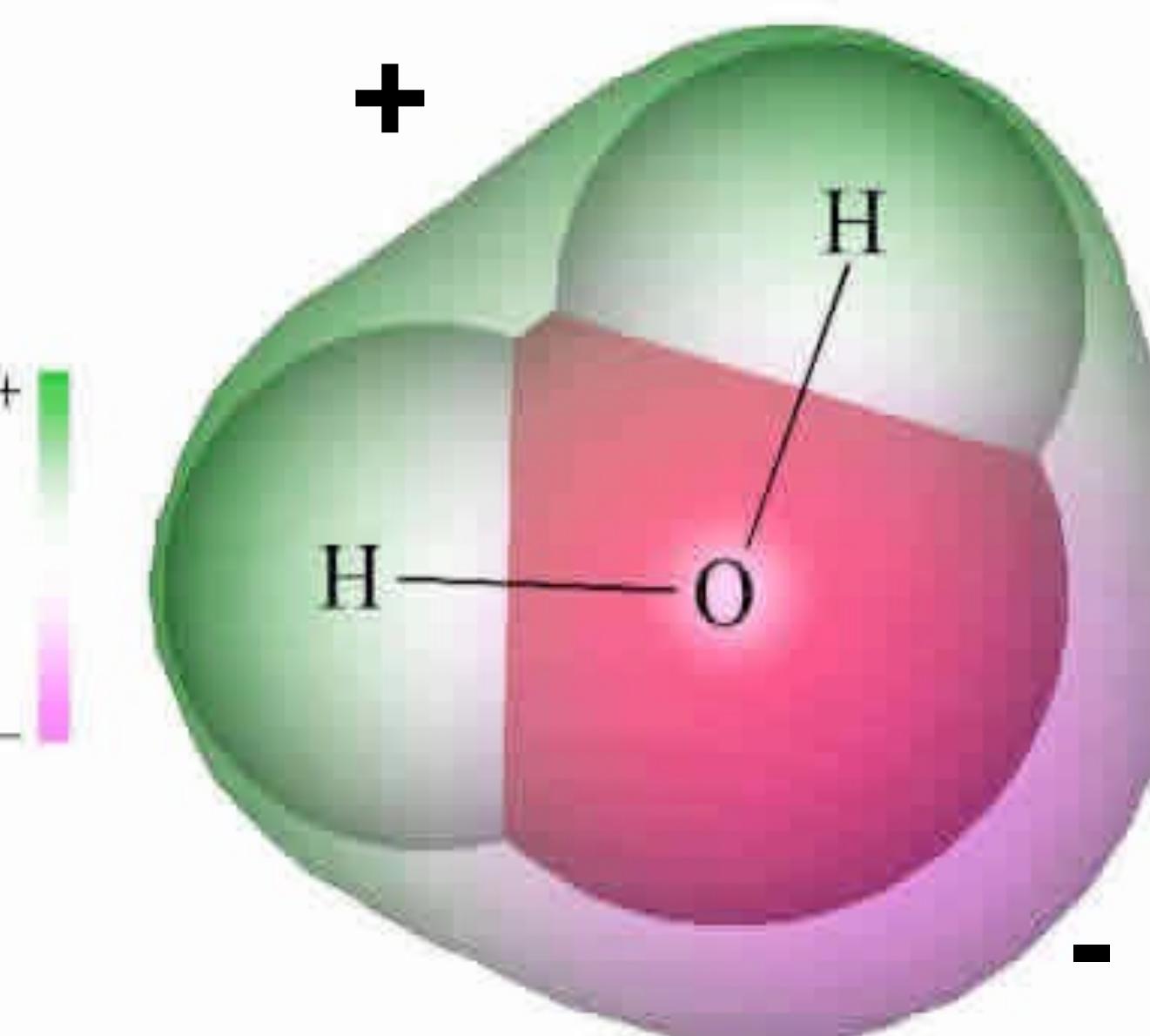
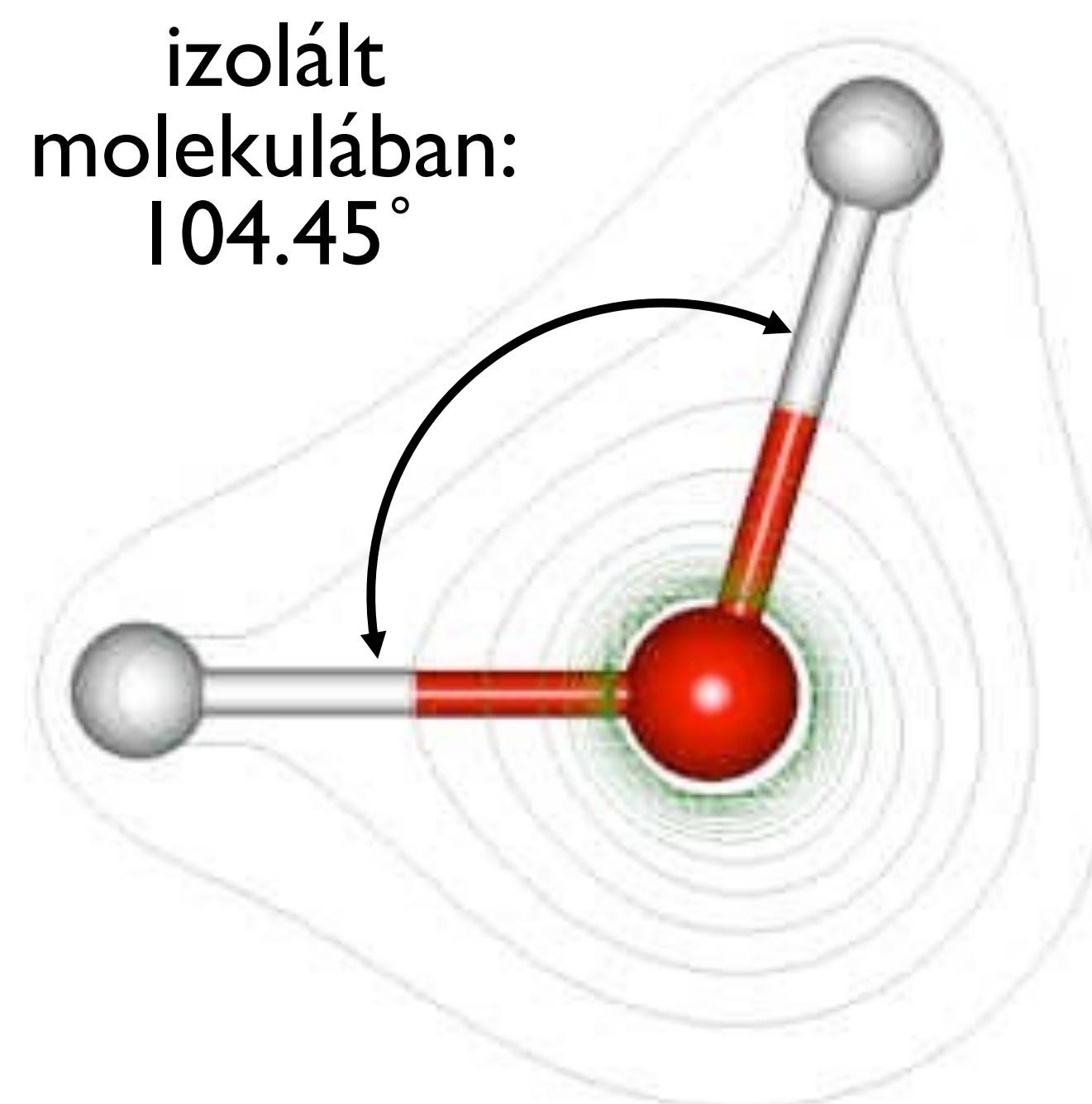
A jég szerkezete

- 9 módosulat
- Közönséges jég: hexagonális szerkezet
- Koordinációs szám: 4 (minden molekula 4 másikat koordinál)
- Interstitium: elférne benne egy vízmolekula



A víz fizikai tulajdonságai I.

Nagy állandó dipólmomentum



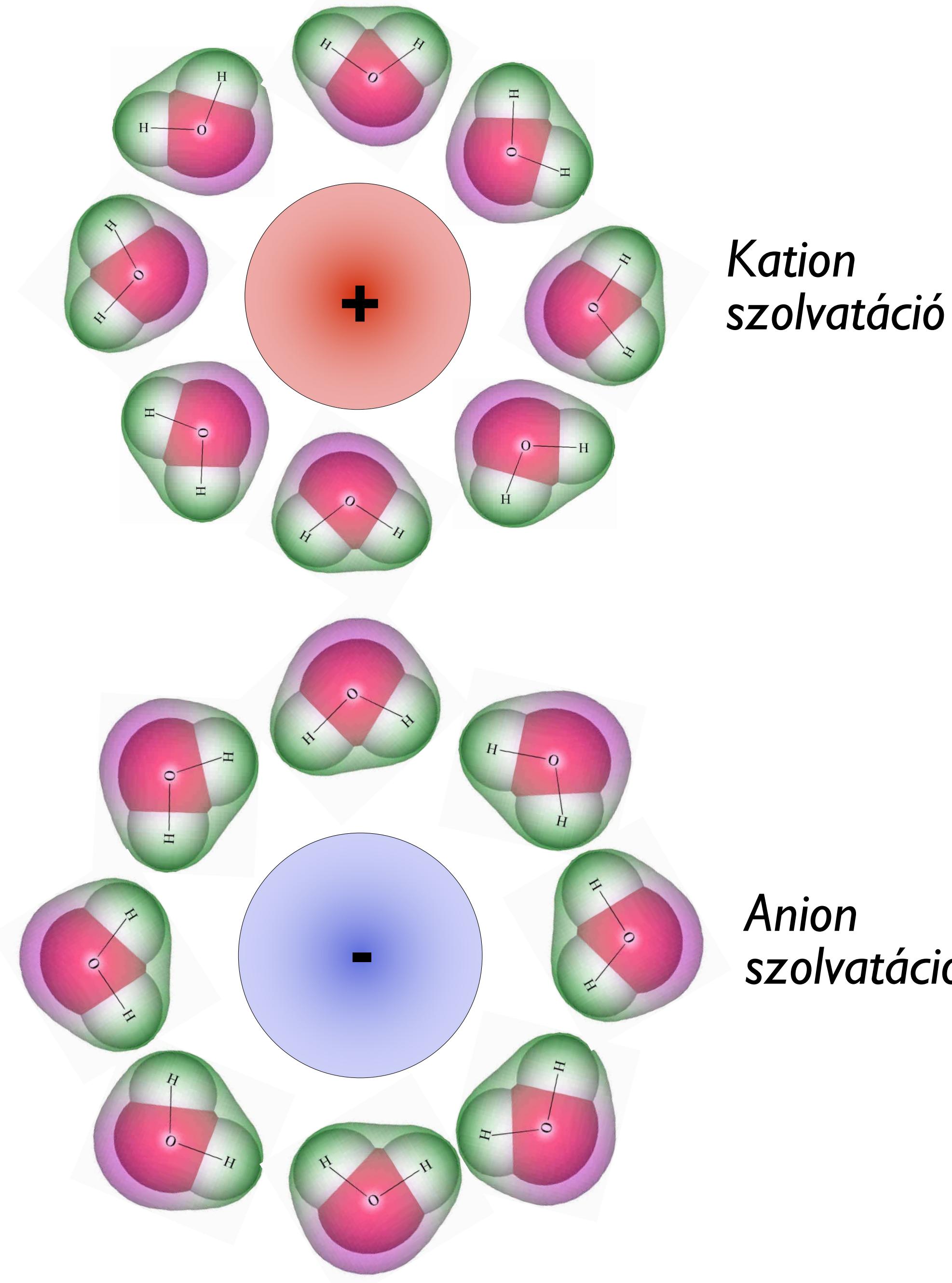
Vegyület	Dipól-momentum
Polietilén	2.25
Metanol	30
Etilénglikol	37
Glicerin	47
Víz	80
Titán-dioxid	86-173

A vízsugár kitérül
Coulomb erők hatására



Prof. Zrínyi Miklós felvétele

→ Jó oldószer



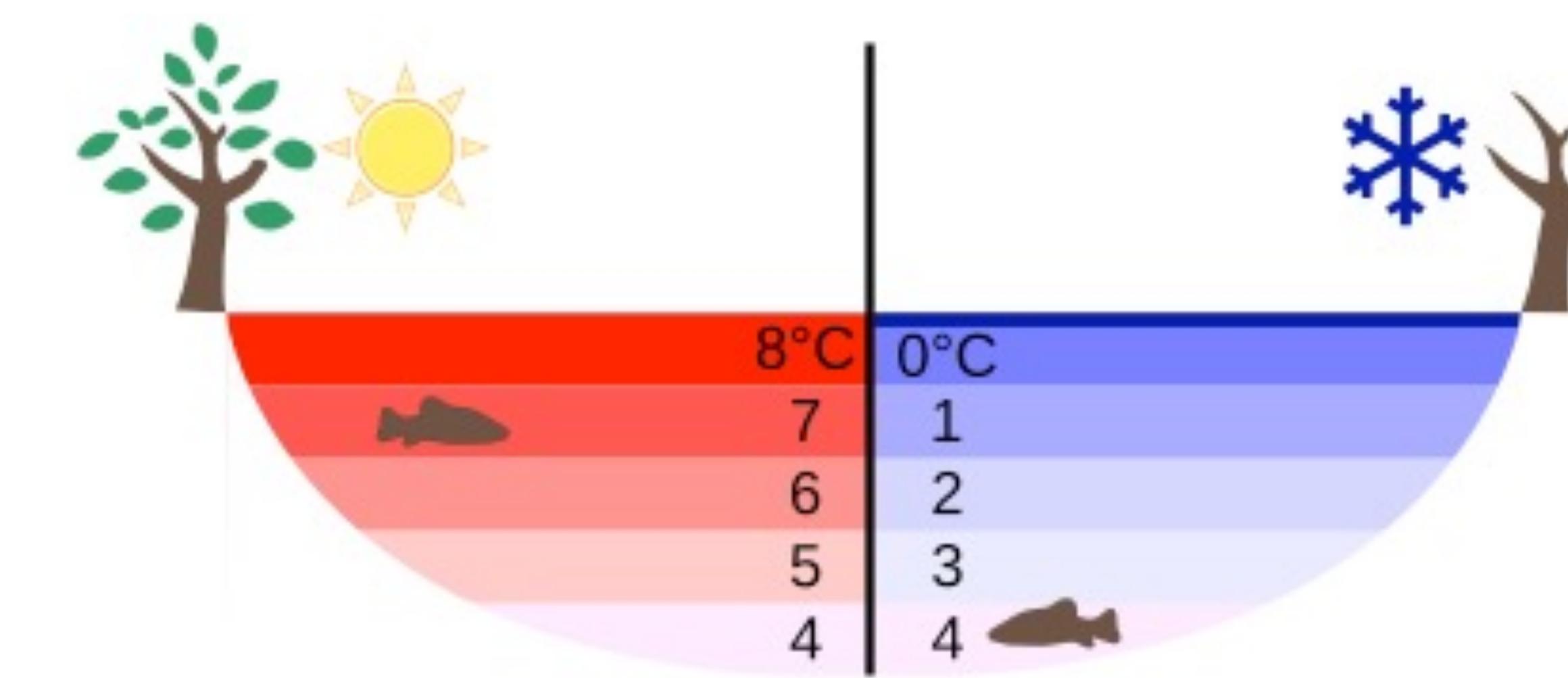
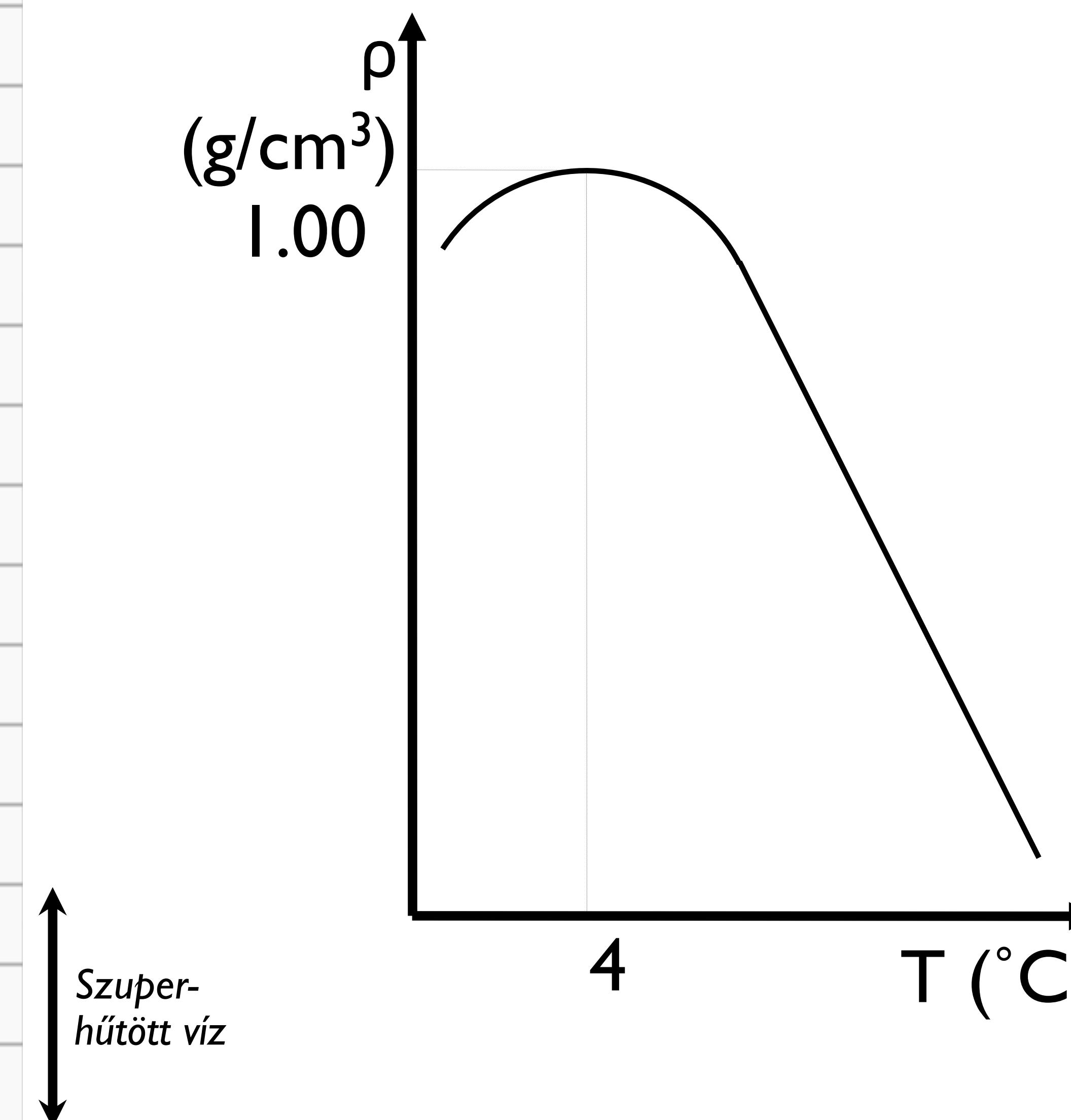
Mikrohullámú sütő: a víz dipólok forognak a periódusosan változó elektromágneses térben. A vízmolekulák többlet mozgási energiája hő formájában disszipálódik, felmelegítve a környezetet.

A víz fizikai tulajdonságai II.

Anomális sűrűség-hőmérséklet függvény

Hőmérséklet ($^{\circ}\text{C}$) Sűrűség (kg/m^3)

+100	958.4
+80	971.8
+60	983.2
+40	992.2
+30	995.6502
+25	997.0479
+22	997.7735
+20	998.2071
+15	999.1026
+10	999.7026
+4	999.9720
0	999.8395
-10	998.117
-20	993.547
-30	983.854



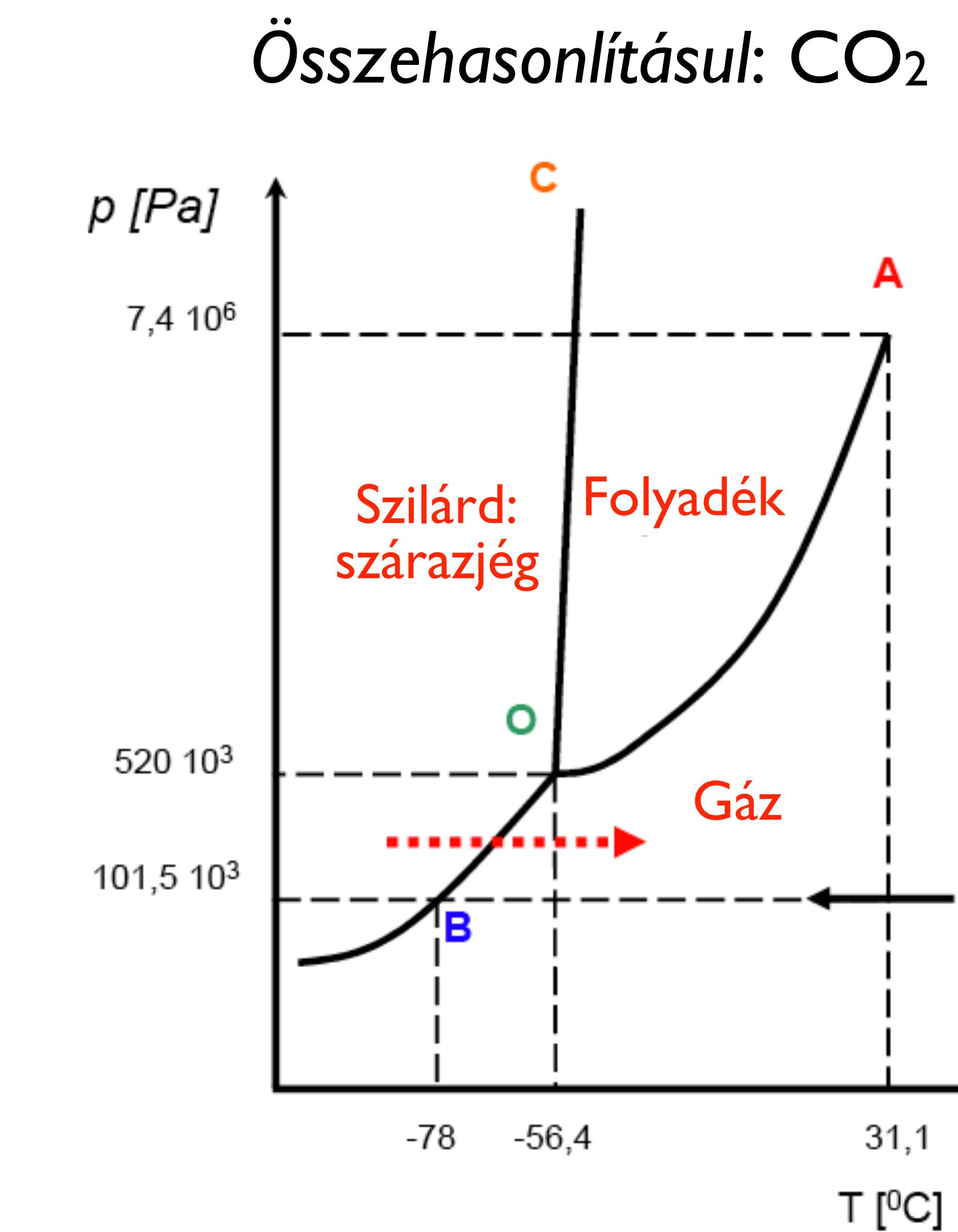
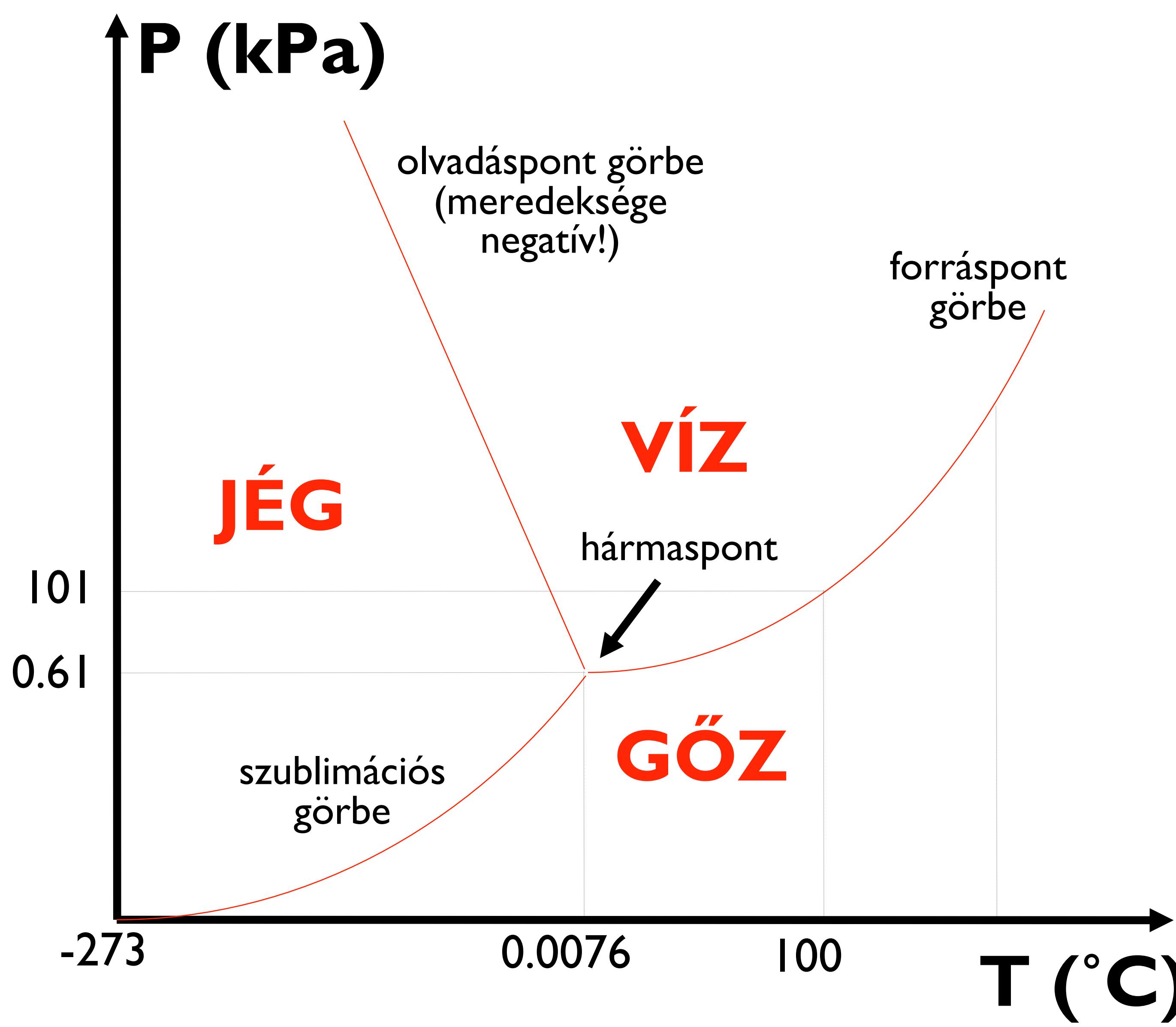
Következmények:

- A 4°C -os víz mindenkor a téli alján.
- Az élet fennmarad a befagyott tó alatt.
- Folyók áramlása fennmarad a jég alatt.

A víz fizikai tulajdonságai III.

Anomális fázisdiagram

- Fázisgörbe: két fázis egyensúlyban
- Fázisgörbék közötti terület: egyetlen fázis van jelen
- Metszéspont: hármaspont



A víz fizikai tulajdonságai IV.

Nagy felületi feszültség

Felületi feszültség: a folyadék kontrakciós tendenciája; emiatt a csepp gömb alakot igyekszik felvenni.

A folyadék belsőjében és felületén fellépő kohéziós erők közötti egyenlőtlenség.



Vegyület	Felületi feszültség (mN/m)
Etanol	24.4
Metanol	22.7
Aceton	23.7
Kloroform	27.1
Benzol	28.5
Víz	72.9

Következmények hidrofób felületen



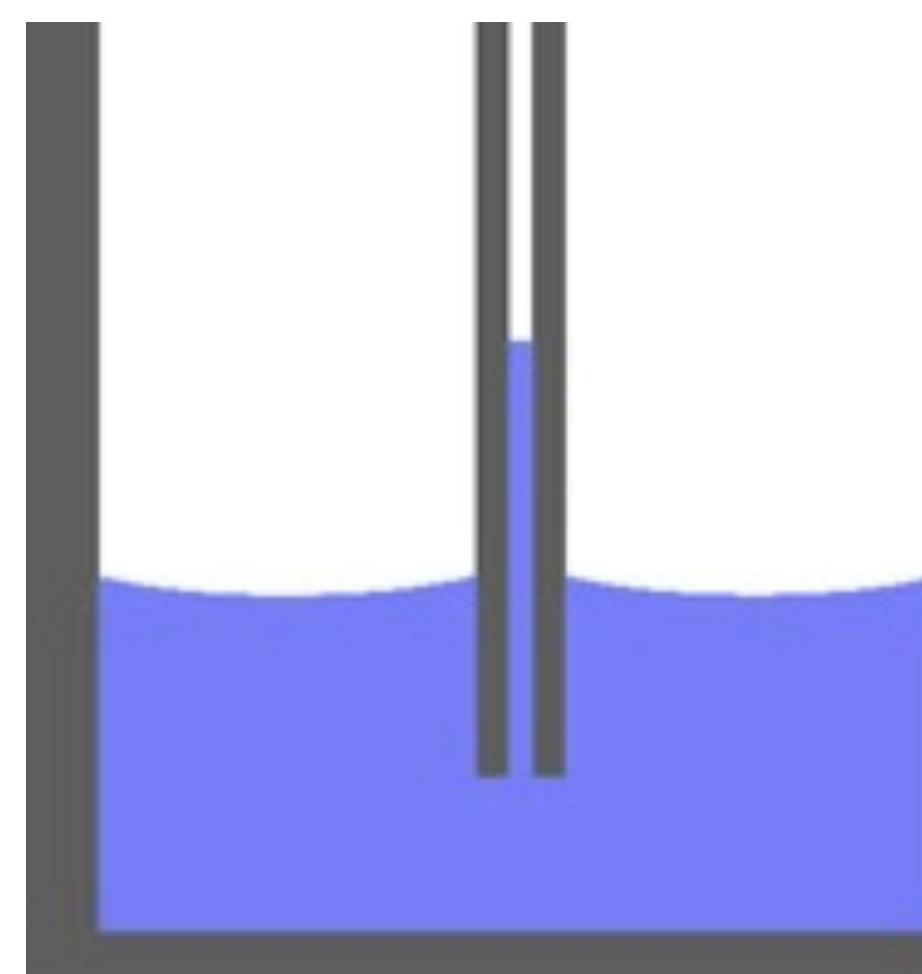
Szuperhidrofób felületen perzisztáló vízcsepp

Következmények makroszkopikus rendszerekben



Molnárkák

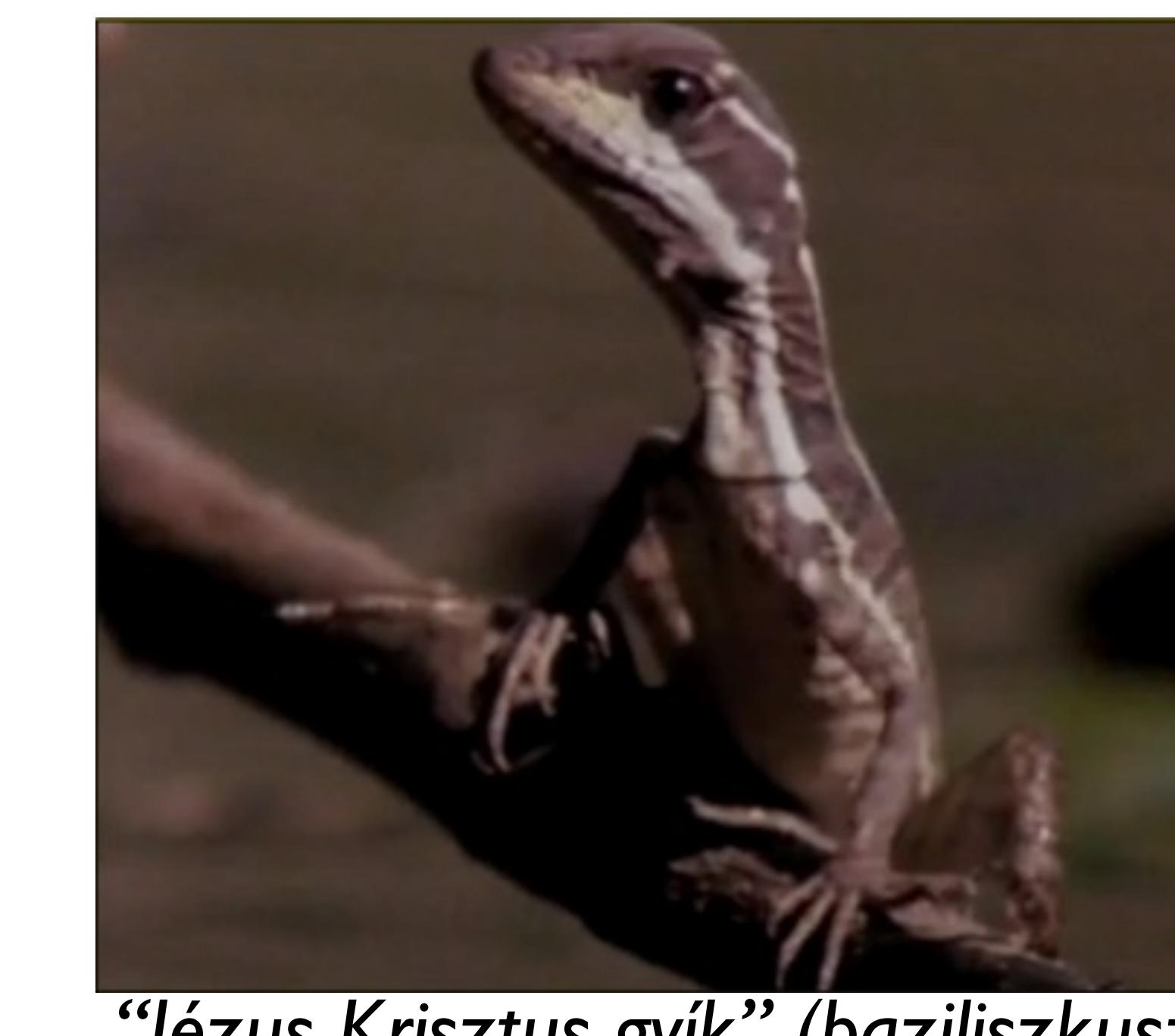
Következmények hidrofil felületen



Kapillaritás (model)



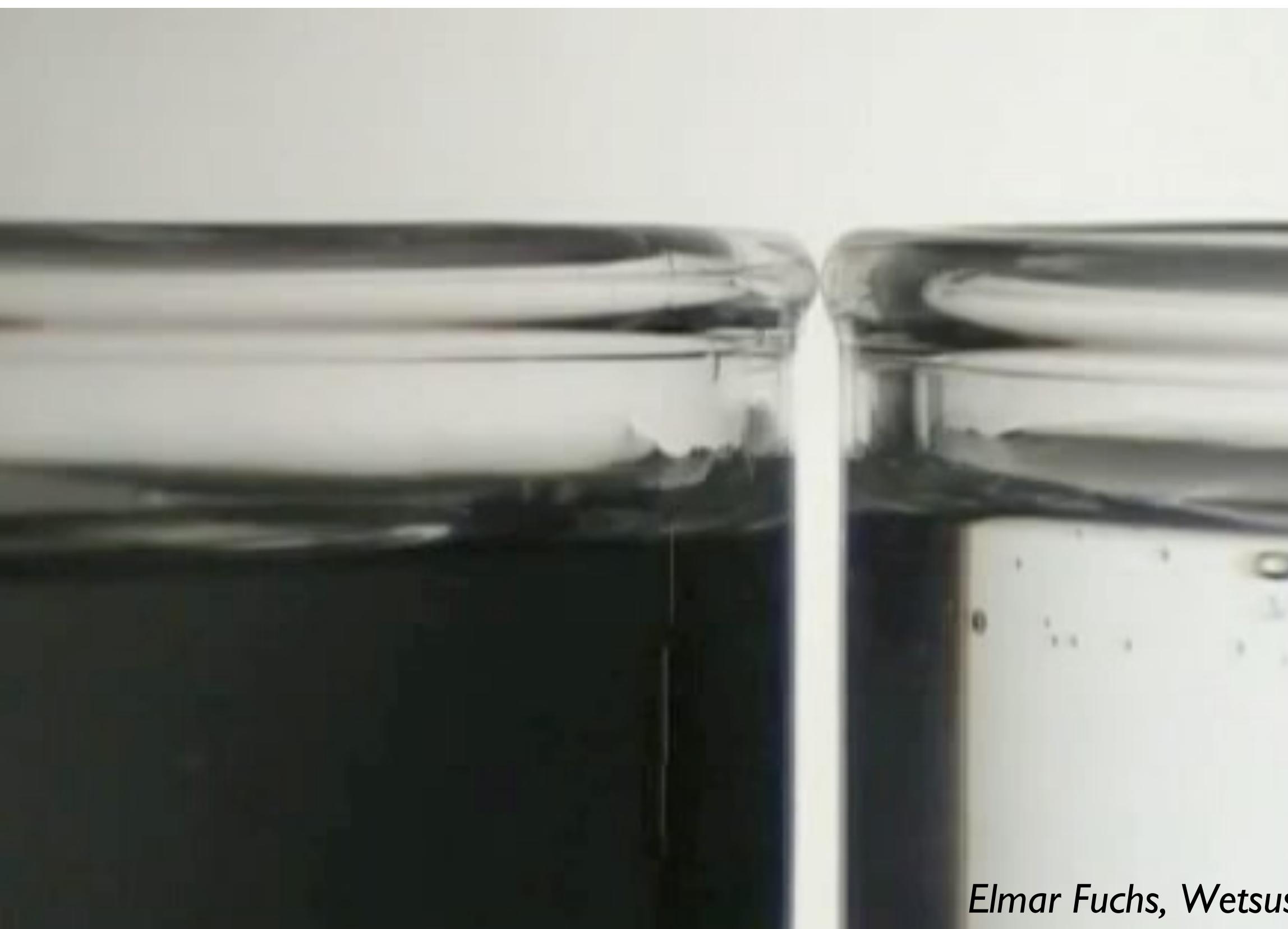
Kapillaritás a gyökérerműködést elősegíti



"Jézus Krisztus gyík" (baziliszkusz)

A víz további érdekes tulajdonságai

Víz függőhíd (“Floating water bridge”)



Vibráló vízfelületen perzisztáló vízcseppek



Vízmolekulák száma a sejtben

$\sim 1.6 \times 10^{14}$

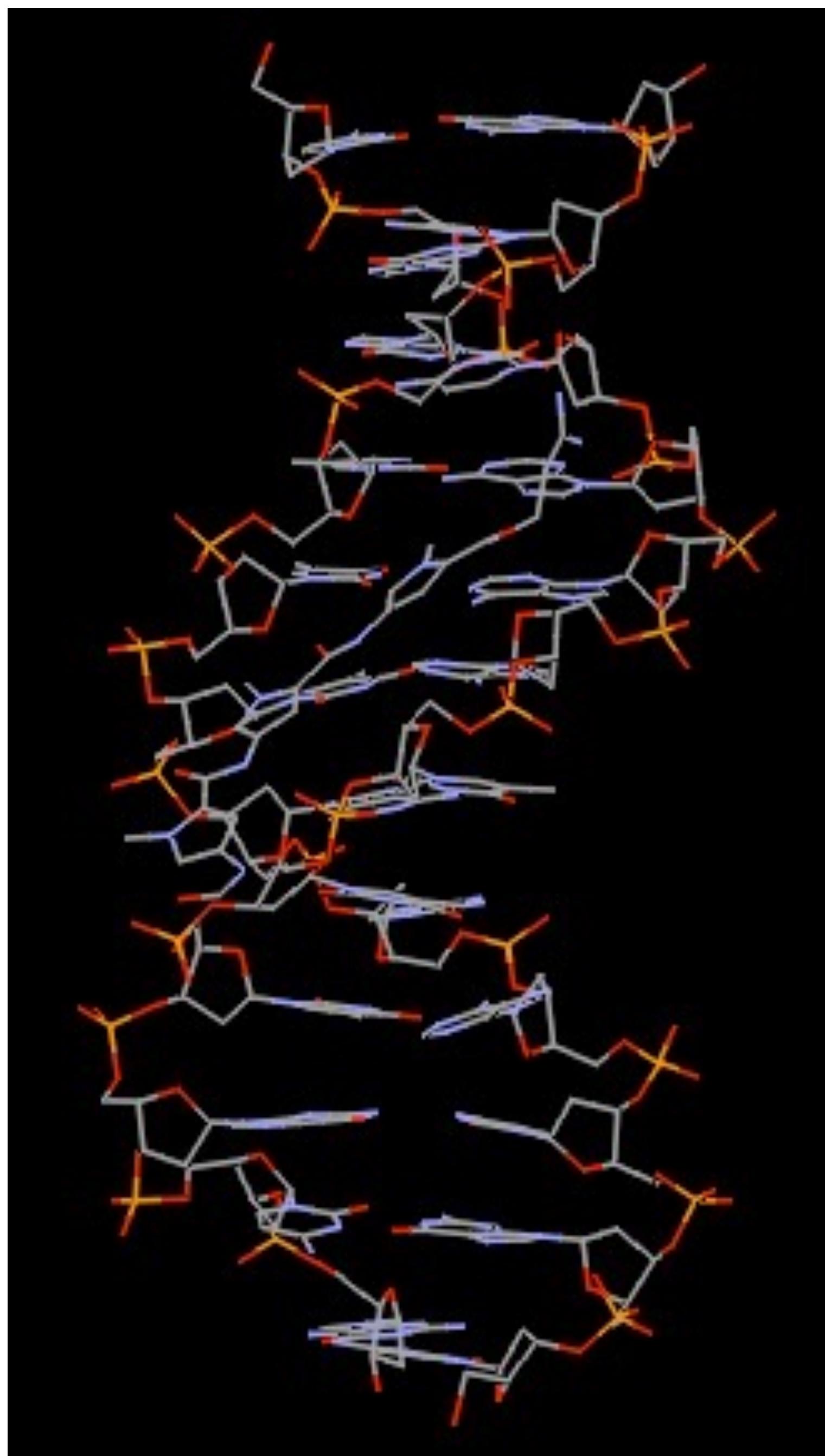
Vízmolekulák átlagos távolsága

~ 0.4 nm

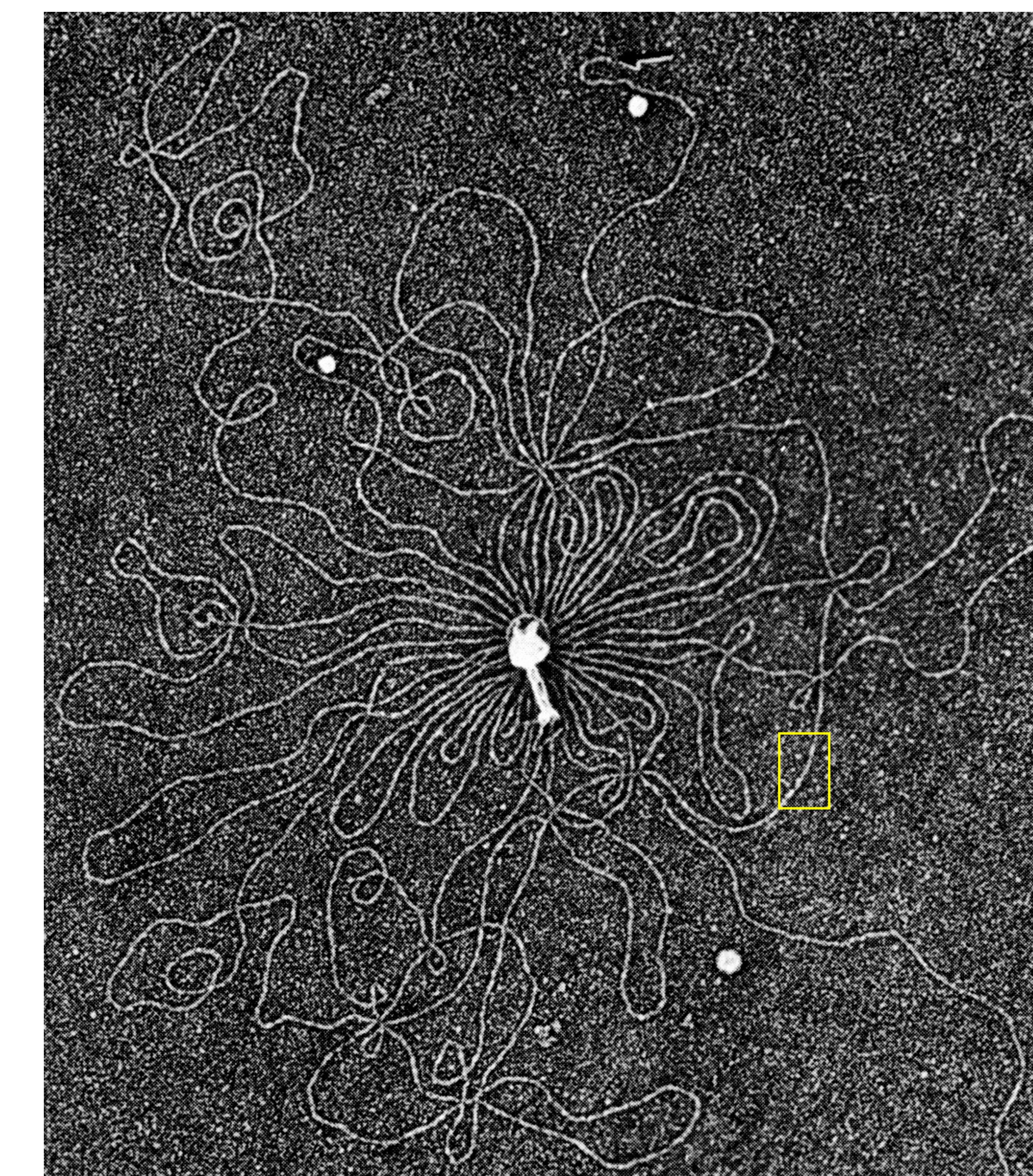
BIOLÓGIAI MAKROMOLEKULÁK BIOFIZIKÁJA

KELLERMAYER MIKLÓS

A biológiai makromolekulák **HATALMAS** molekulák

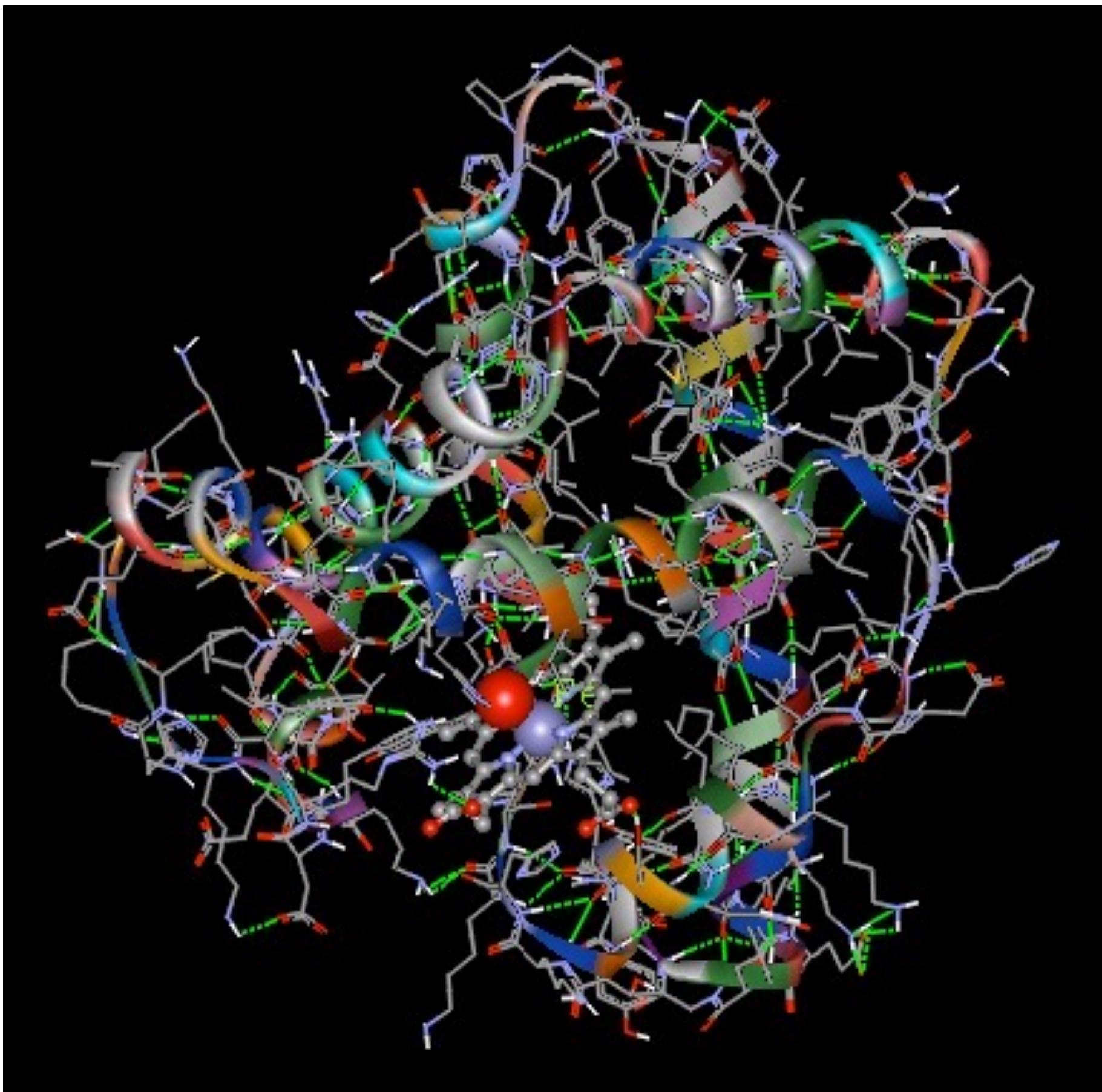


DNS dupla hélix

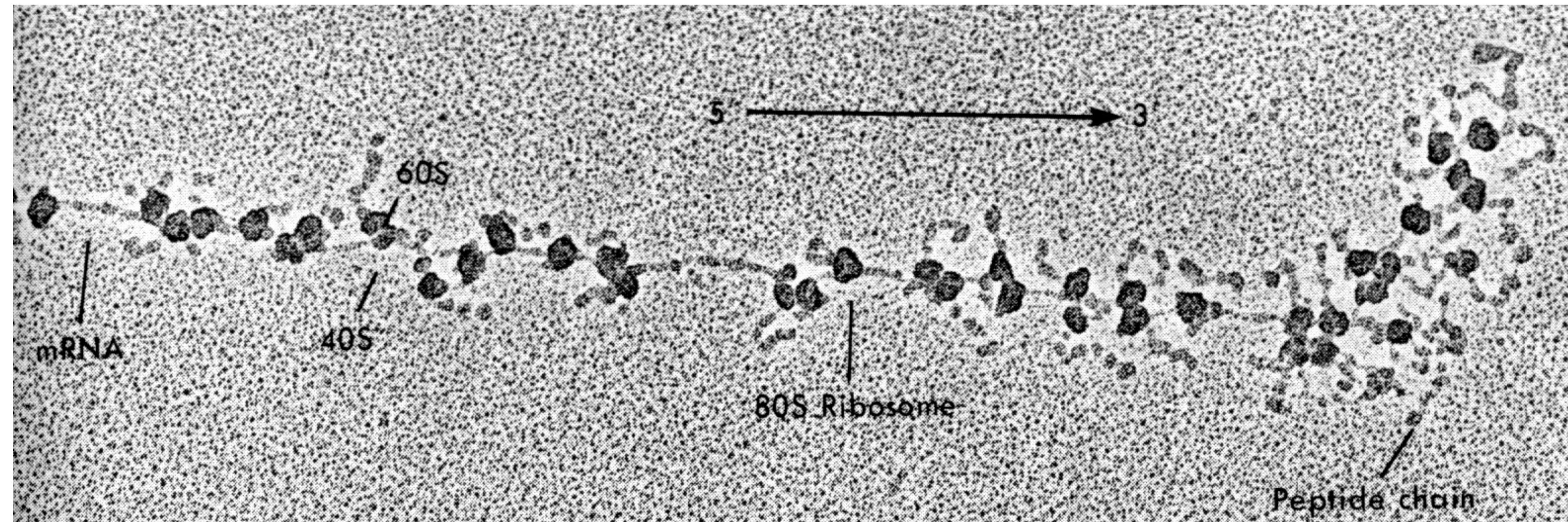


Bakteriofágból kiszabaduló DNS fonal

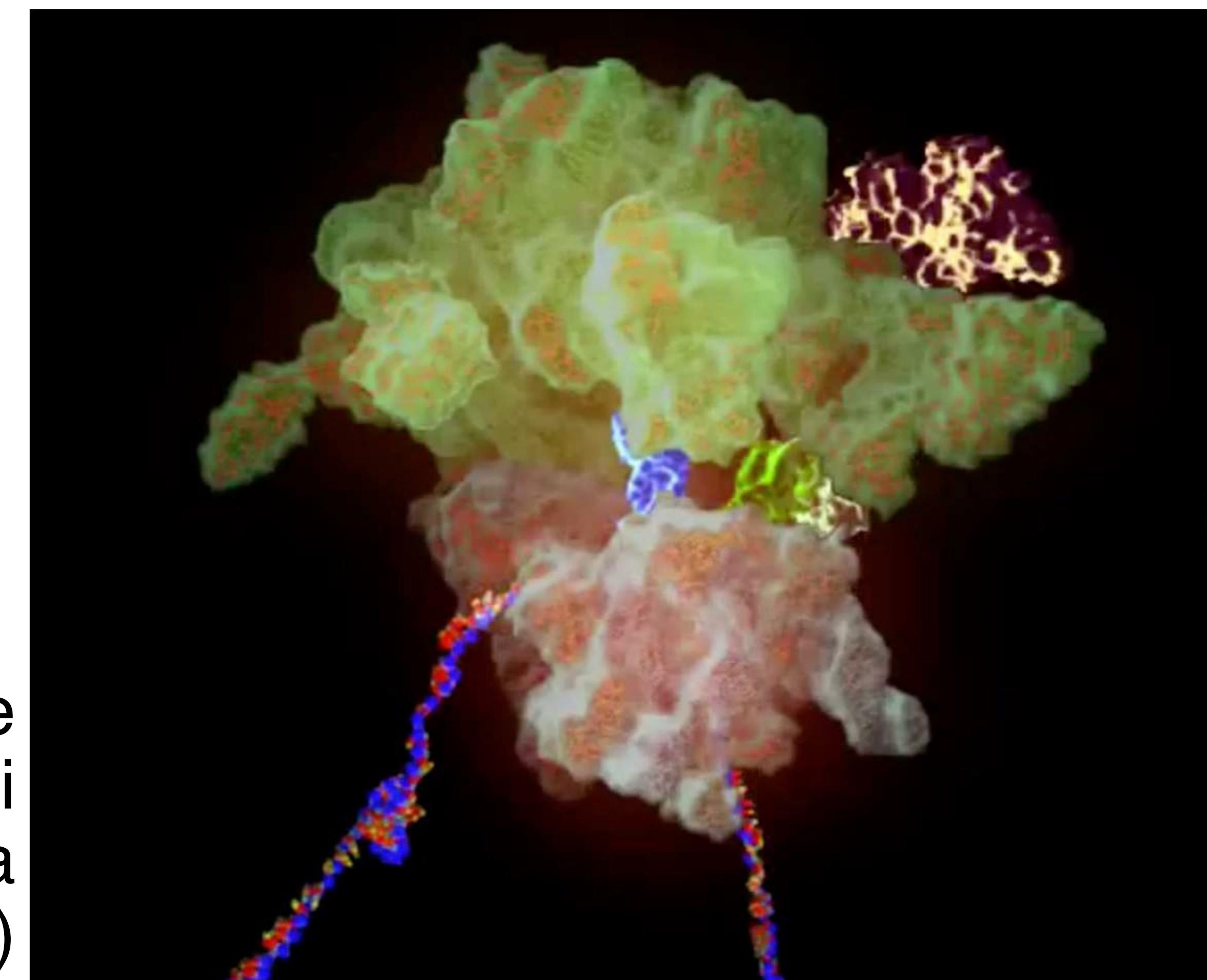
A biológiai makromolekulák IZGALMAS molekulák



Hemoglobin alegység
térszerkezeti modellje

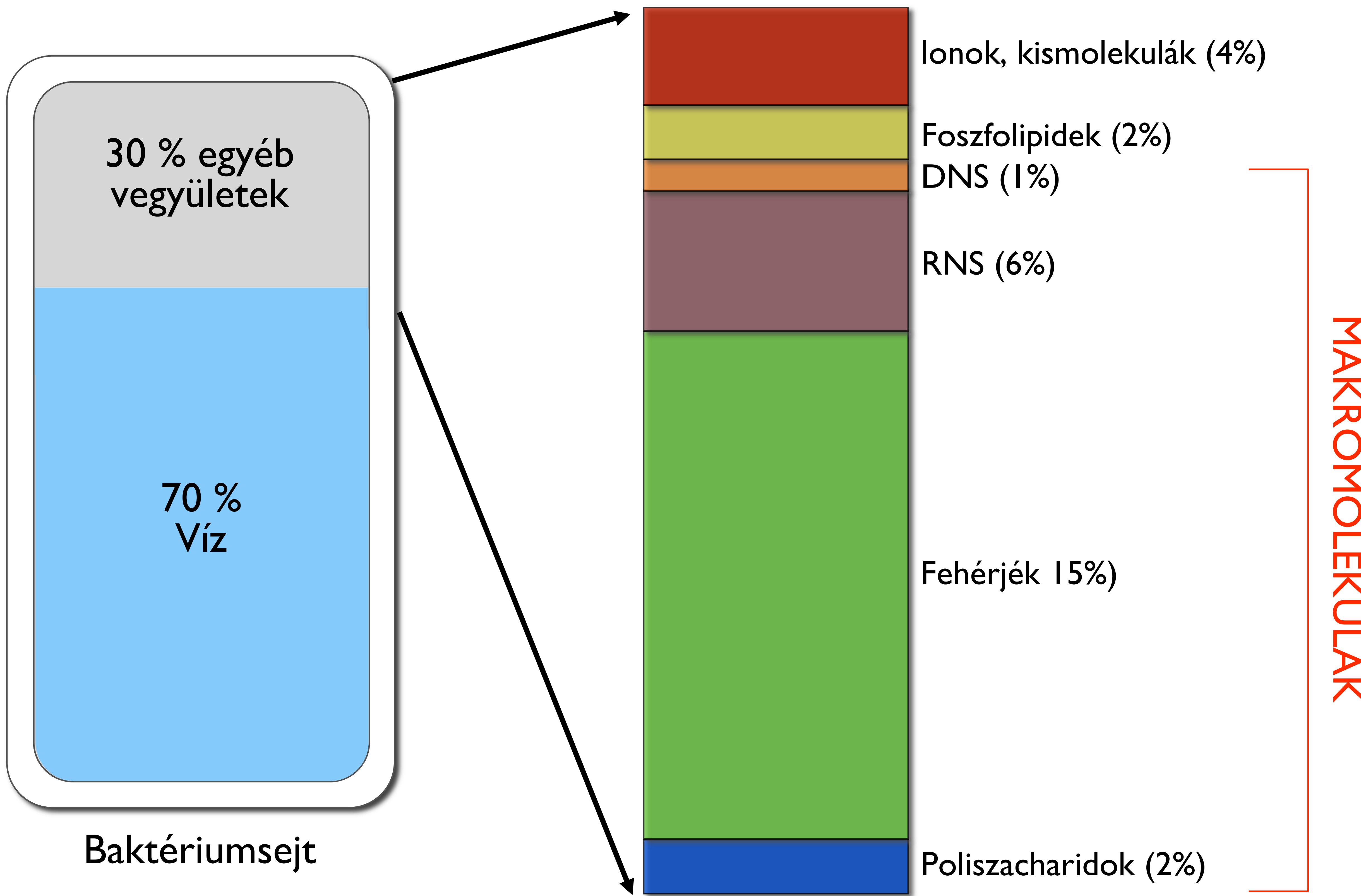


Újonnan termelődő fehérje (selyemfibroin)



Naszcens fehérje
gombolyodási
folyamata
(riboszómán)

A makromolekulák tömeg szerinti mennyisége a sejtben **NAGY**



Biológiai makromolekulák: biopolimérek

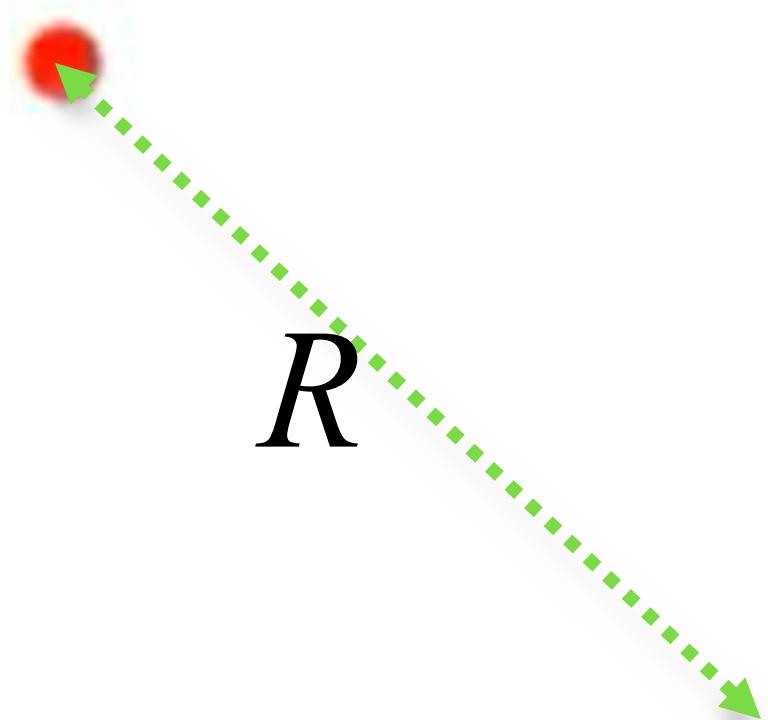
Polimérek:
Építőkockákból, monomerekből felépülő láncok

Monomerek száma: $N \gg I$;
Típusosan, $N \sim 10^2 - 10^4$,
de DNS: $N \sim 10^9 - 10^{10}$

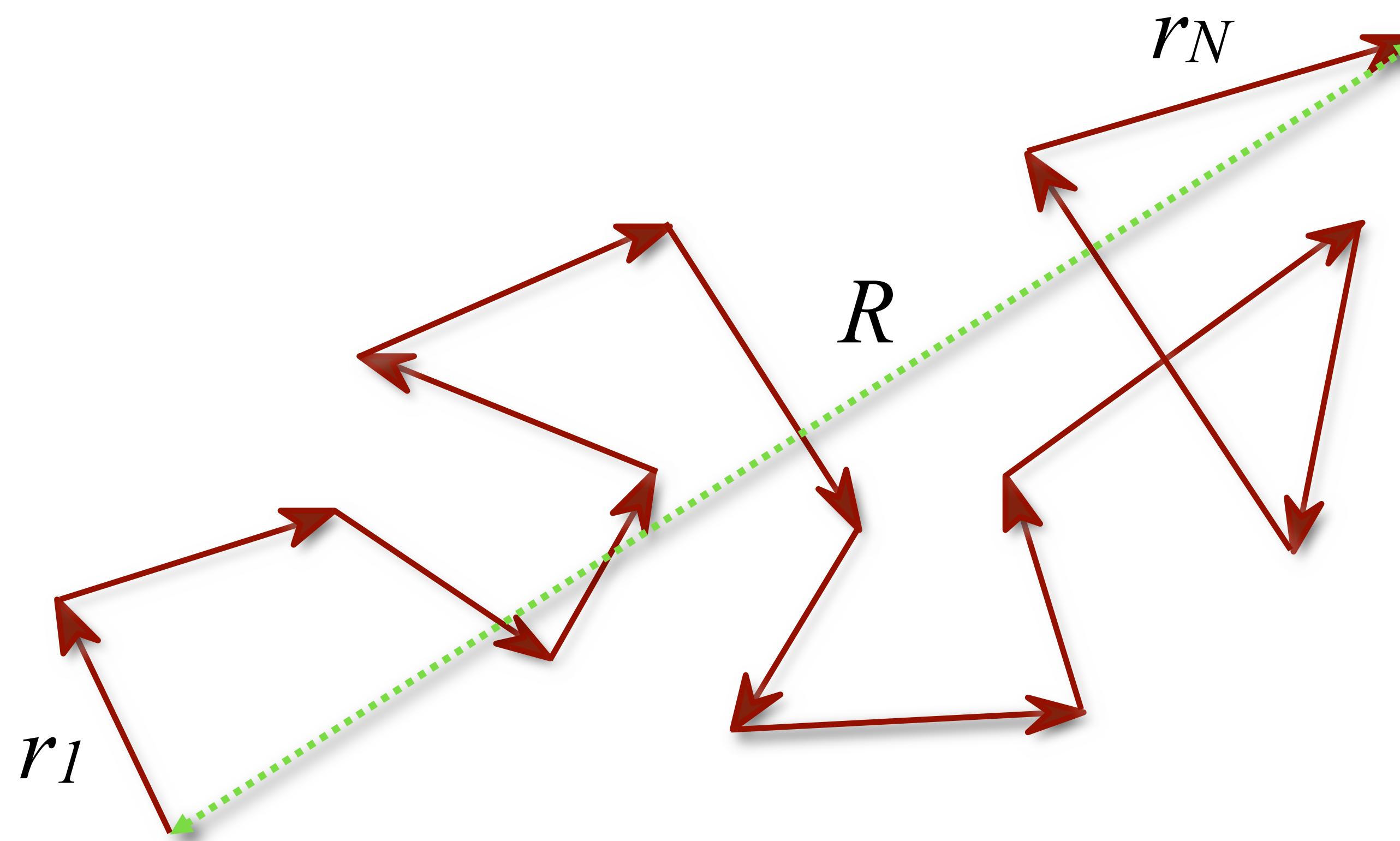
Biopolimer	Alegység	Kötés
Fehérje	Aminosav	Kovalens (peptidkötés)
Nukleinsav (RNS, DNS)	Nukleotid (CTUGA)	Kovalens (foszfodiészter)
Poliszacharid (pl. glikogén)	Cukor (pl. glukóz)	Kovalens (pl. α -glikozid)
Fehérjepolimer (pl. mikrotubulus)	Fehérje (pl. tubulin)	Másodlagos

A polimérek alakja a bolyongó mozgásra emlékeztet

Brown-mozgást végző részecske (“random walk”)



Polimerlánc alakja (“random chain”)



“Négyzetgyök törvény”:

$$\langle R^2 \rangle = Nl^2 = Ll$$

R = vég-vég távolság

N = elemi vektorok száma

$l = |\vec{r}_i|$ = korrelációs hossz

r_i = elemi vektor

$Nl = L$ = kontúrhossz

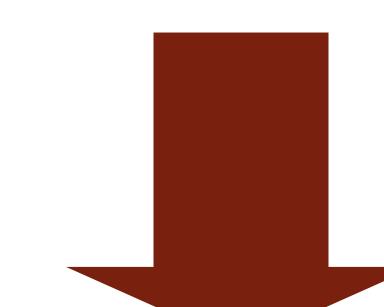
l összefüggésben van a hajlítómerevséggel.

Bolyongó (diffúzióvezérelt) mozgás esetén R = elmozdulás, N = elemi lépések száma, L = teljes megtett út, és l = átlagos szabad úthossz.

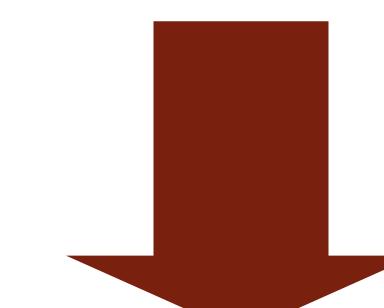
Biopolimérek rugalmassága

Entrópikus (termikus) rugalmasság

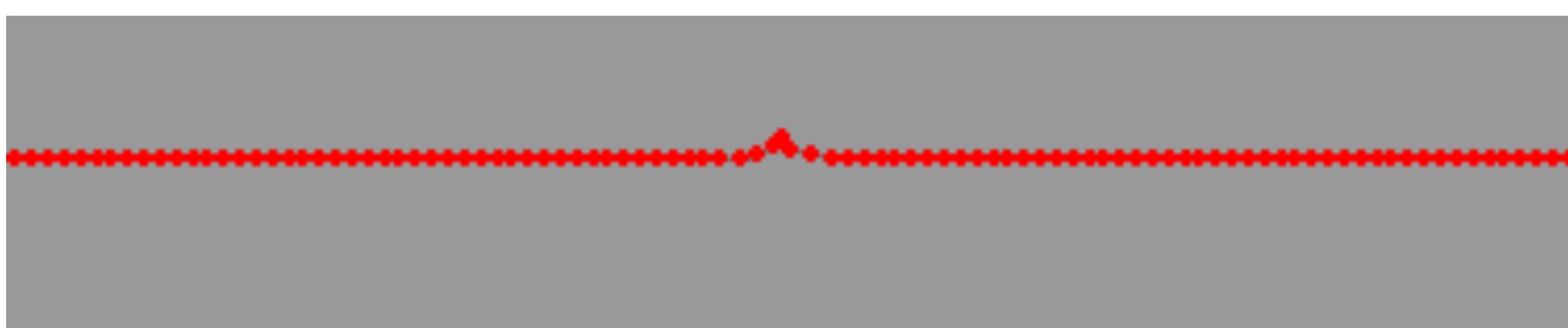
Termikus gerjesztésre a polimerlánc random, ide-oda hajló fluktuációkat végez.



Nő a lánc konformációs entrópiája (elemi vektorok orientációs rendezetlensége).



Az entrópiamaximumra törekvés miatt a polimerlánc rövidül (a vég-vég távolság kisebb, mint a kontúrhossz).



A perzisztenciahossz (l) és kontúrhossz (L) összefüggései biopolimérekben

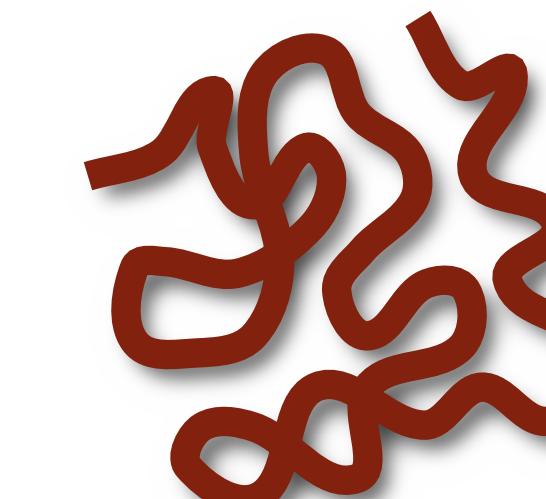
Merev lánc: $l \gg L$

Mikrotubulus

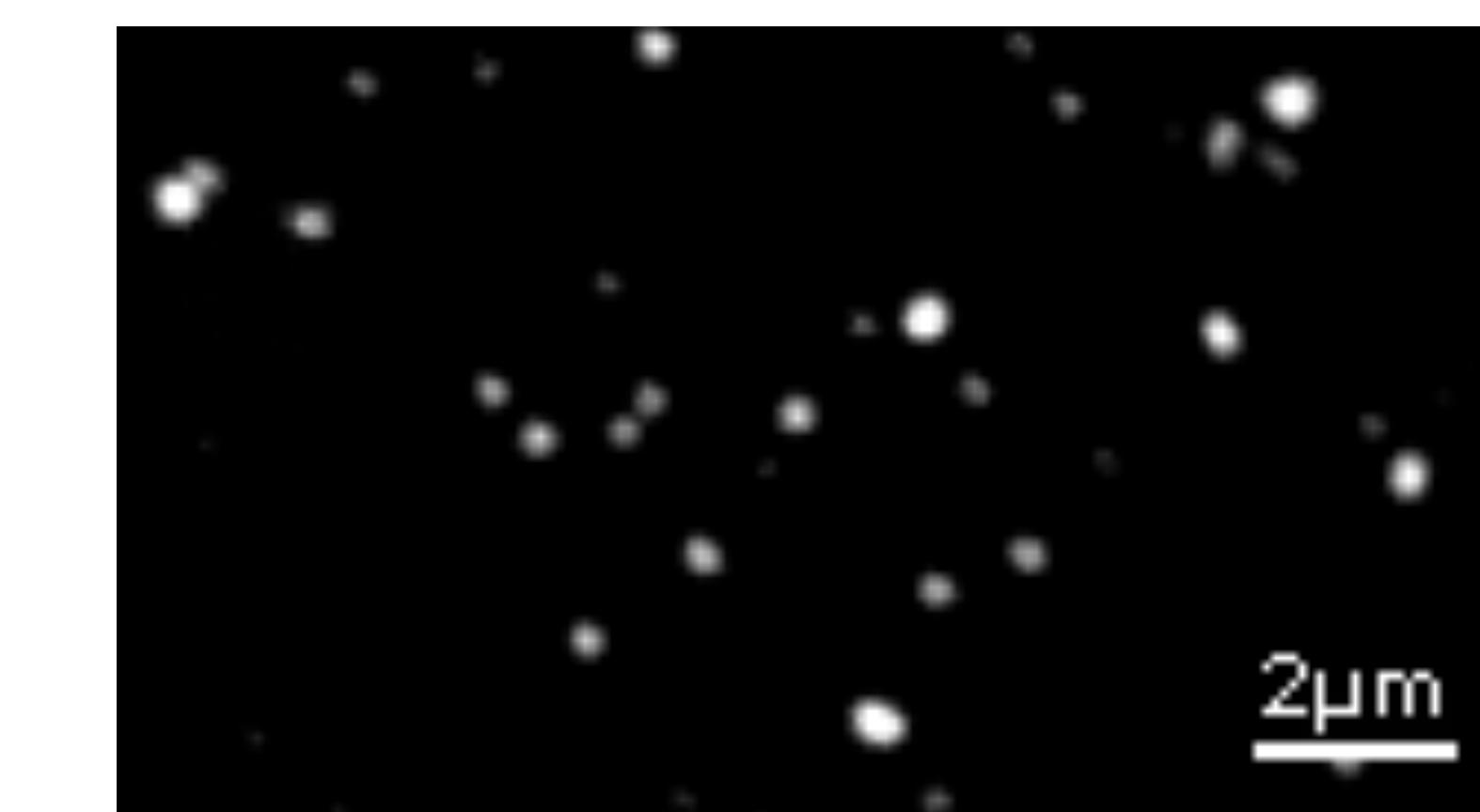
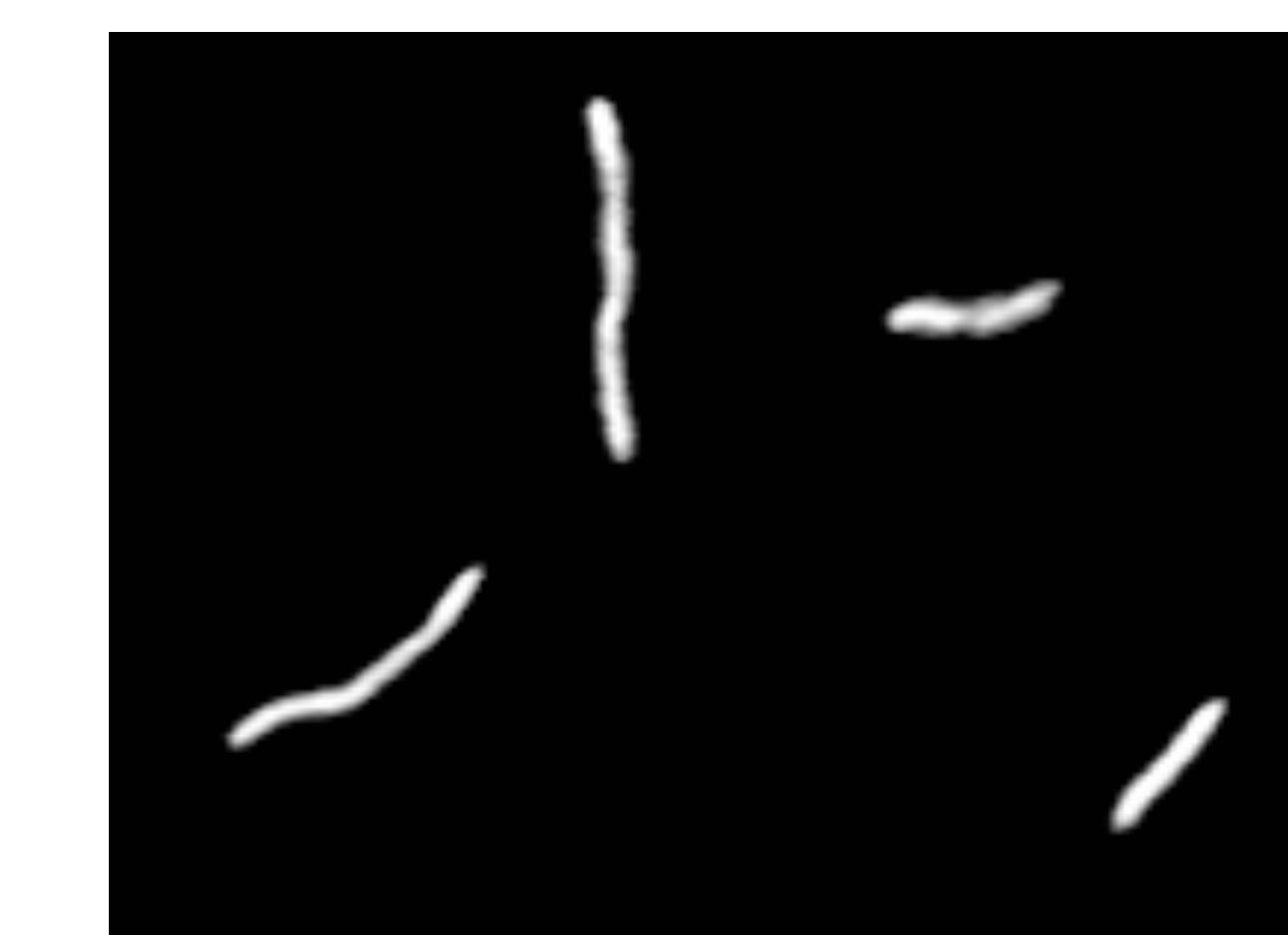
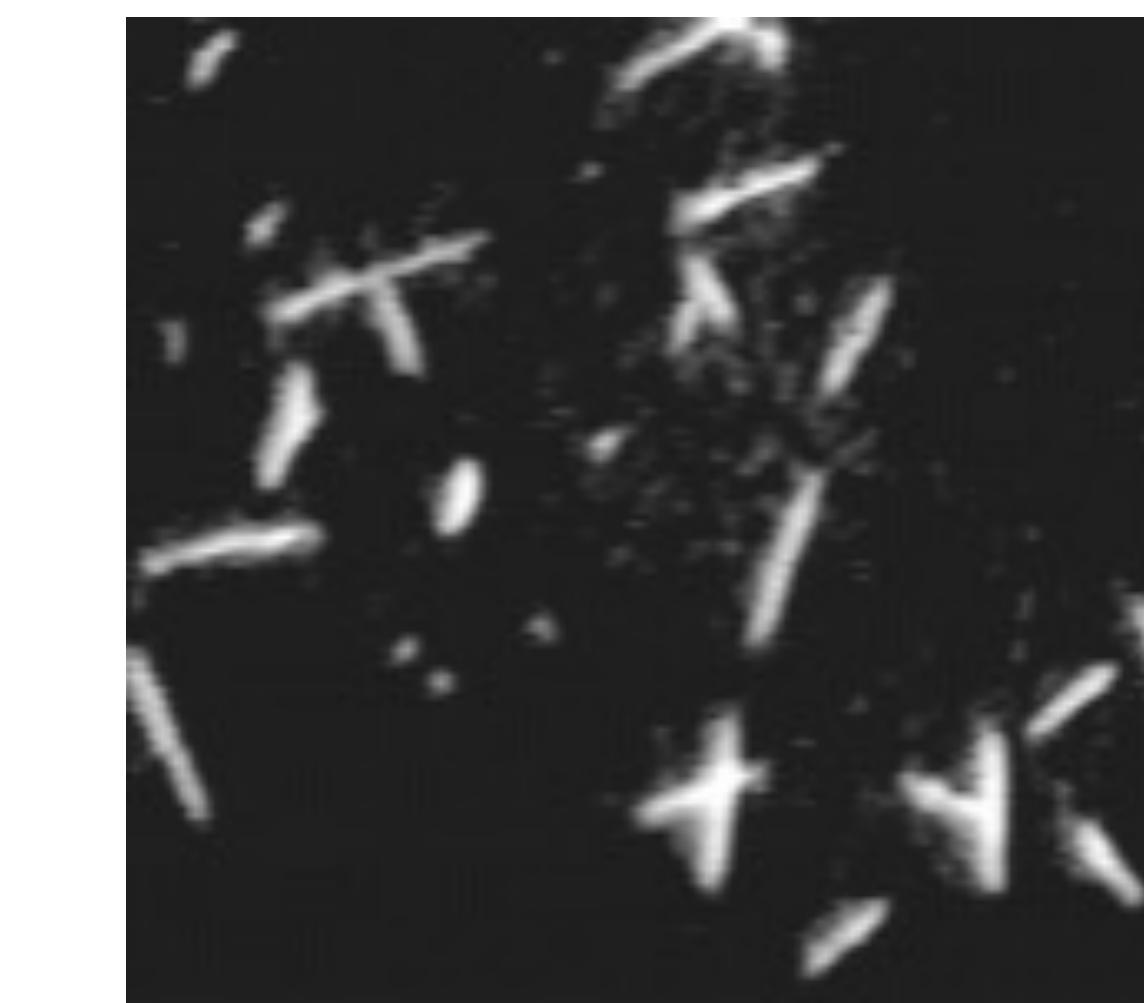
Szemiflexibilis lánc: $l \sim L$

Aktin filamentum

Flexibilis lánc: $l \ll L$



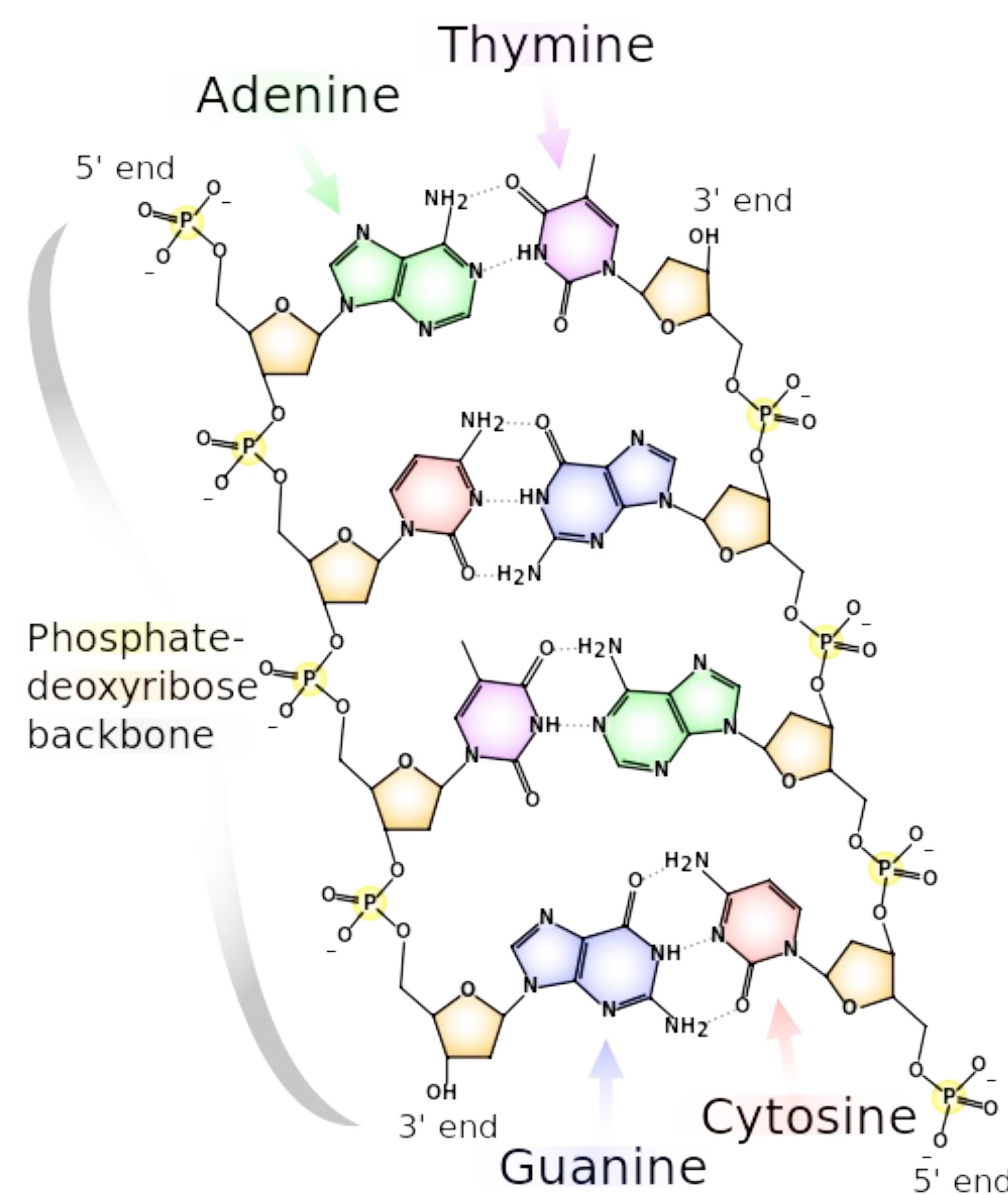
DNS molekula



I.DNS: dezoxiribonukleinsav

A biológiai raktármemória molekulája

Kémiai szerkezet



“Watson-Crick” bázispárosodás: H-hidakkal Génszekvencia a molekuláris genetika centrális problémaköre

Térszerkezet: kettős hélix

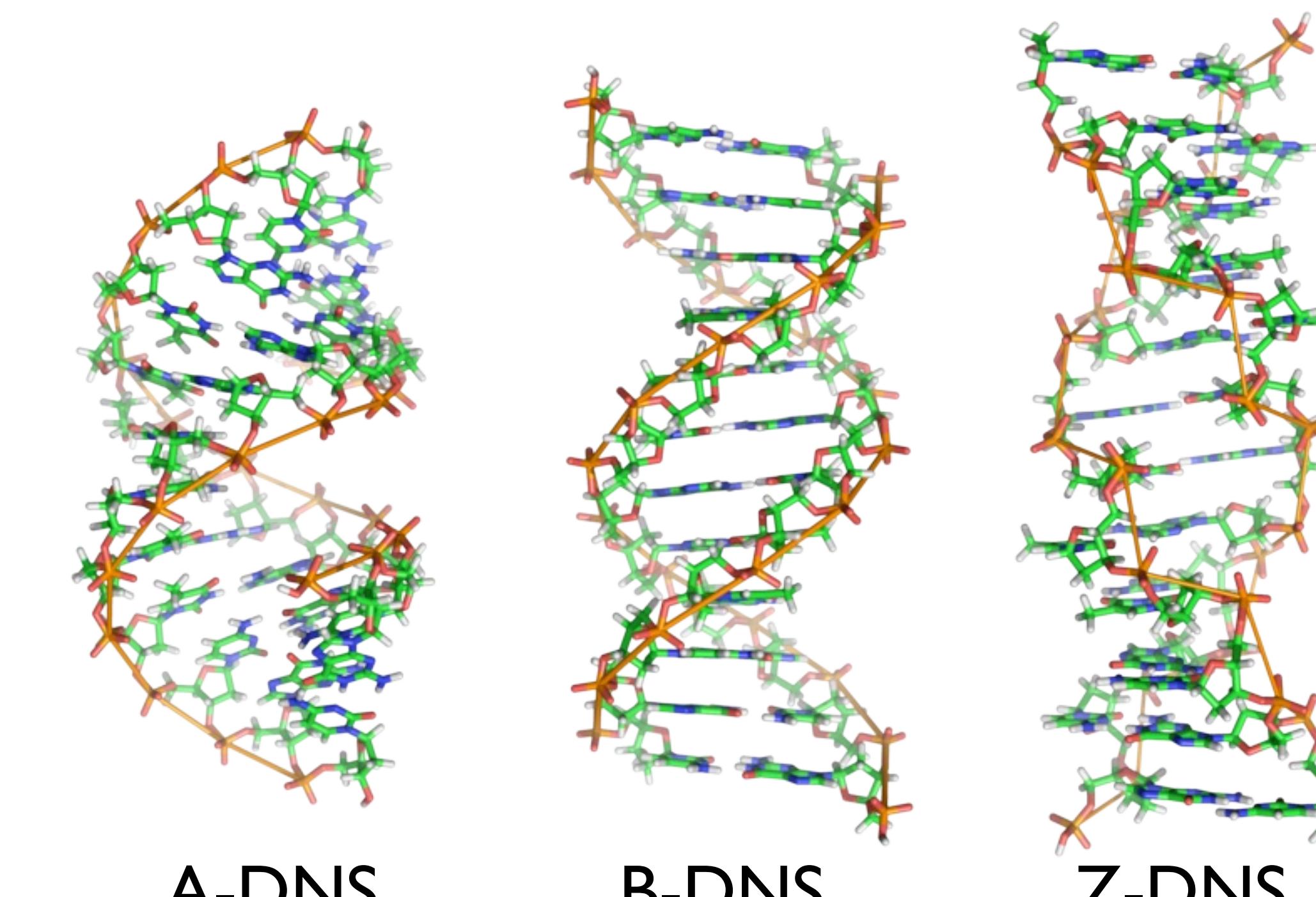


interkaláció

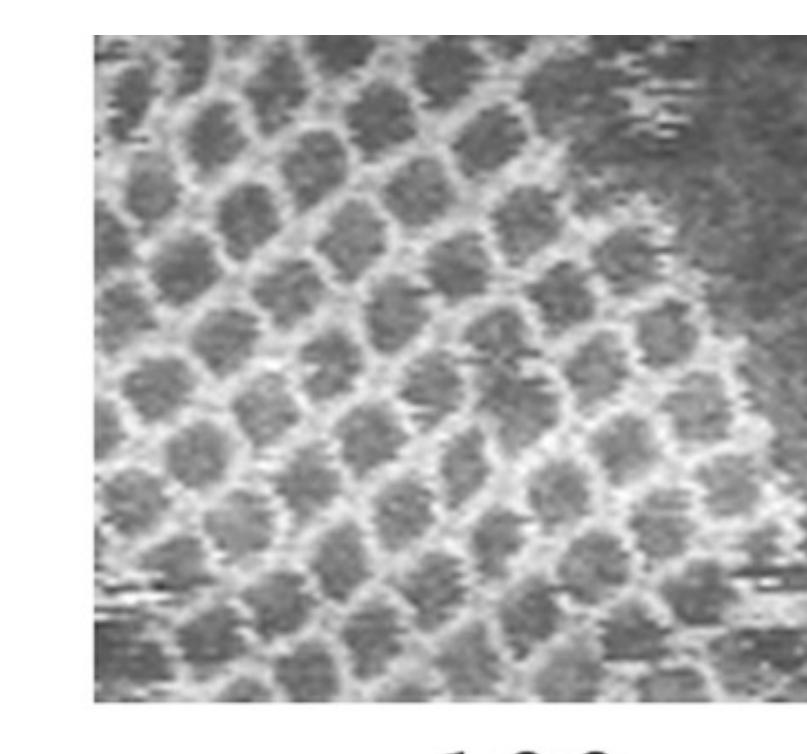
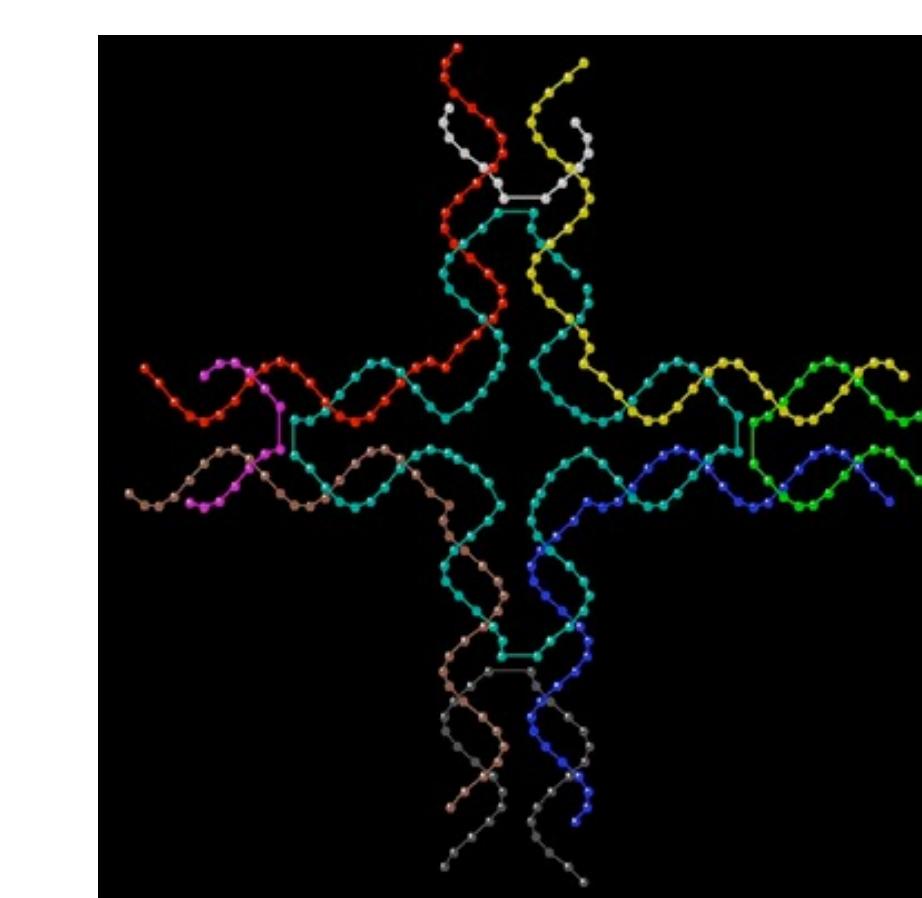
Nagy árok

Kis árok

Változatos DNS szerkezetek



Hidratáció, ionkörnyezet, kémiai módosítás (pl. metiláció), szuperhélix iránya függvényében

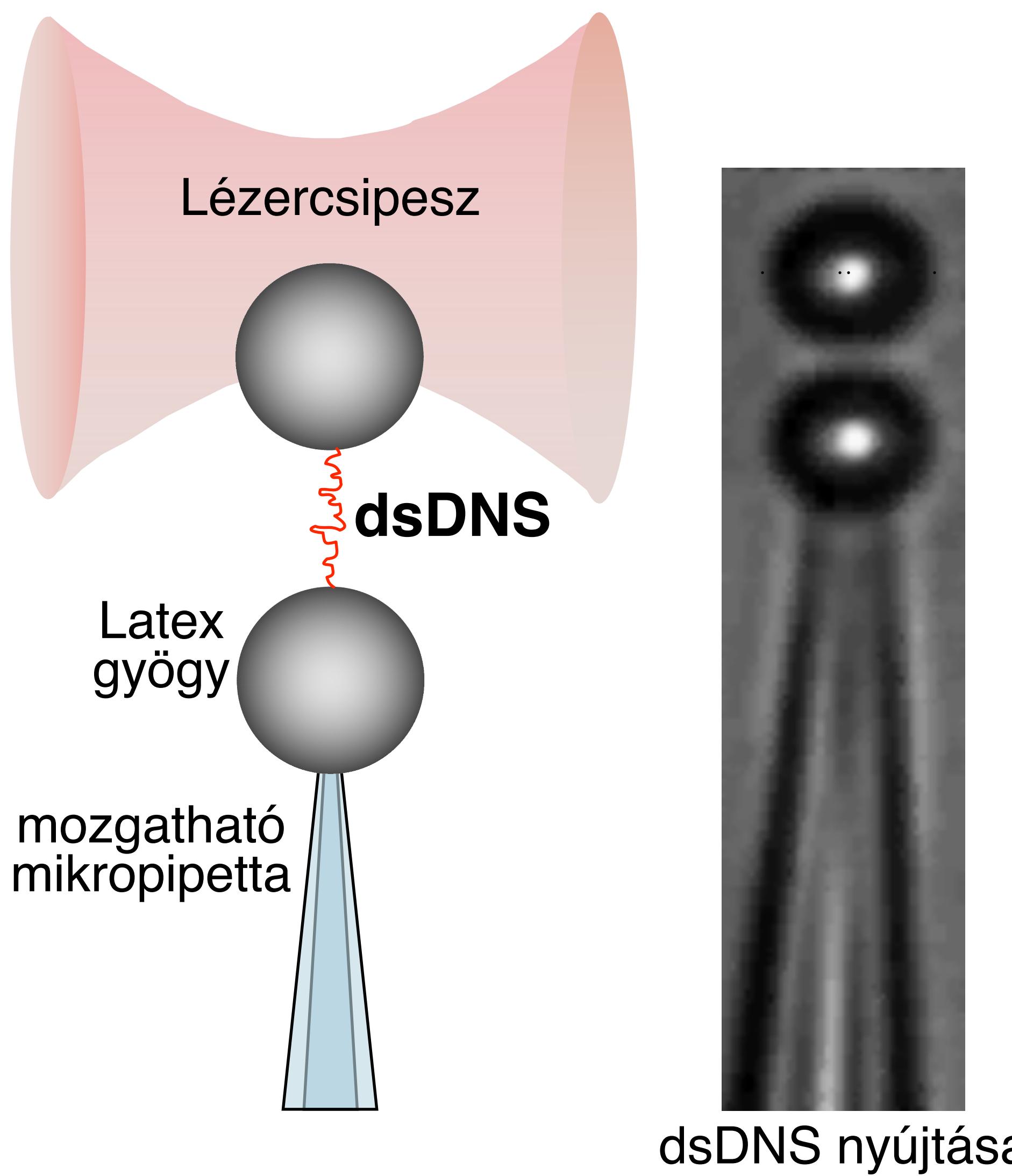


DNS nanostrukturák (origami)

Bázispárosodási rend és hierarchia függvényében

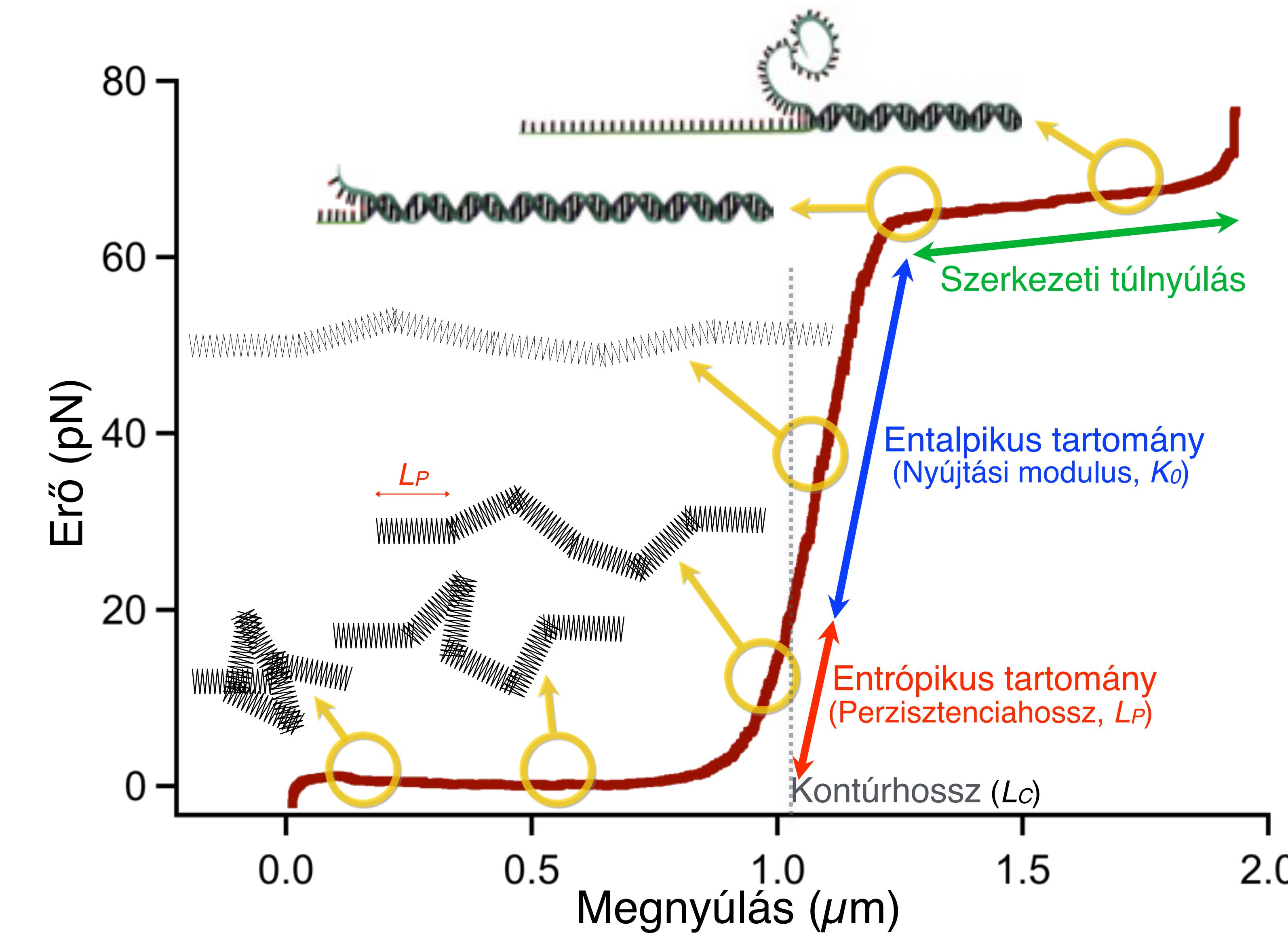
A dsDNA molekula rugalmas!

Rugalmasságmérés: lézercsipeszsel

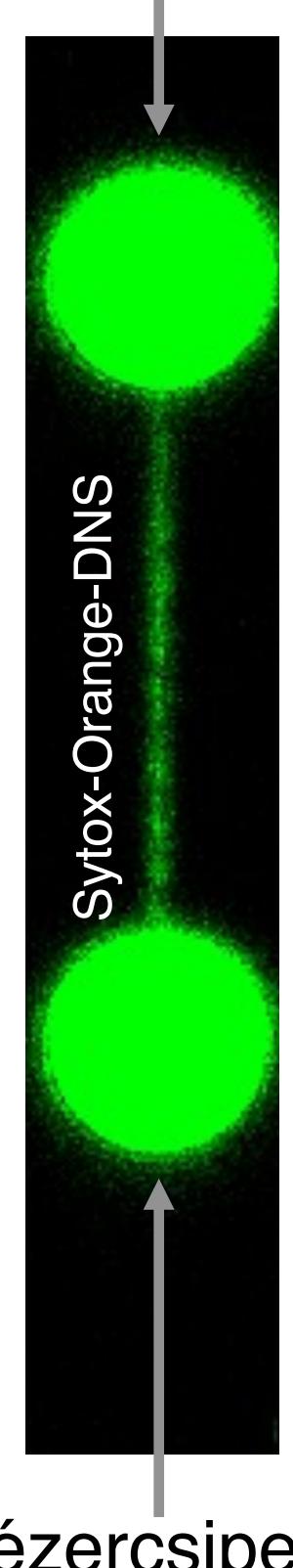


dsDNA nyújtása

A dsDNA rugalmas erőgörbéje

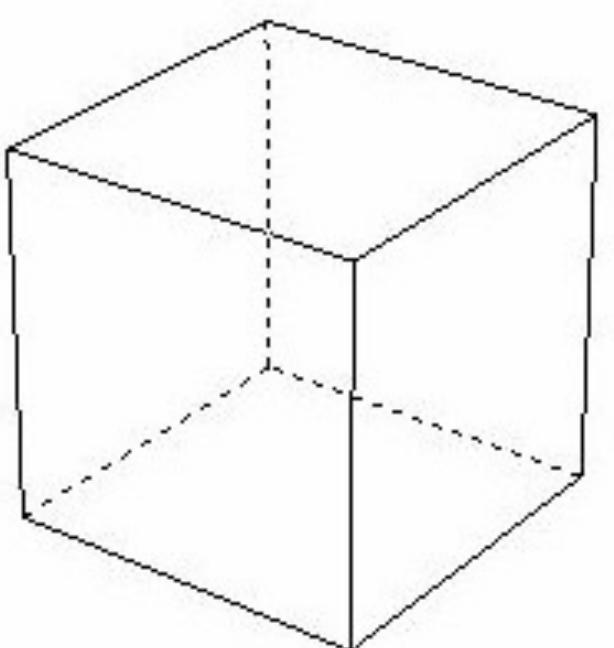
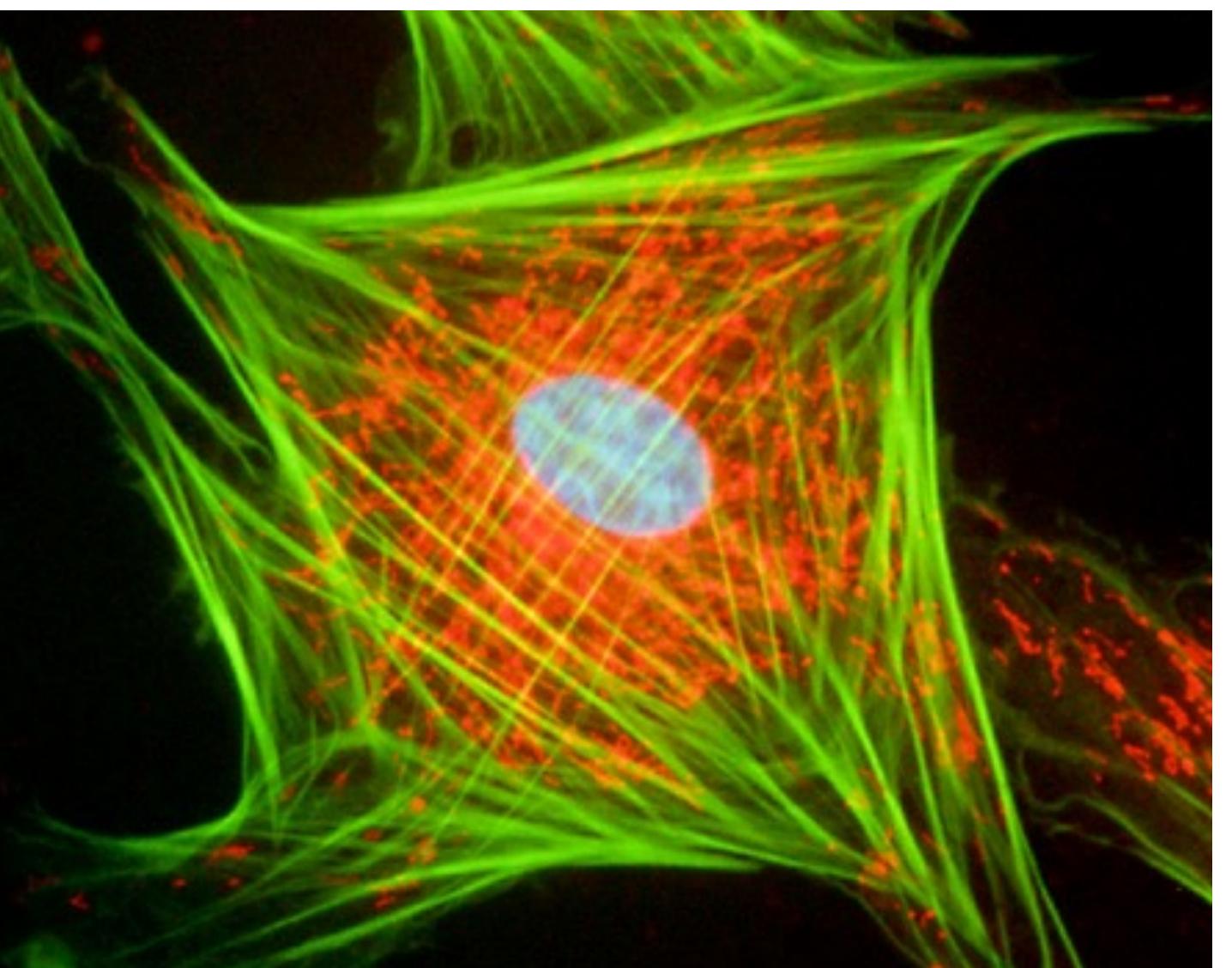


Lézercsipesz



„nick”

Mennyi DNS van a sejtben?

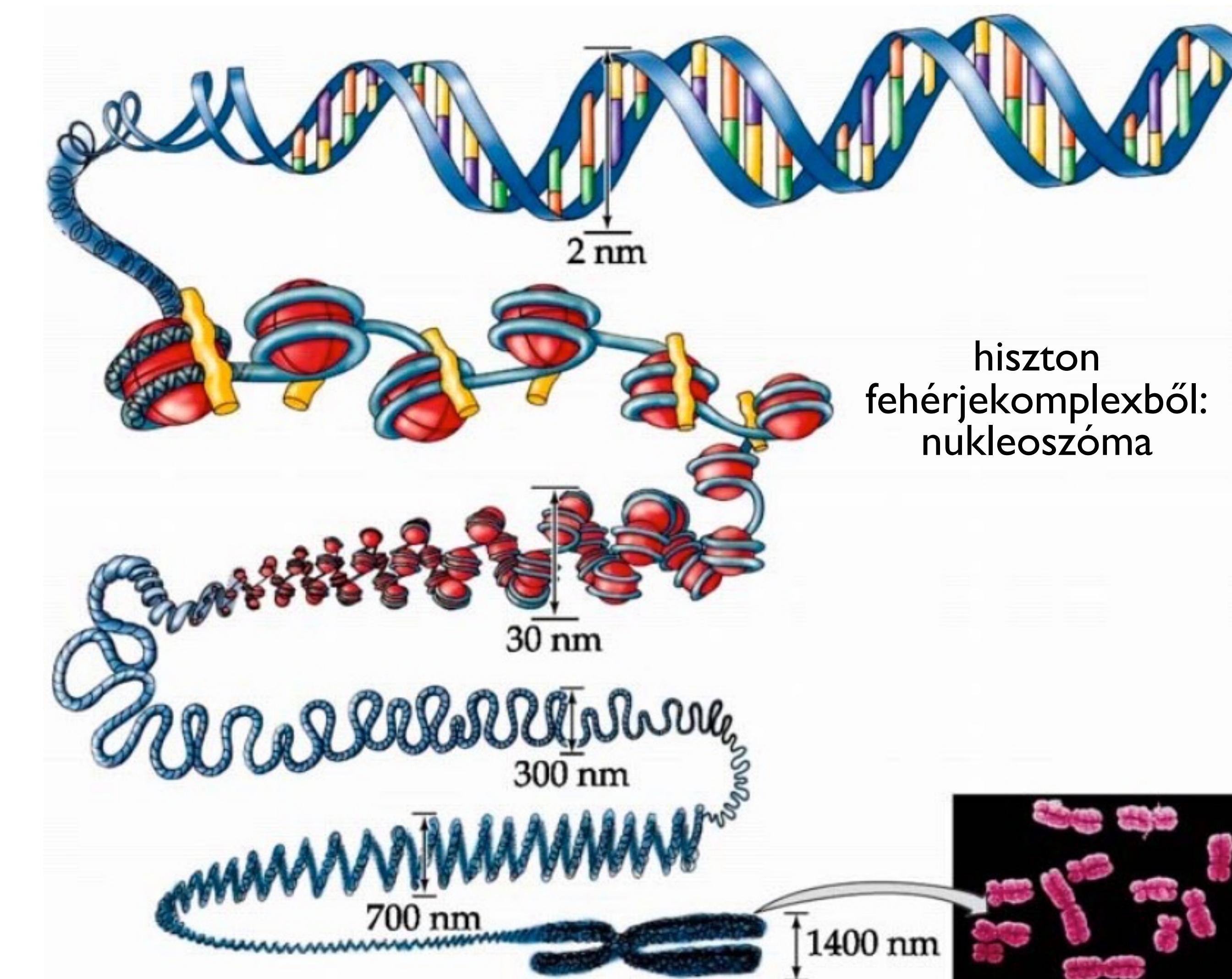


Egyszerűsített
sejtmodell: kocka

	Sejt: 20 μm oldalfalú kocka	Analógia - Tanterem: 20 m oldalfalú kocka
DNS vastagsága	2 nm	2 mm
Humán DNS teljes hossza	\sim 2 m	\sim 2000 km (!!!) (Mo kerülete \sim 2200 km)
dsDNA perzisztenciahossza	\sim 50 nm	\sim 50 cm
dsDNA vég-vég távolsága (R)	\sim 350 μm (!)	\sim 350 m (!)
Teljesen kompakt DNS térfogata	\sim 2 \times 2 \times 2 μm^3	\sim 2 \times 2 \times 2 m^3 (= 8 m^3)

Megoldás:
a DNS-t csomagolni kell!

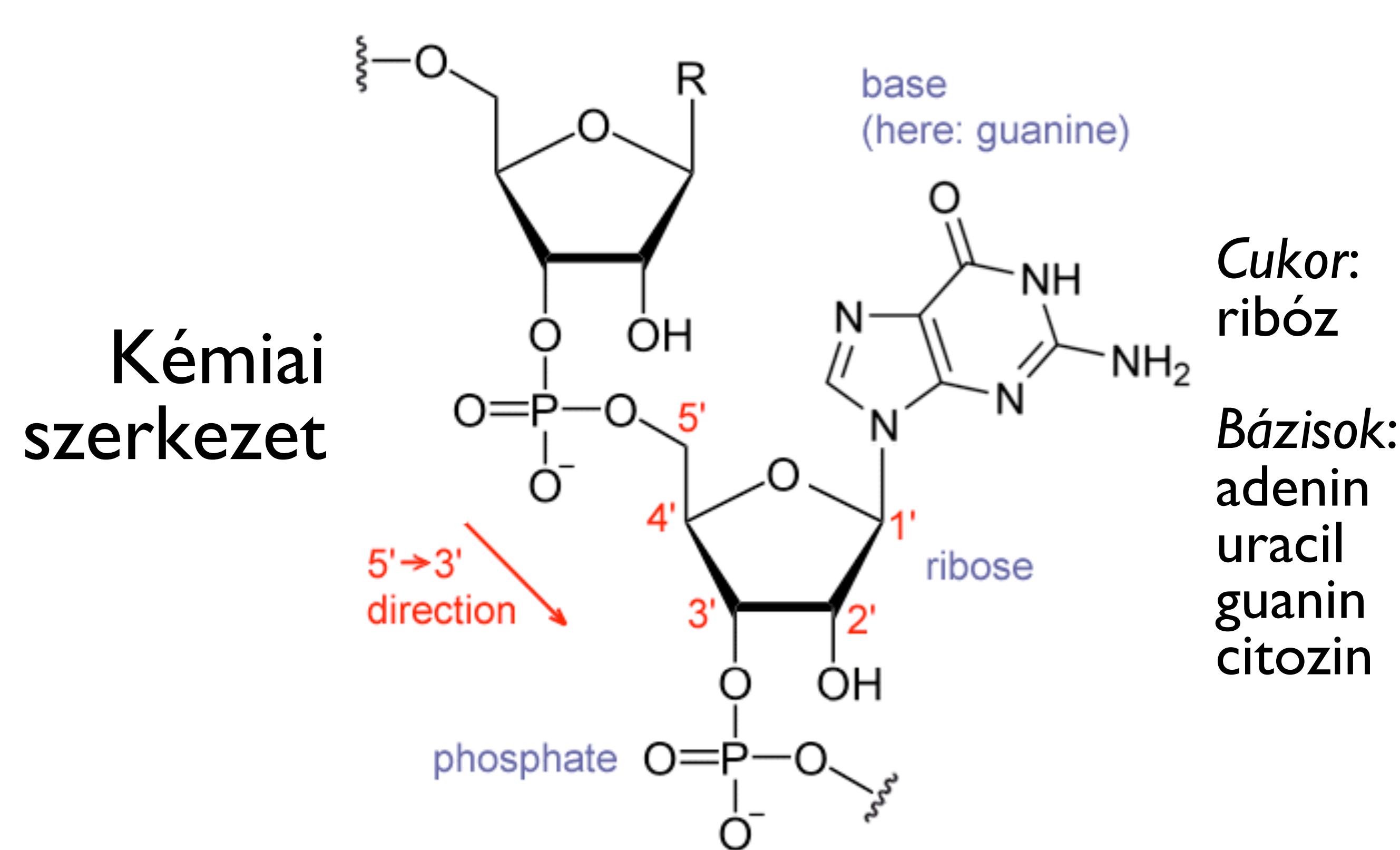
Kromoszóma kondenzáció



- Magas rendű DNS csomagolásban szerepet játszó fehérjék: kondenzinék
- DNS lánc: lineáris, bonyolult akadálypálya!

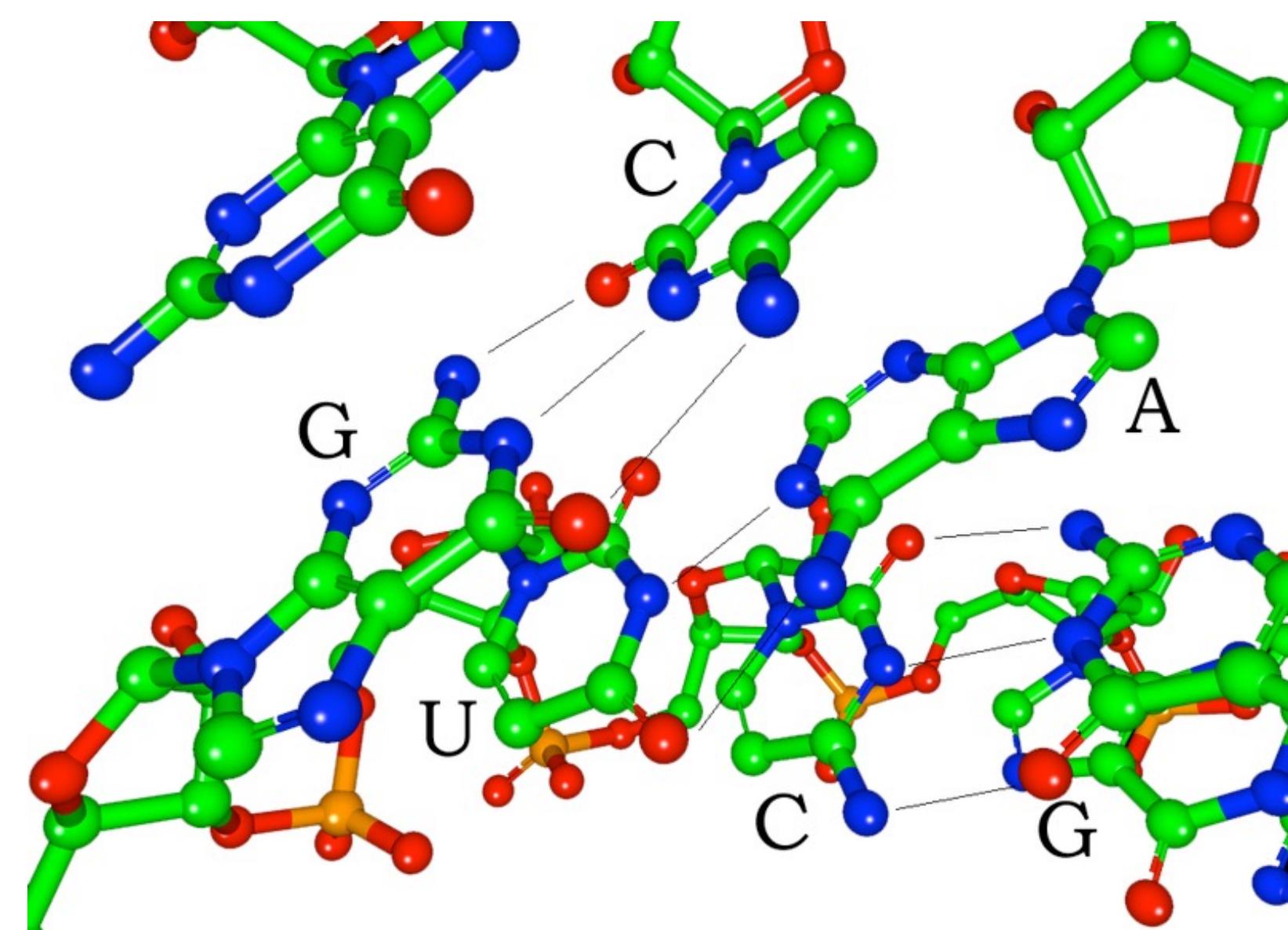
2. RNS: Ribonukleinsav

Funkció: információátvitel (transzkripció), szerkezeti elem (pl. riboszóma), szabályozás (génexpresszió ki-, bekapcsolása)

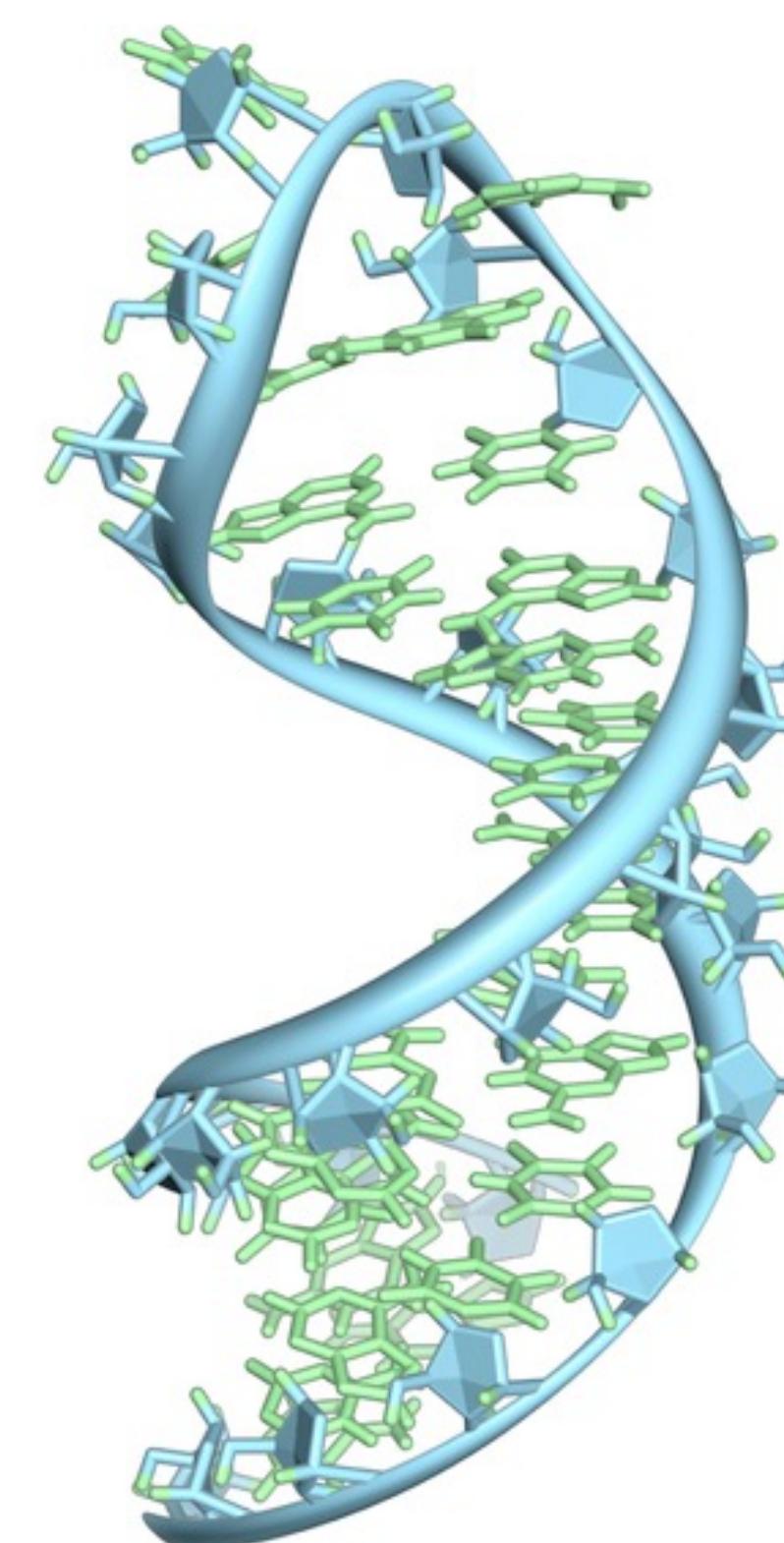


T. thermophila telomerase RNA

“Watson-Crick” bázispárosodás



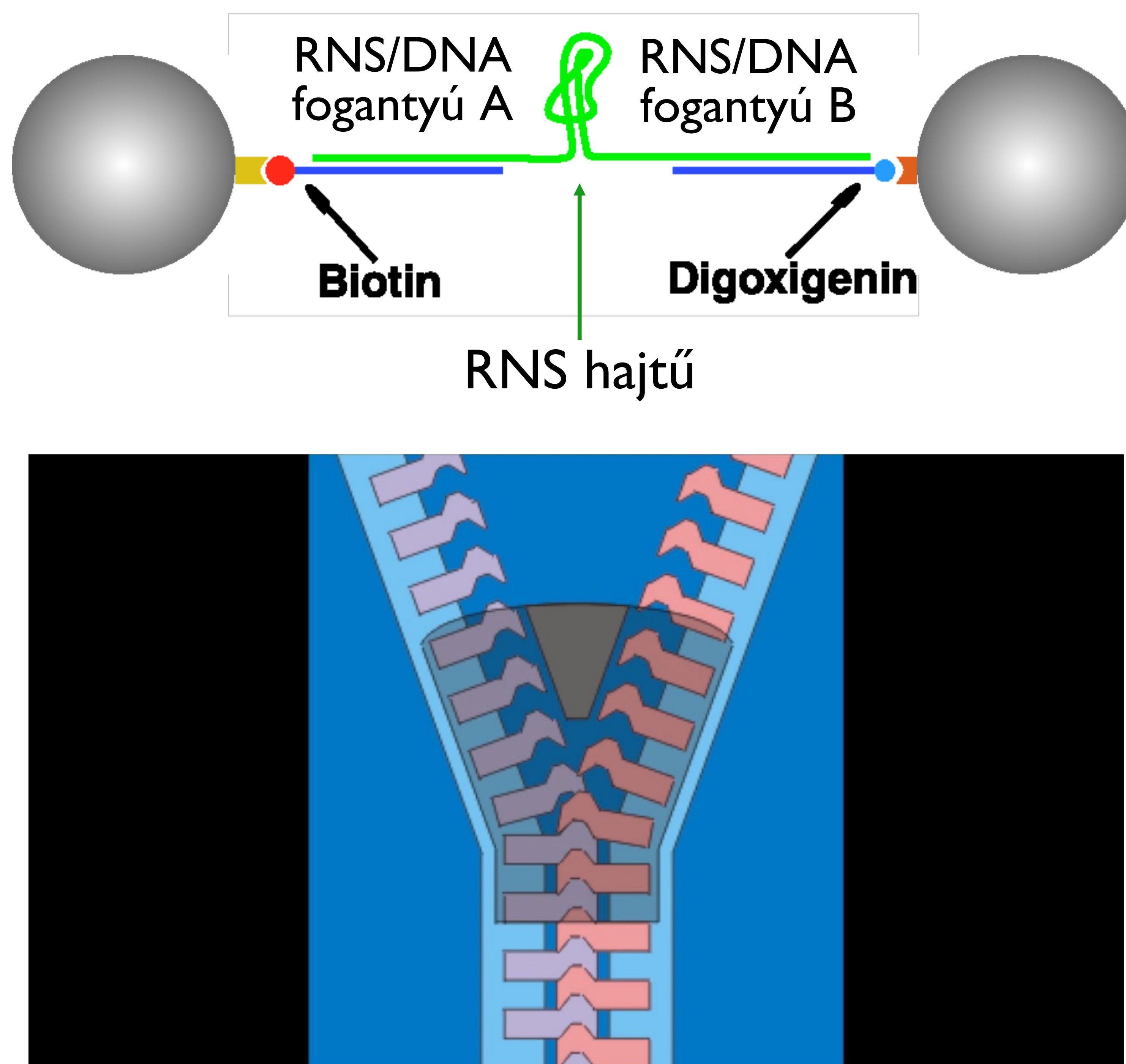
RNS hajtú (hairpin)



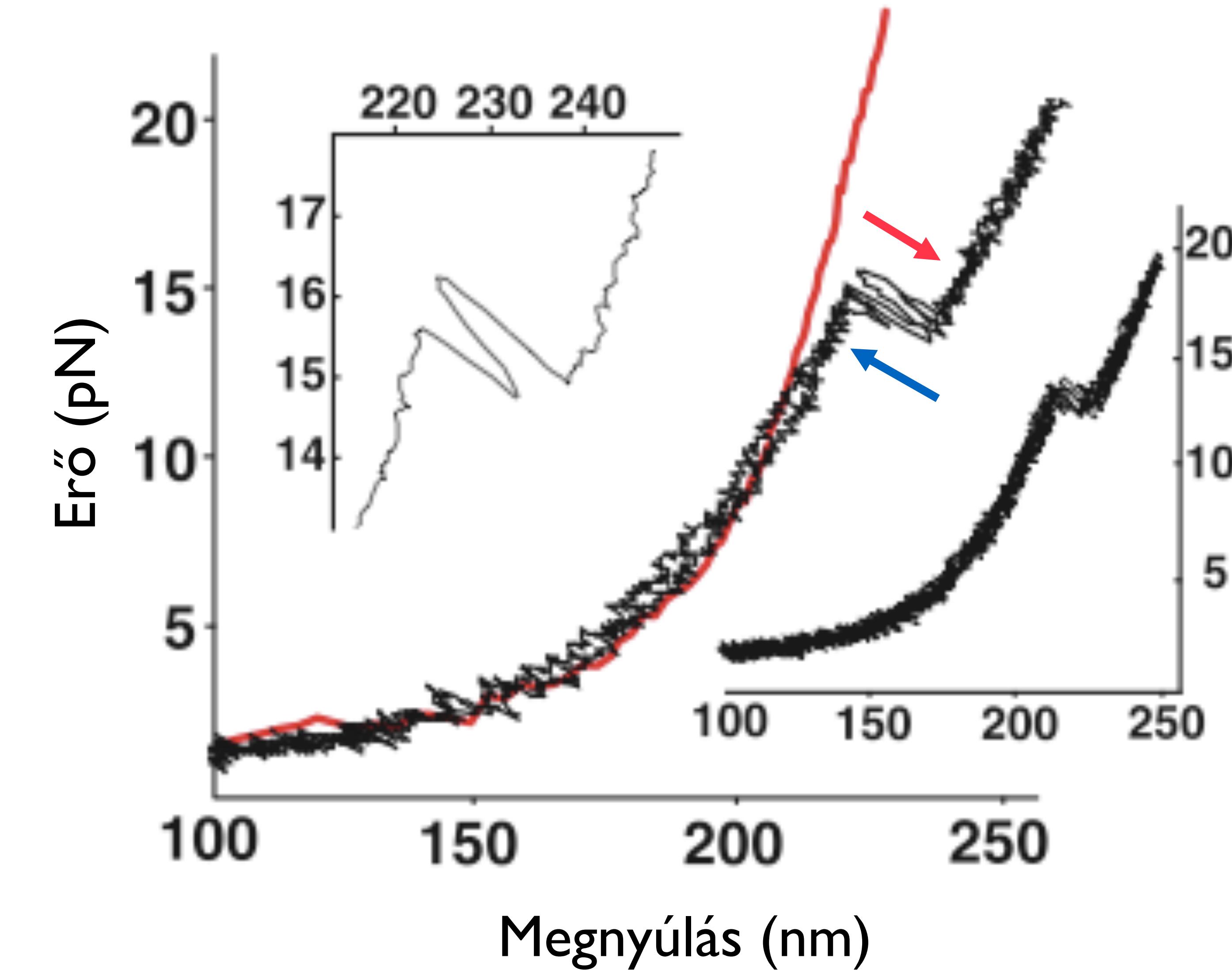
Komplex szerkezet (ribozim)

Az RNS szerkezet mechanikai erővel megbontható

Mechanikai feszítés lézercsipesszel

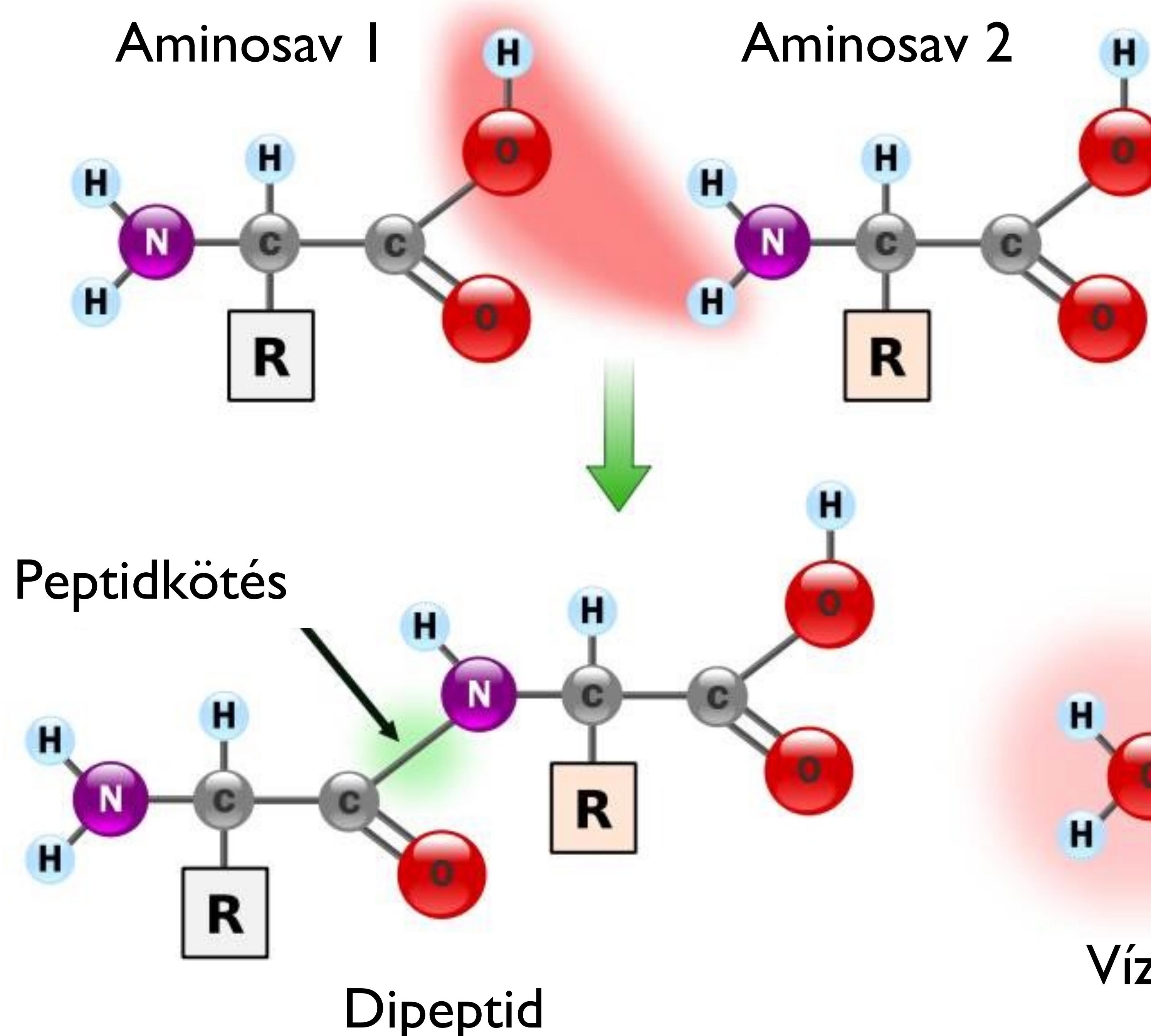


RNS hajtű mechanikai **kitekerése**: közel reverzibilis folyamat - az RNS hajtű gyorsan **visszarendeződik**



3. Fehérjék: peptid kötéssel egybekapcsolt biopolimérek

Funkció: az élet legfontosabb molekulái - rendkívül változatos funkciók: szerkezet, kémiai katalízis, energiaátalakítás, motorikus feladatok, stb.



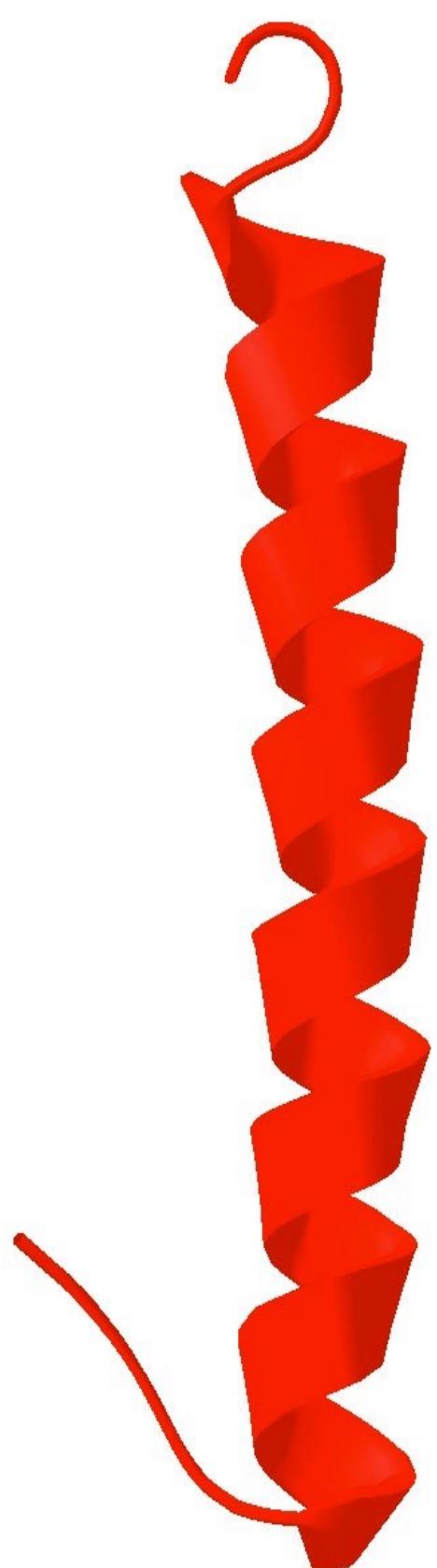
A peptidkötés és kialakulása: víz felszabadulással járó kondenzációs reakció

Fehérjék szerkezete

Elsődleges

Aminosav-sorrend

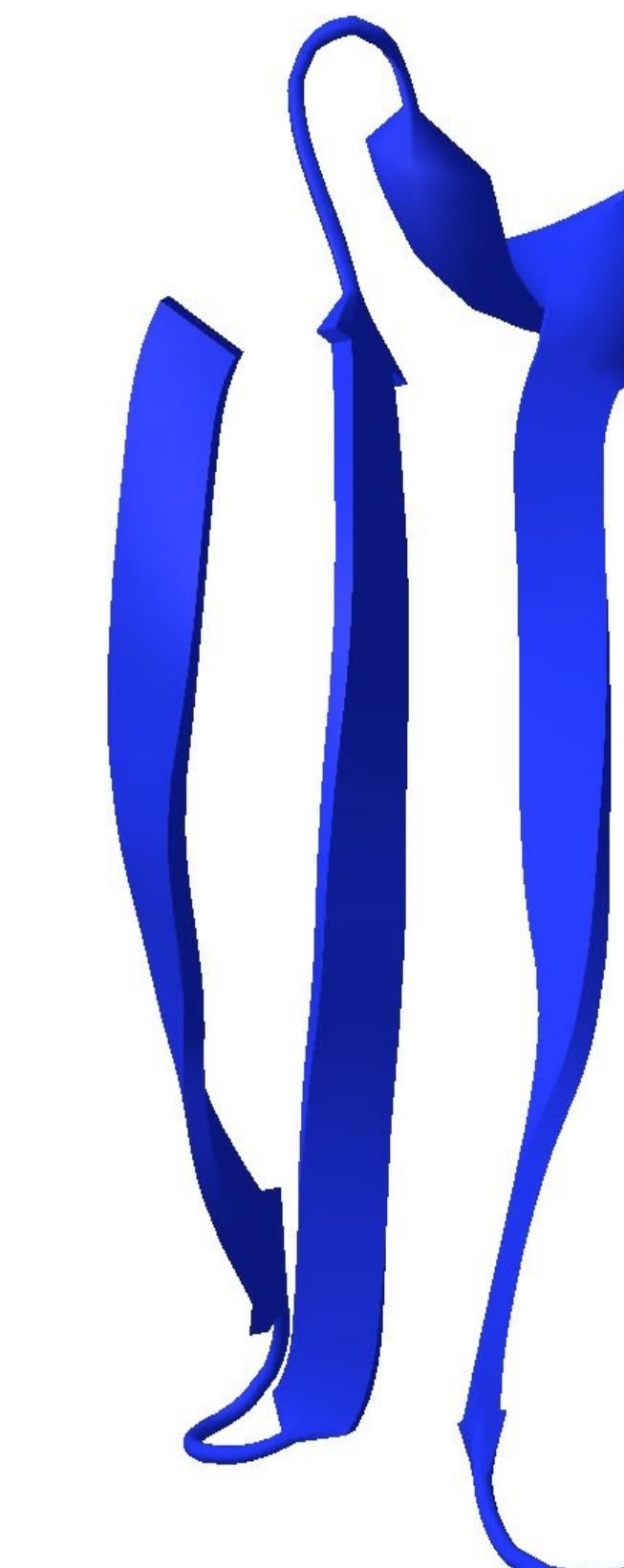
Meghatározza a térszerkezetet is



- α -hélix:
- jobbméneteres
- 3.4 aminosav/emelkedés
- H-hidak

Másodlagos

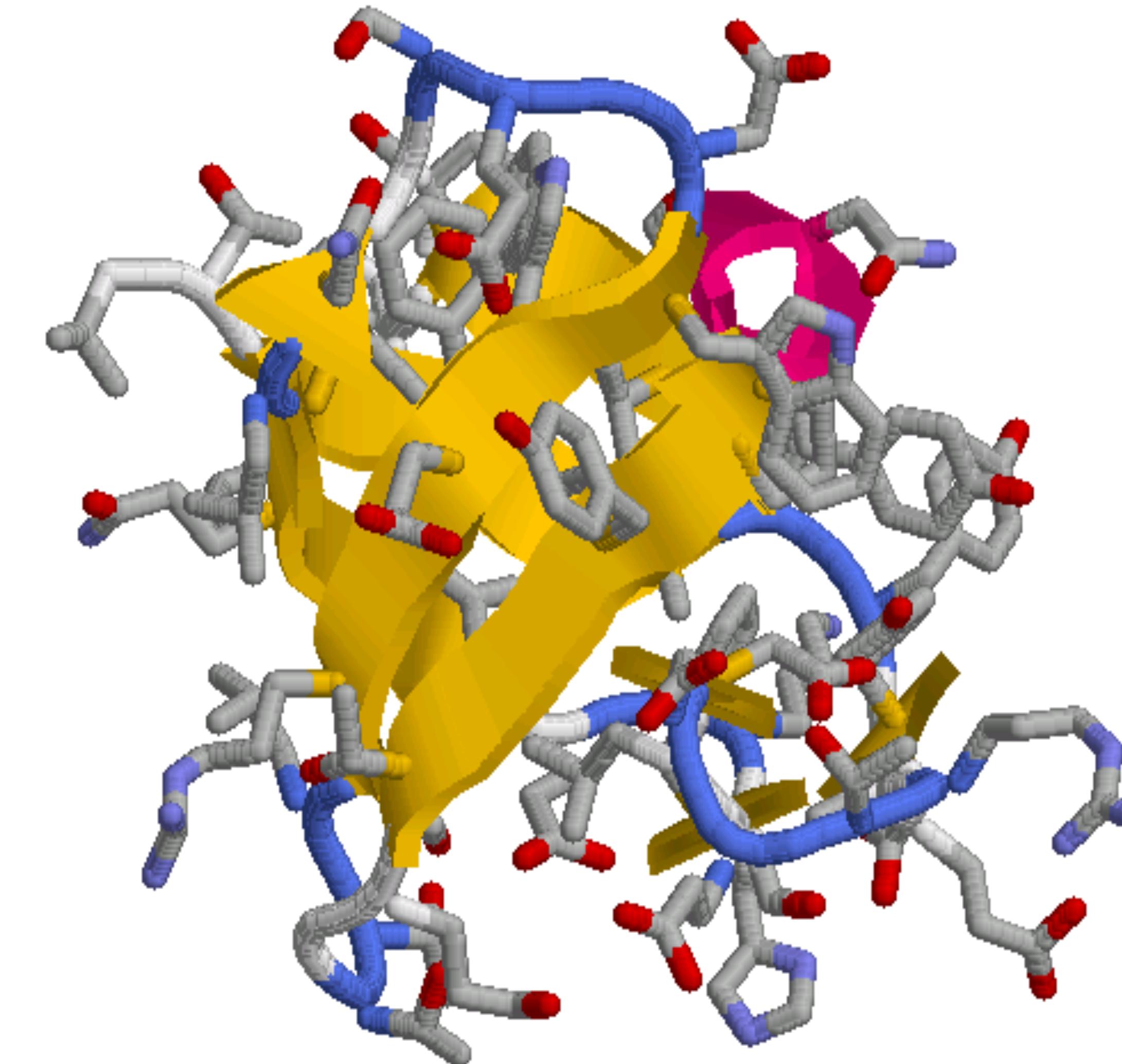
α -hélix
 β -lemez
 β -kanyar (hajtű)



- β -lemez:
- parallel v.
- antiparallel
- H-hidak távoli aminosavak között

Harmadlagos

Egyláncú fehérje teljes térszerkezete



*Negyedleges szerkezet: önálló alegységek komplexbe kapcsolódása

Fehérjeszerkezetet összetartó kölcsönhatások

-
- The diagram illustrates the hierarchy of protein interactions. On the left, there is a vertical axis with two labels: 'Gyenge (másodlagos) kötések' at the top and 'Kovalens kötések' at the bottom. An upward-pointing arrow is positioned between these labels. To the right of the axis, five types of interactions are listed from weakest to strongest:
1. **Hidrogén híd:** megosztott proton a protondonor oldalláncok között.
 2. **Elektrosztatikus kölcsönhatás (sókötés):** ellentétesen töltött részek között.
 3. **van der Waals kötés:** lezárt elektronhéjak közötti gyenge kölcsönhatás.
 4. **Hidrofób-hidrofób kölcsönhatás:** hidrofób molekularészek között (molekula belséjében).
 5. **Diszulfid híd:** cisztein aminosavak között; egymástól távol levő láncokat kapcsol össze.

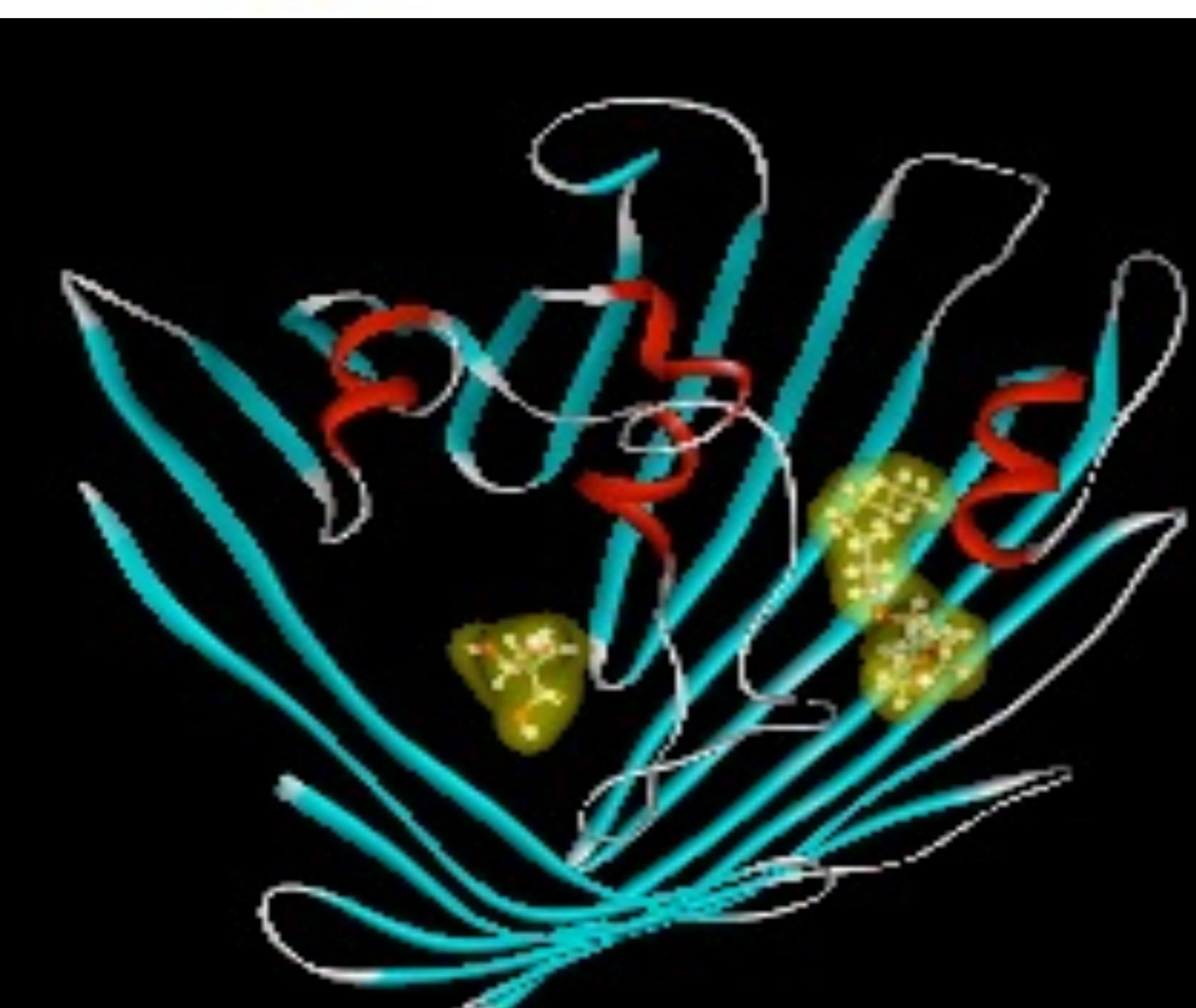
Fehérjeszerkezeti osztályok

I. Tiszta alfa



calmodulin

2. Tiszta béta



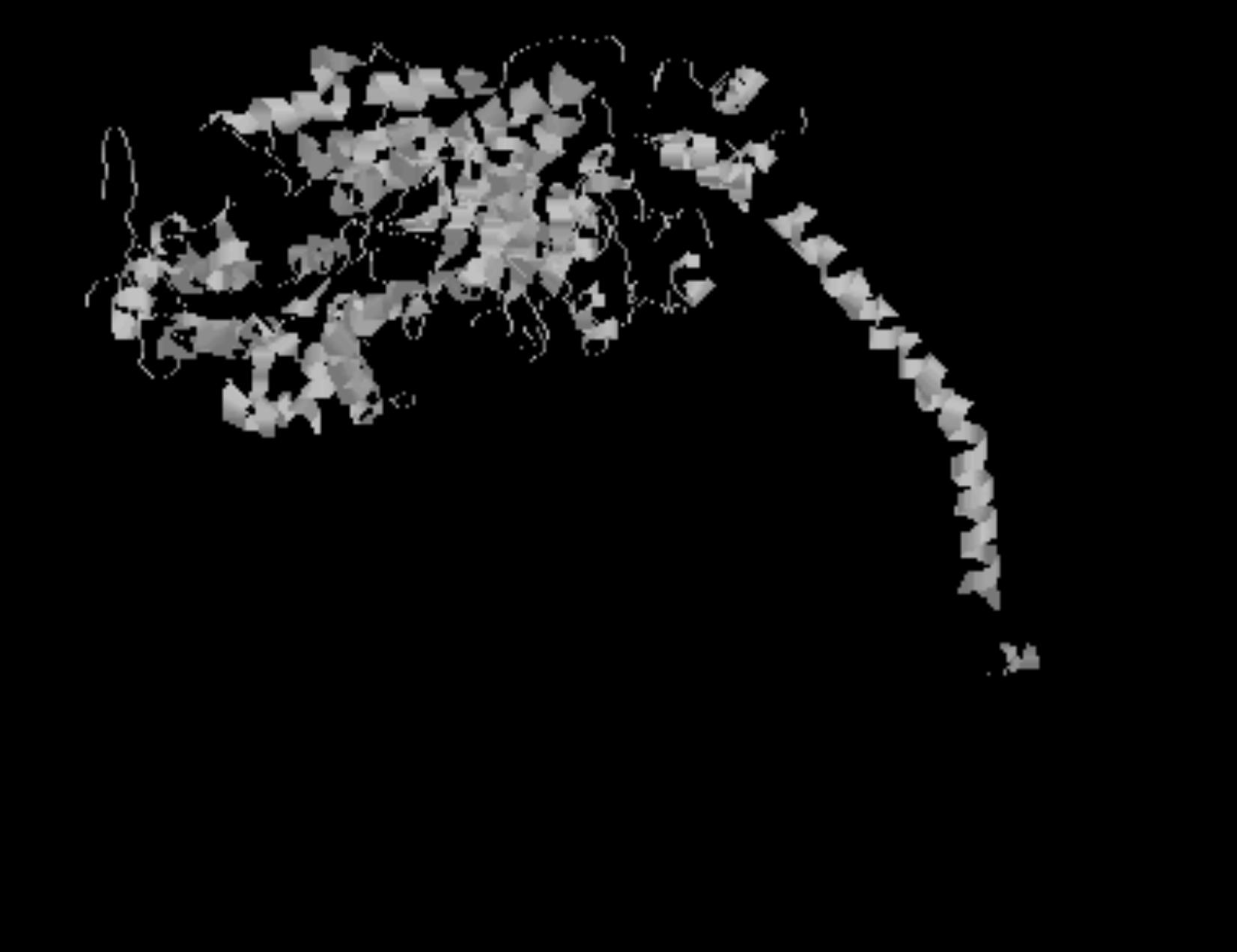
porin

(3. Alfa-béta)

4. Multidomén

Domén:

fehérjegombolyodási
“alegység”



miozin

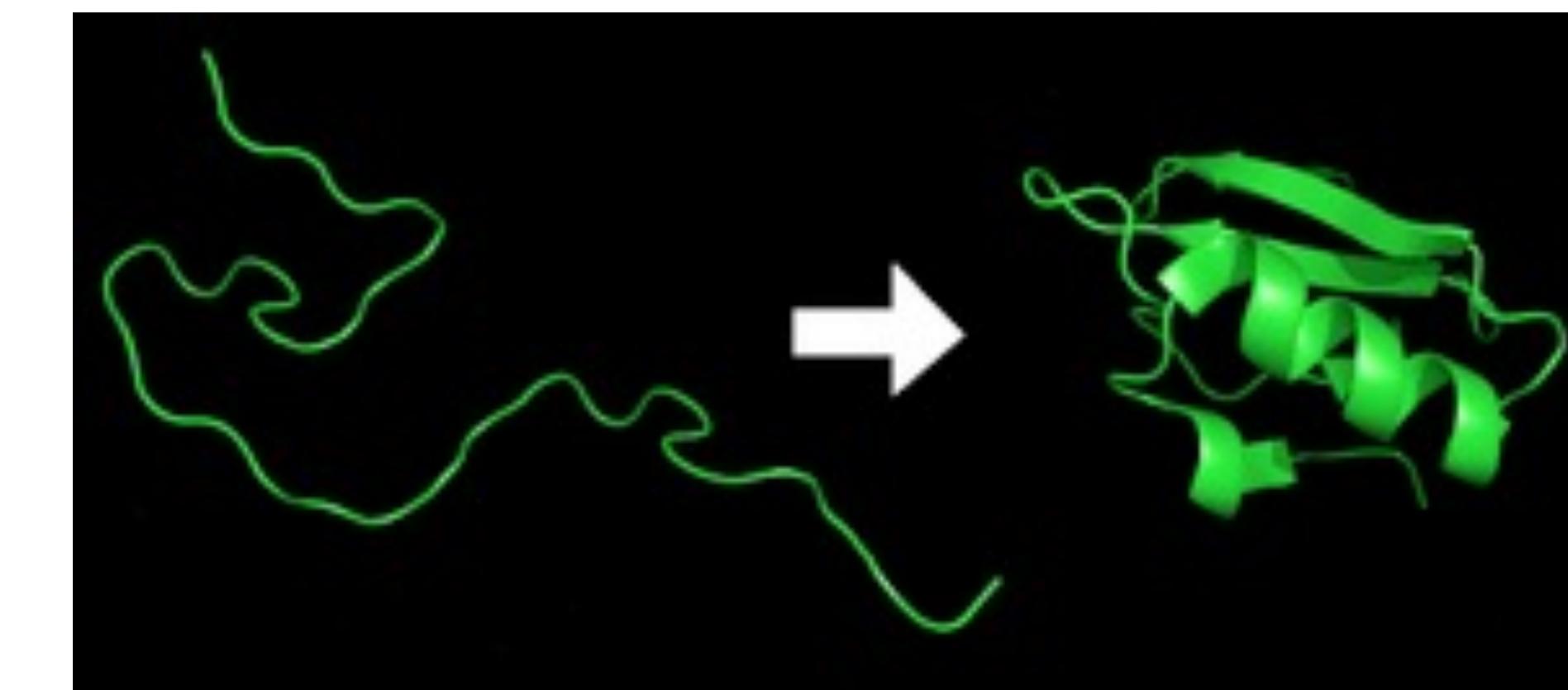
Bár ahány fehérje,
annyi egyedi
szekvencia, a
térszerkezet alapján a
fehérjék néhány fő
osztályba sorolhatók!

Hogyan alakul ki a fehérje térszerkezete?



Christian Anfinsen
(1916-1995)

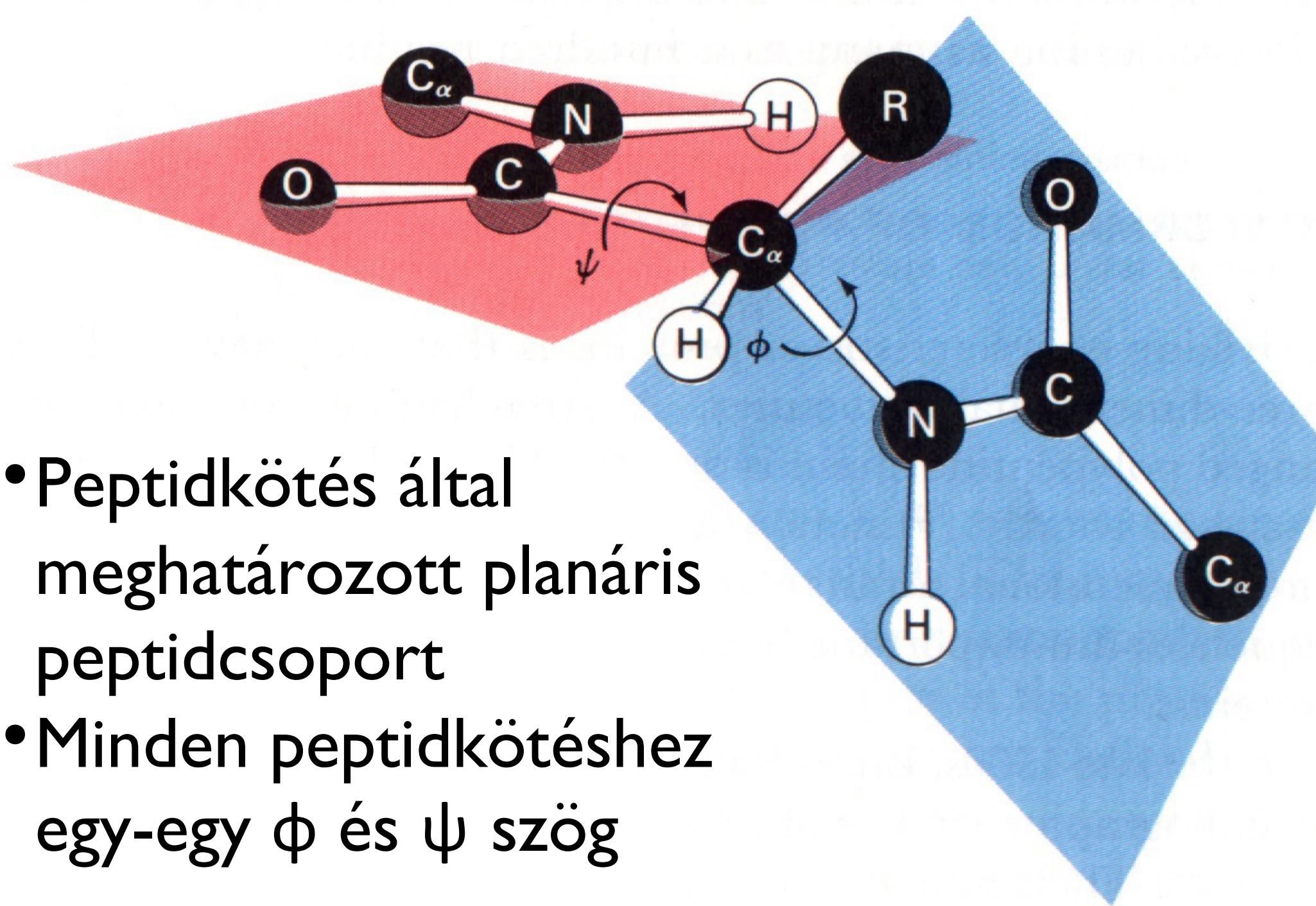
Anfinsen: a fehérjék spontán gombolyodnak (az aminosav sorrend meghatározza a szerkezetet)



Kitekert állapot

Natív szerkezet (N)
Legalacsonyabb energia

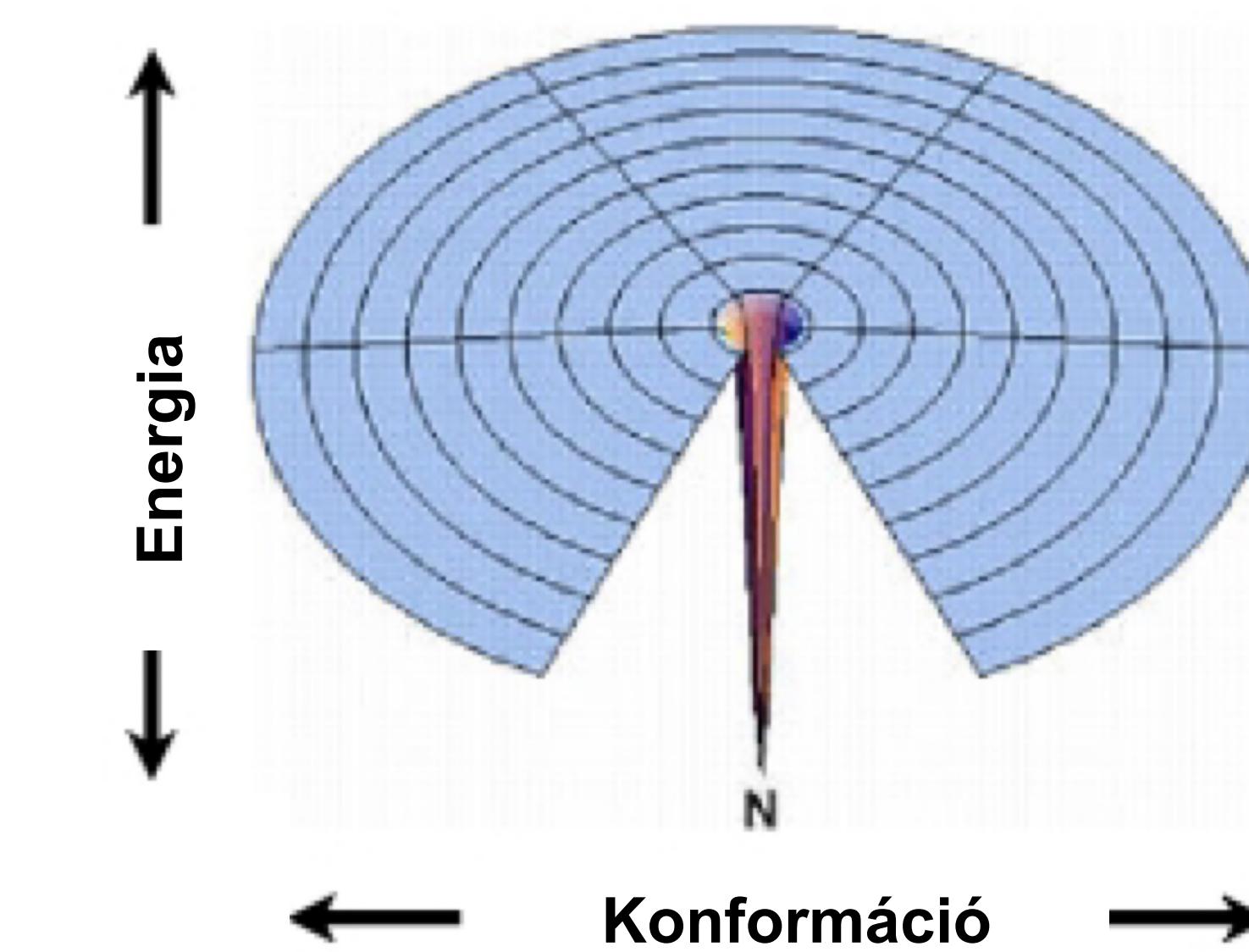
Levinthal-féle paradoxon (Cyrus Levinthal, 1969):
Kipróbálja-e a fehérje az összes lehetséges konformációt?



A lehetséges konformációk (szabadsági fokok) száma: i^n

i = az egyetlen φ vagy ψ szöghöz tartozó elméletileg lehetséges szögállások száma
 n = φ vagy ψ szögek összes száma

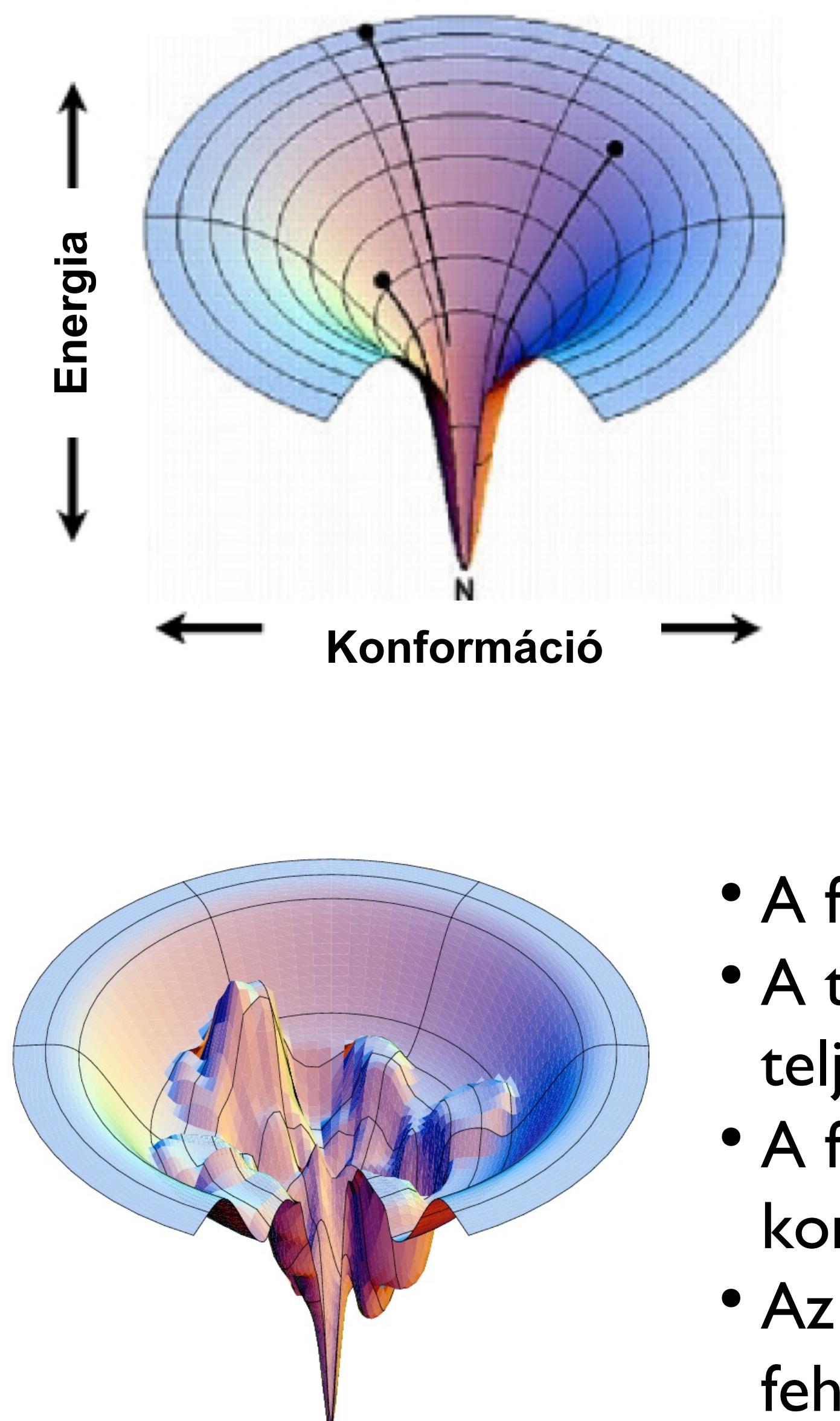
Pl.: 100 aminosavból álló peptidben a φ vagy ψ szögállások lehetséges száma legyen 2.
 $n=198$. Szabadsági fokok száma 2^{198} !!!



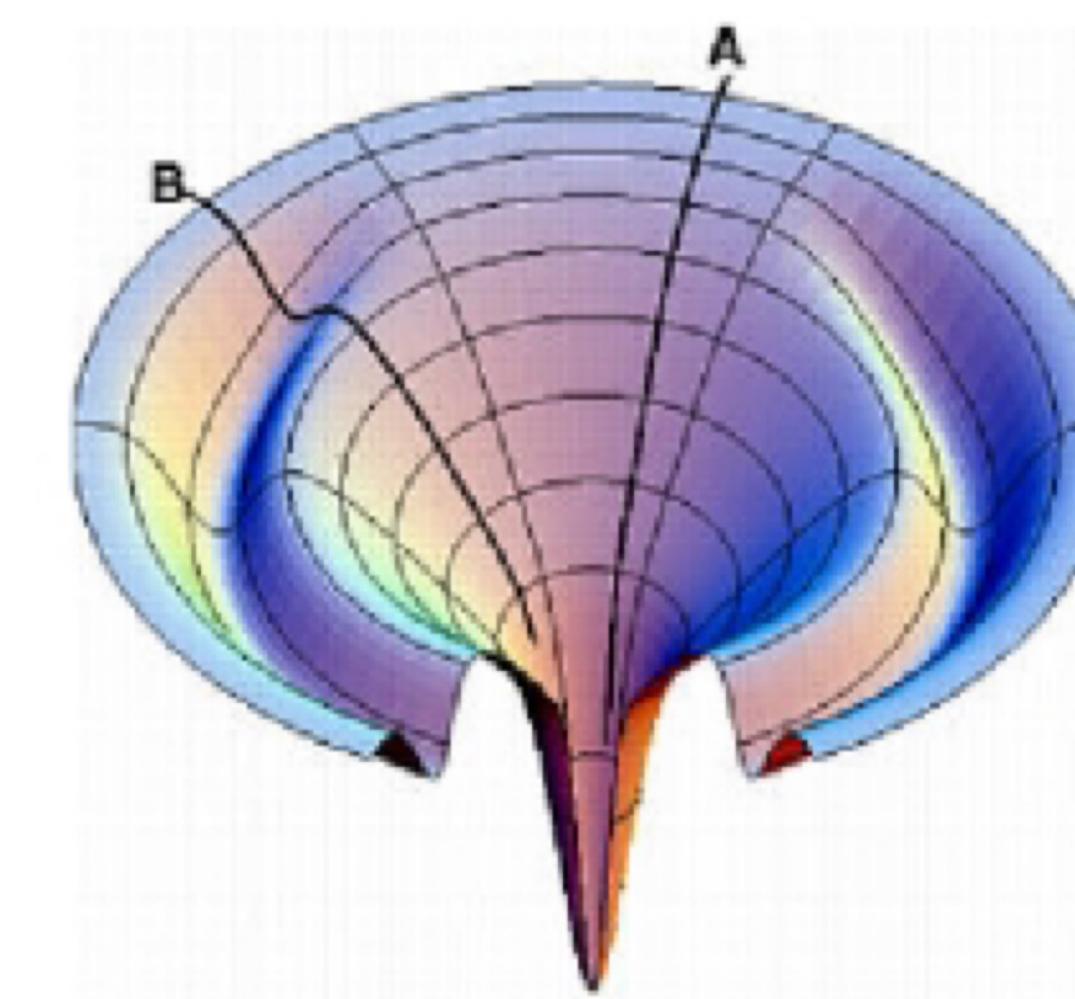
Mi a valószínűsége, hogy egy biliárdgolyó véletlenszerű mozgással beletalál a lyukba?

A fehérjegombolyodást a konformációs tér alakja vezérli

Konformációs tér: gombolyodási tölcsér (“folding funnel”)

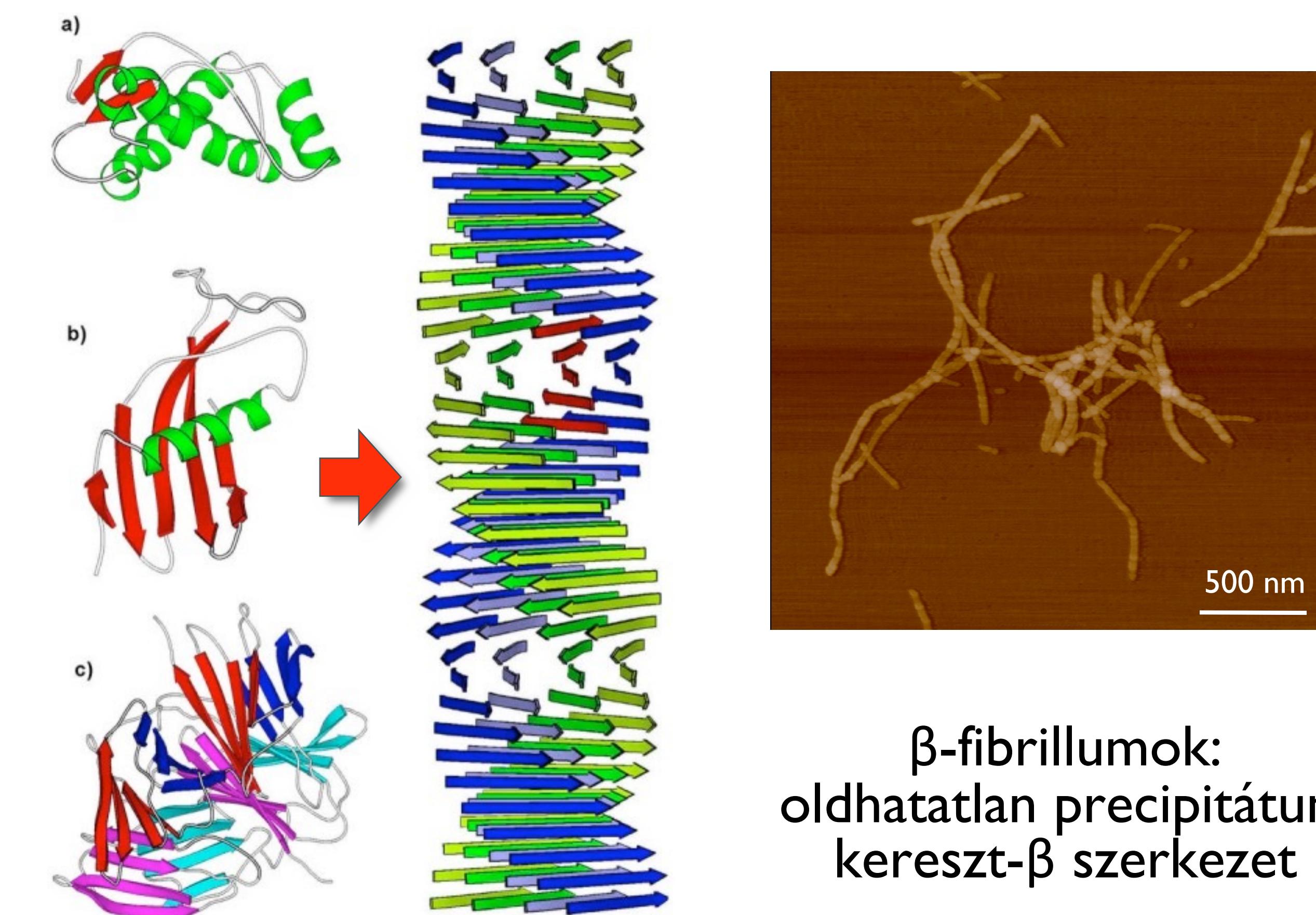


- A fehérjék “lecsúsznak a tölcsér oldalán
- A tölcsér alakja bonyolult lehet (az alak teljes meghatározása nehézkes)
- A fehérje elakadhat köztes konformációs állapotokban (pathologia!)
- Az élő sejt chaperon (dajka-) fehérjékkel segíti a gombolyodást



Pathológia

- Fehérjegombolyodási rendellességek (“folding disease”)
- Alzheimer-kór
- Parkinson-kór
- II. típusú diabetes
- Familialis amiloidotikus neuropátia



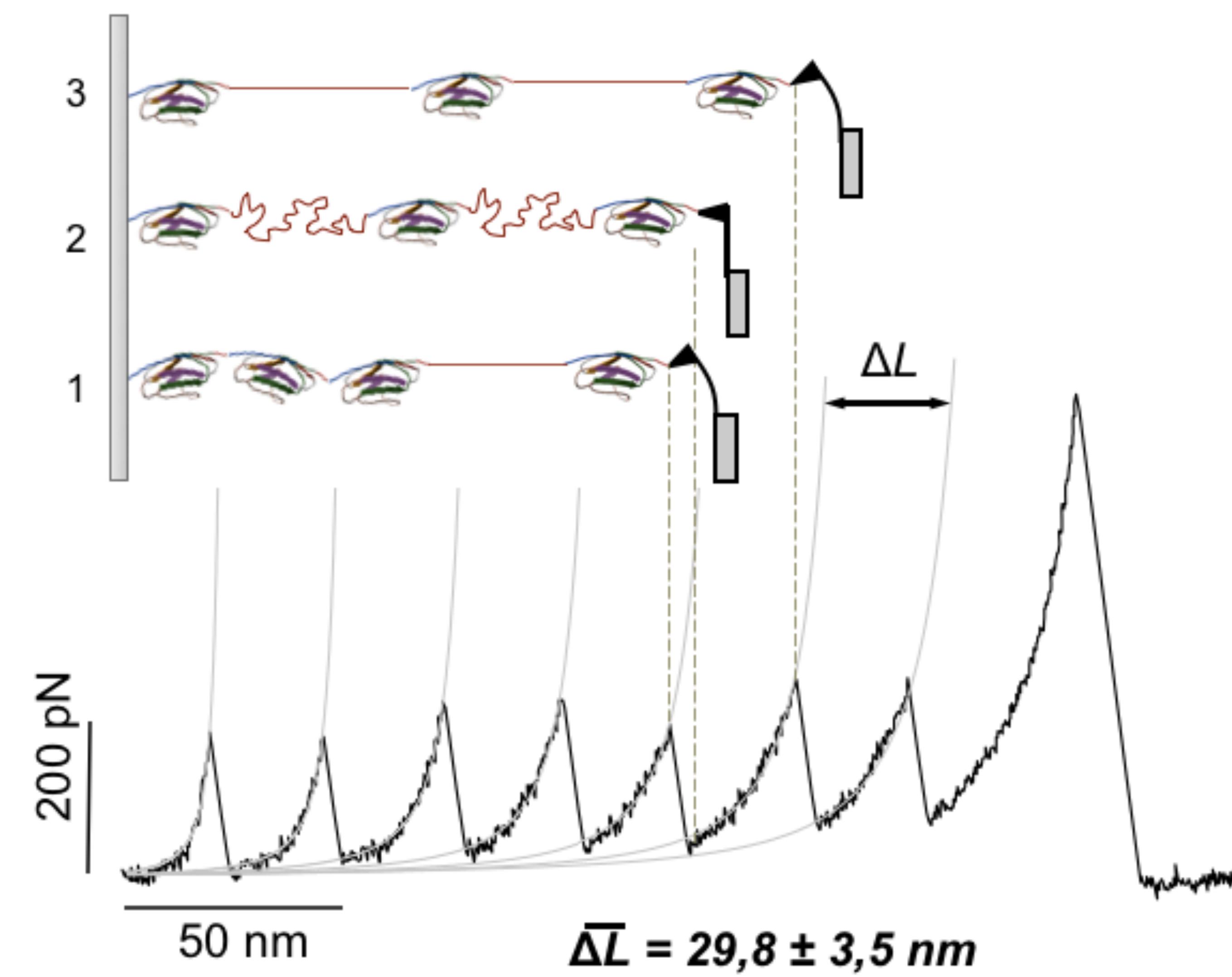
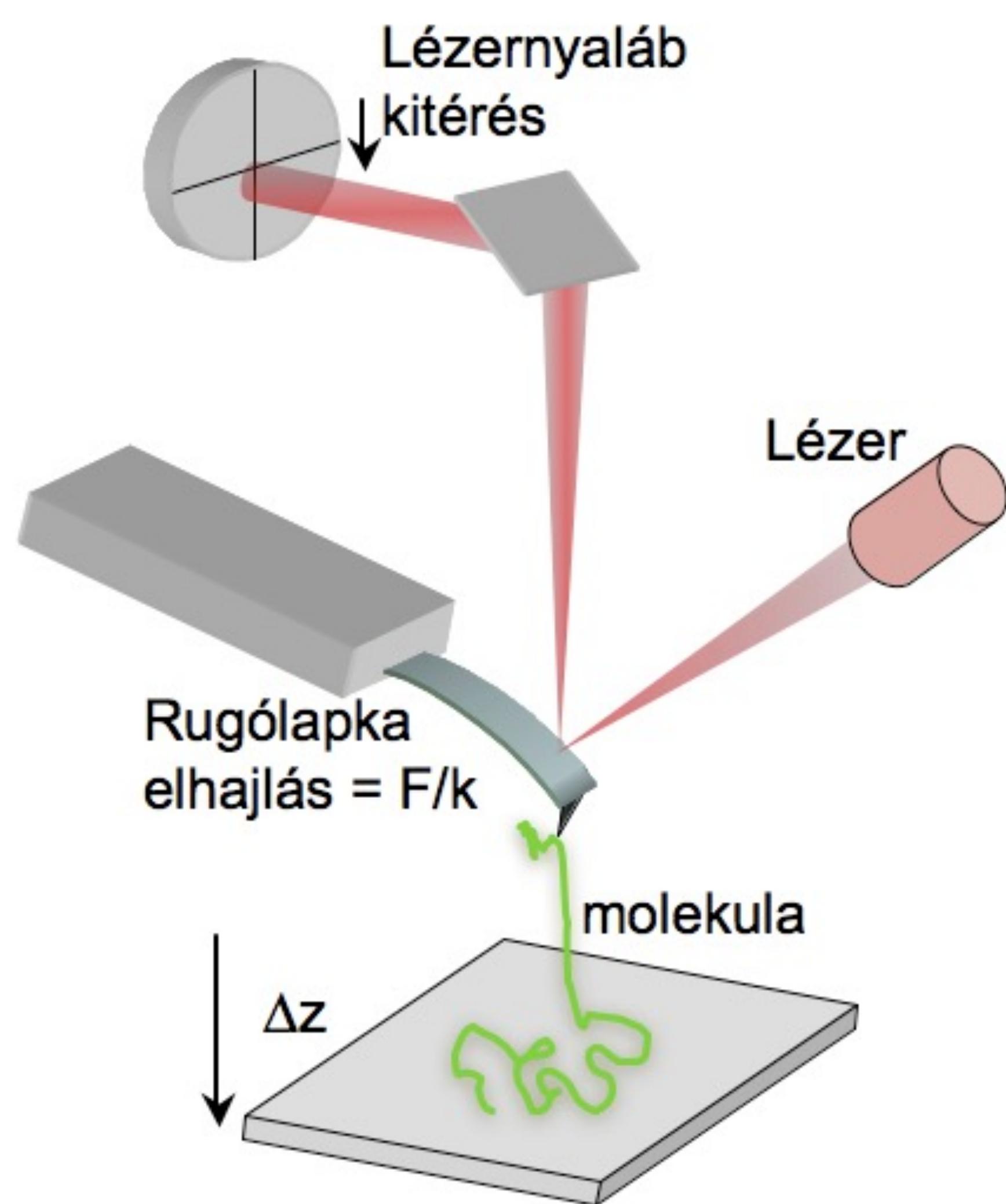
β -fibrillumok:
oldhatatlan precipitátum
kereszt- β szerkezet

Fehérjekitekerési módszerek

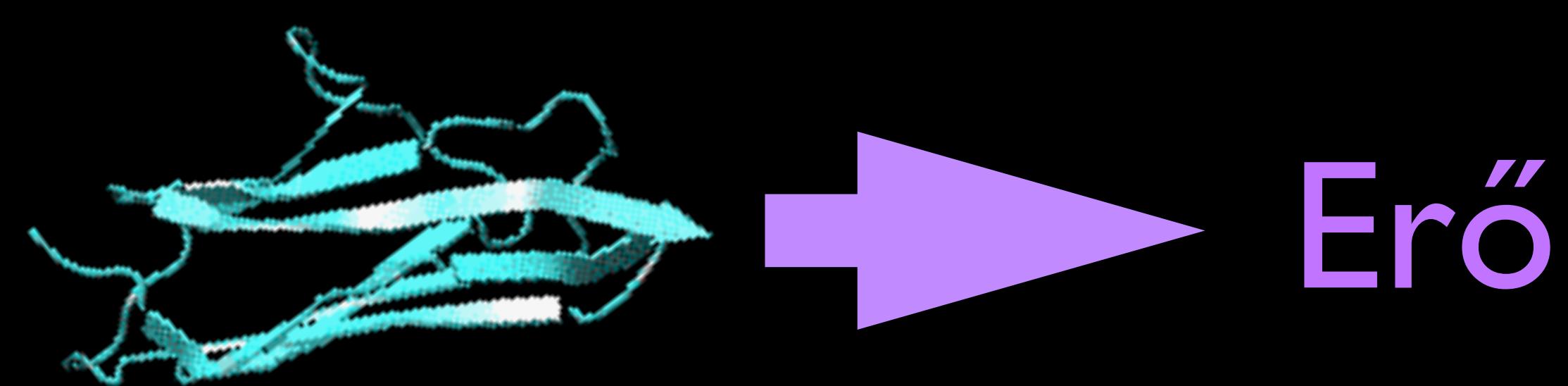
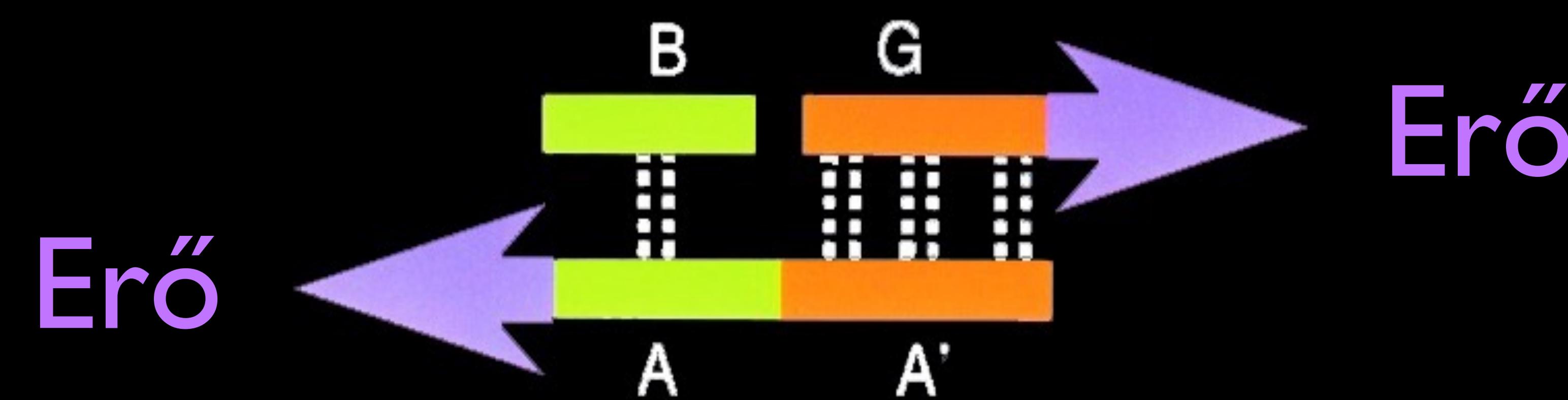
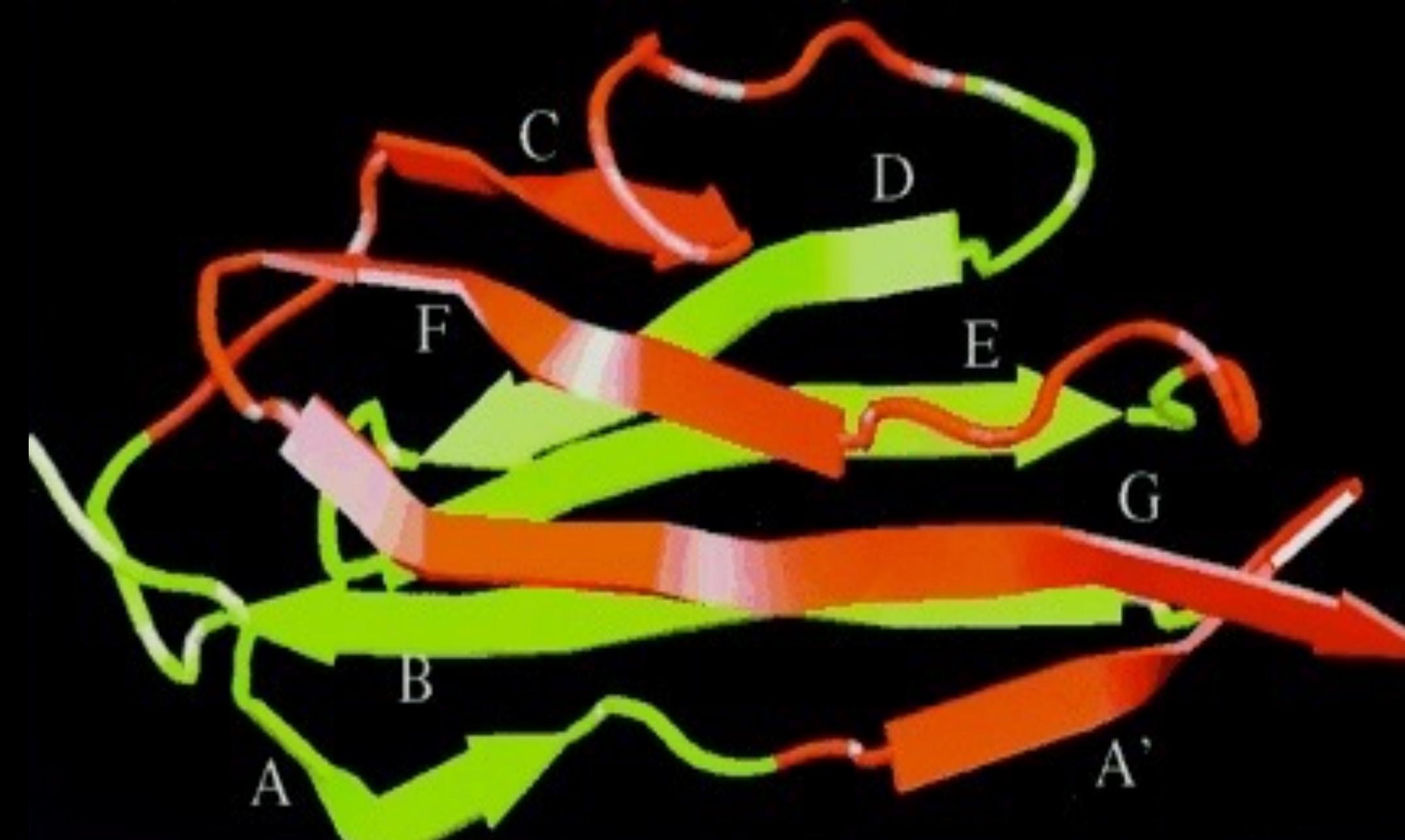
- Hő
- Kémiai ágens
- Mechanikai erő

Felszakítják a másodlagos kémiai kötéseket
Membertávolítják a másodlagos, harmadlagos szerkezetet

Egyetlen fehérjemolekula mechanikai kitekerése atomerőmikroszkóppal

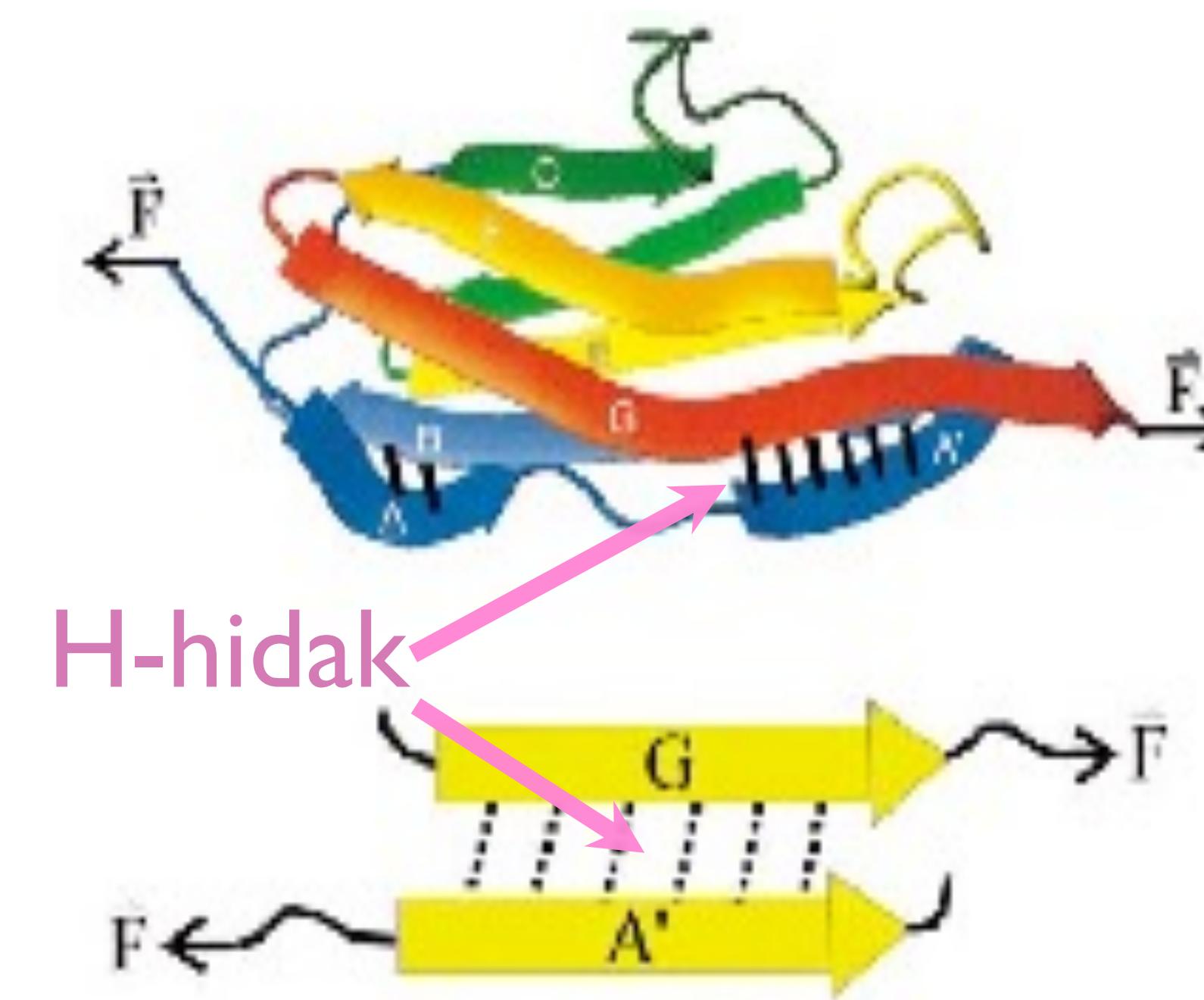


Mechanikai stabilitás szerkezeti alapja

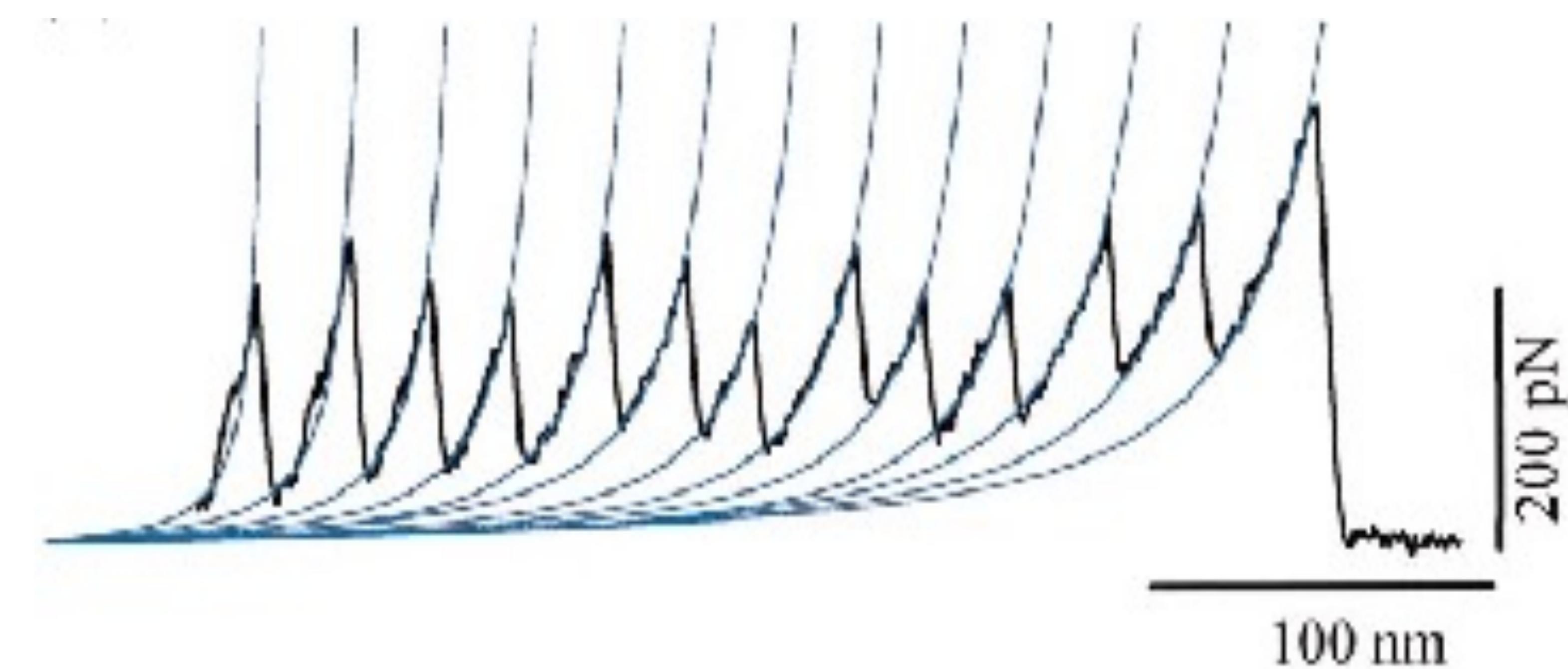


A mechanikai stabilitás biológiai logikája

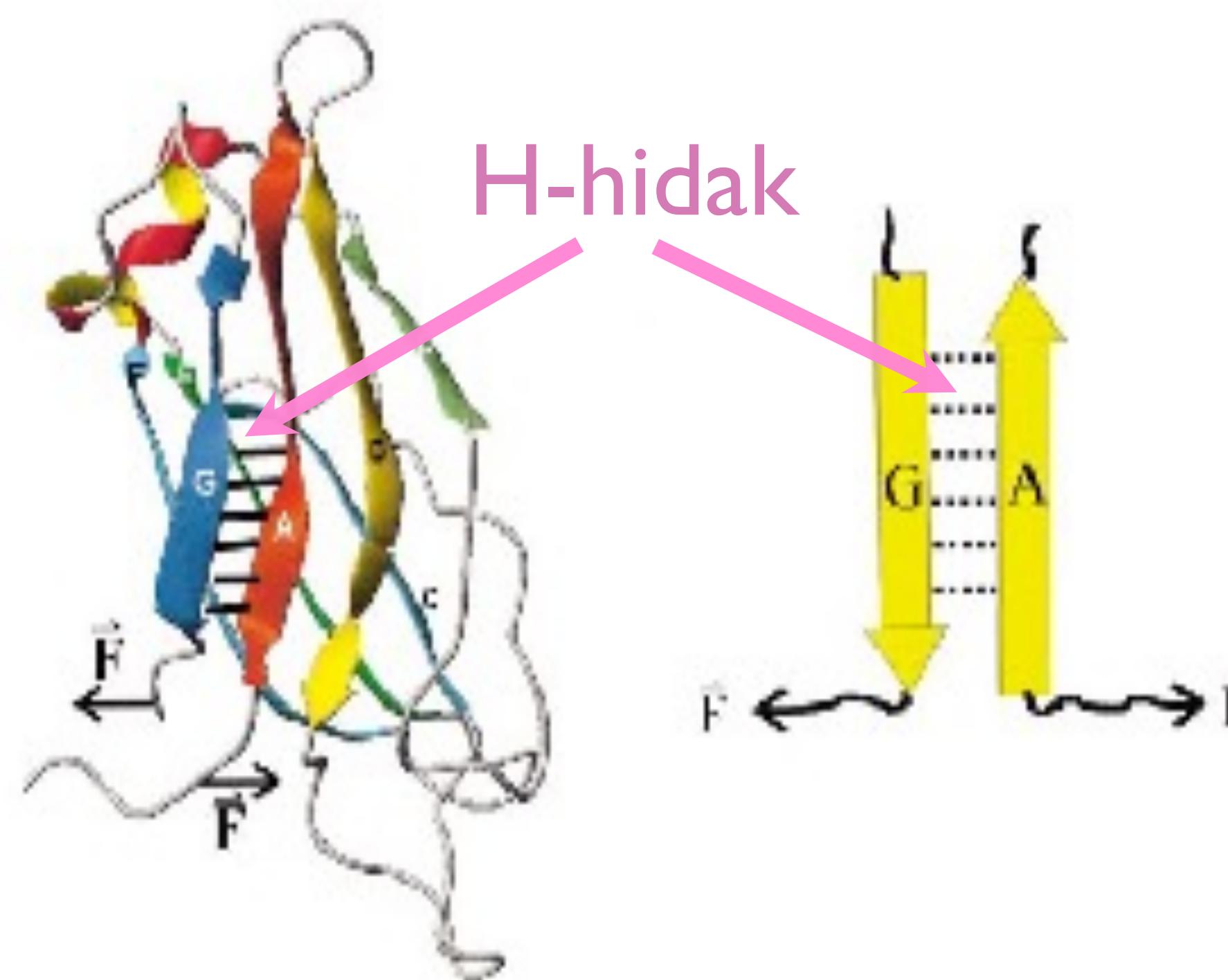
Szerkezetet összetartó H-hidak párhuzamos csatolása



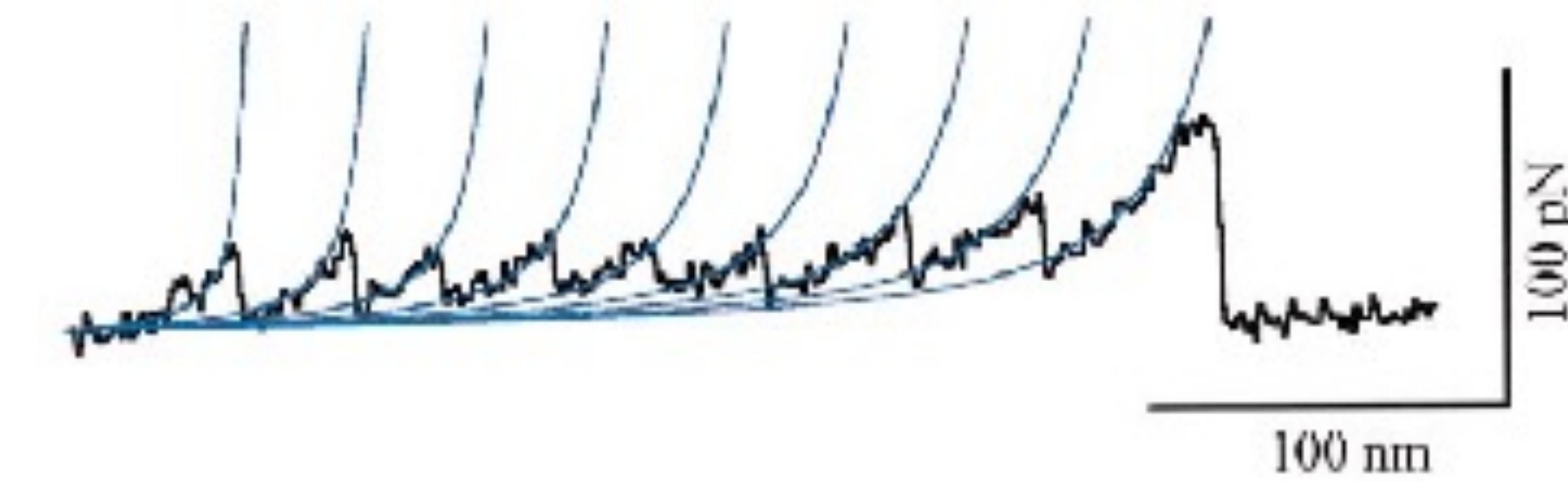
Nagy kitereredési erő



Szerkezetet összetartó H-hidak soros csatolása



Alacsony kitereredési erő

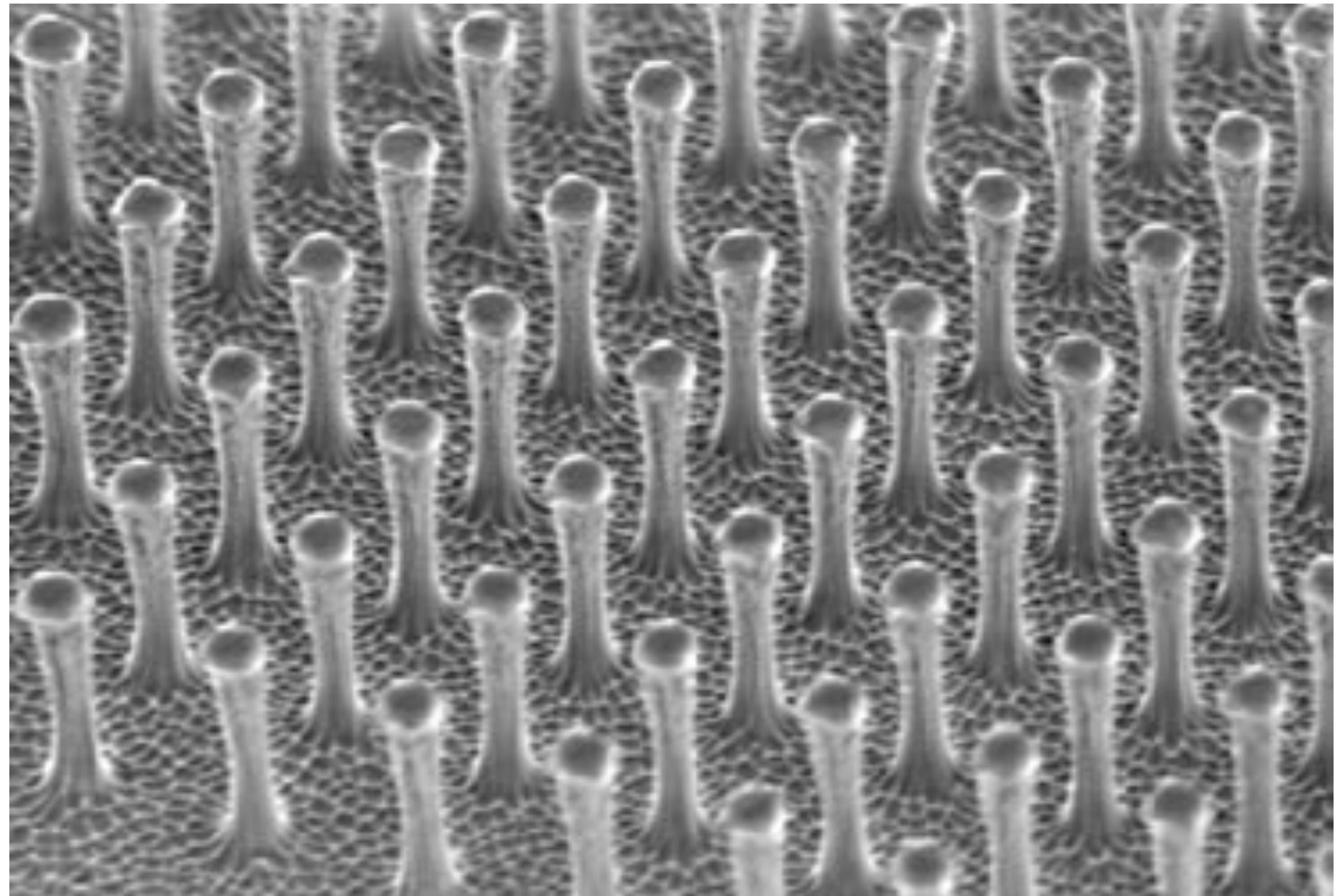


Makroszkópikus mechanikai stabilitás

Effektív ragasztóanyag a párhuzamos csatolás elvén



Mesterséges, nanotechnológiával készített gecko talp



Gecko talp felületi
tapadása:
Párhuzamosan csatolt
Van der Waals
kötések a serték és a
felület között

OMHV



<https://feedback.semmelweis.hu/feedback/pre-show-qr.php?type=feedback&qr=0ZK01C2TZKBI3CMD>